西湖大学生命科学学院窦岩梅课题组(人类基因组学和计算生物学实验室)博士后招聘启事

一、实验室简介/研究领域

PI 简介: 窦岩梅博士于 2017 年毕业于北京大学生命科学学院生物信息中心, 获生物信息学博士学位; 2017-2021 年在哈佛医学院生物医学信息系进行博士后研究工作, 主要研究方向为开发准确检测嵌合突变的生物信息学工具, 解码非癌症人群中嵌合突变的特征, 利用嵌合突变追踪人体发育过程, 探究嵌合突变在非癌症人类疾病中的作用等。窦岩梅博士迄今已以第一作者或共同第一作者身份在 Science, Nature Biotechnology, Nature Neuroscience, Genome Research, Human Mutation, Trends in Genetics 等杂志发表多篇学术论文,将于 2021 年秋季入职西湖大学。

研究方向: 人类嵌合突变相关研究是一个新兴领域,有很多科学问题尚待解决。每个人出生时都自带一张"突变谱",上面记录着从第一次卵裂开始发生的每一个嵌合突变。是否可以用这张突变谱预测将来患各种疾病的概率,以及根据这张突变谱改变生活习惯,降低患病概率? 癌症往往伴随着衰老而发生,然而癌症的萌芽可能开始得很早。胚胎发育早期的嵌合突变是否对癌症有贡献,有多少贡献?另外,检测各种嵌合突变的生物信息学方法仍然亟待开发,比如检测健康人群中常见嵌合点突变的生物信息学方法尚为一片空白。

本实验室将主要采用生物信息学手段,结合湿实验方法,与医院紧密合作, 围绕(但不局限于)嵌合突变展开一系列研究:

- 1. 开发检测一系列常见和罕见嵌合突变的方法;
- 2. 探索人类不同发育阶段突变谱的特征和之间的潜在关联;
- 3. 对嵌合突变进行泛癌检测和分析;
- 4. 探索嵌合突变对一系列人类疾病的影响。

本实验室主要是一个计算生物学/生物信息学实验室,旨在开发和使用各种基因组、生物信息学和统计学方法工具来解决生物学问题;在有实际需求时,我们也将进行湿实验工作。我们将建立一个相互支持和高效的主要由计算生物学家构成的团队。成功的候选人将有机会参与解决一系列与人类基因组学、嵌合突变、人类发育学和精准医疗相关的重大挑战。我们一直在寻找充满激情,才华和有毅力的新团队成员!

实验室主页: https://yanmeidoulab.github.io/

西湖主页:

https://www.westlake.edu.cn/academics/School_of_Life_Science/About/Our Faculty/202104/t20210407 9156.shtml

二、招聘岗位及条件

招聘岗位: 博士后 (2-3)

任职条件:

- 1) 理想的候选人应拥有计算生物学/生物信息学/计算机科学/统计学或其他定量领域的博士学位,以及出色的编程和沟通技巧;非常欢迎在高通量测序数据分析方面有丰富经验的候选人。也欢迎对计算和编程有丰富经验和浓厚兴趣的生物学博士申请;
 - 2) 我们希望聘用至少一位具有统计/计算背景的研究人员。具有出色计算或

统计学背景候选人即使未接受过系统的生物学训练也将纳入考虑;

- 3) 候选人应具有出色的沟通能力和合作能力,并乐于承担一部分实验室初期组建的工作;
 - 4) 候选人应逻辑严谨,认真负责,精通英语,具有良好的英文写作能力;
 - 5) 特别优秀的候选人考虑招聘为助理研究员。

其他要求:

已获得或即将获得博士学位,或同等学历,原则上不超过35岁。

三、薪酬与福利待遇

根据个人科研工作能力和博士后有关规定从优发放。实验室将提供稳定的工作环境与一流的研究平台,协助申报博士后相关项目,并根据兴趣与需求支持个人的职业发展。

对获得中国博士后科学基金资助和省级博士后科研项目资助的,杭州市给予 1:1 配套资助。对出站留杭(来杭)工作的博士后,杭州市给予每人 40 万元补助。

四、应聘方式

请将以下材料(PDF 格式)发送至 <u>douyanmei@westlake.edu.cn</u>,并在电子邮件主题中注明"应聘博士后(您的姓名)"。

- 1) 求职信(简要说明您的研究经历以及您对我们的实验室感兴趣的原因);
- 2) 详细的简历(包括完整的出版物清单);
- 3) 博士学历学位证明材料;
- 4) 任何其他佐证您的学术能力和成就的文件;
- 5) 请安排 2-3 封推荐信(含博士导师推荐信), 直接发送至

douyanmei@westlake.edu.cn。如果出于特殊原因您的博士导师无法提供推荐信,请在求职信中说明原因,并安排其他推荐人发送推荐信。