西湖大学生命科学学院窦岩梅课题组(人类基因组学和计算生物学实验室)科研助理招聘启事

一、实验室简介/研究领域

PI 简介: 窦岩梅博士于 2017 年毕业于北京大学生命科学学院生物信息中心, 获生物信息学博士学位; 2017-2021 年在哈佛医学院生物医学信息系进行博士后研究工作, 主要研究方向为开发准确检测嵌合突变的生物信息学工具, 解码非癌症人群中嵌合突变的特征, 利用嵌合突变追踪人体发育过程, 探究嵌合突变在非癌症人类疾病中的作用等。窦岩梅博士迄今已以第一作者或共同第一作者身份在 Science, Nature Biotechnology, Nature Neuroscience, Genome Research, Human Mutation, Trends in Genetics 等杂志发表多篇学术论文,将于 2021 年秋季入职西湖大学。

研究方向:人类嵌合突变相关研究是一个新兴领域,有很多科学问题尚待解决。每个人出生时都自带一张"突变谱",上面记录着从第一次卵裂开始发生的每一个嵌合突变。是否可以用这张突变谱预测将来患各种疾病的概率,以及根据这张突变谱改变生活习惯,降低患病概率? 癌症往往伴随着衰老而发生,然而癌症的萌芽可能开始得很早。胚胎发育早期的嵌合突变是否对癌症有贡献,有多少贡献?另外,检测各种嵌合突变的生物信息学方法仍然亟待开发,比如检测健康人群中常见嵌合点突变的生物信息学方法尚为一片空白。

本实验室将主要采用生物信息学手段,结合湿实验方法,与医院紧密合作, 围绕(但不局限于)嵌合突变展开一系列研究:

- 1. 开发检测一系列常见和罕见嵌合突变的方法;
- 2. 探索人类不同发育阶段突变谱的特征和之间的潜在关联;
- 3. 对嵌合突变进行泛癌检测和分析;
- 4. 探索嵌合突变对一系列人类疾病的影响。

本实验室主要是一个计算生物学/生物信息学实验室,旨在开发和使用各种基因组、生物信息学和统计学方法工具来解决生物学问题;在有实际需求时,我们也将进行湿实验工作。我们将建立一个相互支持和高效的主要由计算生物学家构成的团队。成功的候选人将有机会参与解决一系列与人类基因组学、嵌合突变、人类发育学和精准医疗相关的重大挑战。我们一直在寻找充满激情,才华和有毅力的新团队成员!

实验室主页: https://yanmeidoulab.github.io/

西湖主页:

https://www.westlake.edu.cn/academics/School_of_Life_Science/About/Our Faculty/202104/t20210407 9156.shtml

二、招聘岗位及条件

招聘岗位:科研助理 (2-3)

工作职责 (候选人应具备≥2 项所列任务的能力):

- 1) 负责实验室成员入职培训;
- 2) 维护实验室网站,管理实验室产生的数据;
- 3) 协助维护实验室开发的软件和工具;
- 4) 协助申请和下载公共数据集;
- 5) 协助在实验室服务器上安装和维护软件;

- 6) 协助收集样本组织 (与医院合作);
- 7) 协助 PI 和博后完成科研项目。

任职条件:

- 1) 拥有(或即将拥有)生物学,计算机科学或其他相关领域的学士或硕士学位;
 - 2) 具有良好的沟通能力;
 - 3) 具有良好的英语写作能力;
- 4) 熟悉 Linux 操作系统,并且具有至少一种编程语言的经验(不是必须,但对这个工作申请会有很大帮助)。

三、薪酬与福利待遇

根据西湖大学相关规定以及申请人工作能力,实验室将提供在国内外具有竞争力的薪酬待遇以及科研条件,享受五险一金及西湖大学的相关福利。具体待遇面议。

四、应聘方式

请将您的详细简历 (PDF 格式) 发送至 <u>douyanmei@westlake.edu.cn</u>, 并在电子邮件主题中注明 "应聘科研助理 (您的姓名)"。我们将邮件通知申请初 步筛选结果,并联系通过的候选人进行进一步面试。