

西湖大学生命科学学院窦岩梅课题组（人类基因组学和计算生物学实验室）博士后招聘启事

一、实验室简介/研究领域

PI 简介: 窦岩梅博士于 2017 年毕业于北京大学生命科学学院生物信息中心，获生物信息学博士学位；2017-2021 年在哈佛医学院生物医学信息系进行博士后研究工作，主要研究方向为开发准确检测嵌合突变的生物信息学工具，解码非癌症人群中嵌合突变的特征，利用嵌合突变追踪人体发育过程，探究嵌合突变在非癌症人类疾病中的作用等。窦岩梅博士迄今已以第一作者或共同第一作者身份在 Science, Nature Biotechnology, Nature Neuroscience, Genome Research, Human Mutation, Trends in Genetics 等杂志发表多篇学术论文，于 2021 年秋季入职西湖大学，回国后已获得西湖教育基金会、国家自然科学基金委等部门的资助。

研究方向: 人类嵌合突变相关研究是一个新兴领域，有很多科学问题尚待解决。每个人出生时都自带一张“突变谱”，上面记录着从第一次卵裂开始发生的每一个嵌合突变。这些突变是否是导致衰老的原因？是否可以用这张突变谱预测将来患各种疾病的概率，以及根据这张突变谱改变生活习惯，降低患病概率？癌症往往伴随着衰老而发生，然而癌症的萌芽可能开始得很早。胚胎发育早期的嵌合突变是否对癌症有贡献，有多少贡献？另外，检测各种嵌合突变的生物信息学方法仍然亟待开发。

本实验室将主要采用生物信息学手段，结合湿实验方法，与医院紧密合作，围绕（但不局限于）嵌合突变展开一系列研究：

1. 开发检测不同种类嵌合突变的方法；
2. 探索人类不同发育阶段突变谱的特征和之间的潜在关联；
3. 对嵌合突变进行泛癌检测和分析；
4. 探索嵌合突变对衰老和一系列人类疾病的影响。

本实验室是一个计算生物学实验室，旨在开发和使用各种基因组、生物信息学和统计学方法来进行基因组数据挖掘和解决生物学问题。我们将建立一个相互

支持和高效的主要由计算生物学家构成的团队。成功的候选人将有机会参与解决一系列与人类基因组学、嵌合突变、人体发育学和精准医疗相关的重大挑战。我们一直在寻找充满激情，才华和有毅力的新团队成员！

实验室主页：<https://douymmlab.github.io/>

西湖主页：

https://sfs.westlake.edu.cn/Our_Faculty/202104/t20210407_9156.shtml

二、招聘岗位及条件

招聘岗位：

基因组方向博士后（1-2 名），生物信息学、生物统计学方向博士后（1-2 名）

任职条件：

1. （基因组方向）拥有基因组学、分子生物学、生物化学、遗传学或者相关专业的博士学位；具备分子、生化、细胞培养、基因组学等方面实验背景；熟悉高通量测序技术。具有单细胞基因组扩增、测序建库等研究经验者将优先考虑。
2. （生物信息、生物统计学方向）候选人应拥有计算生物学/生物信息学/计算机科学/统计学或其他定量领域的博士学位，具有编程能力和大数据分析整合能力。具有出色计算机编程能力或统计学背景候选人将优先考虑。
3. 候选人应具有出色的沟通能力和合作精神（我们鼓励组内和组间合作）。
4. 候选人应逻辑严谨，认真负责，具有良好的英文沟通和阅读写作能力。
5. 已获得或即将获得博士学位，或同等学历，原则上不超过 35 岁。

三、薪酬与福利待遇

根据个人科研工作能力和博士后有关规定从优发放。实验室将提供稳定的工作环境与一流的研究平台，协助申报博士后相关项目，并根据兴趣与需求支持个人的职业发展。

对获得中国博士后科学基金资助和省级博士后科研项目资助的，杭州市给予 1:1 配套资助。对出站留杭（来杭）工作的博士后，杭州市给予每人 40 万元补

助。

四、应聘方式

请将以下材料（PDF 格式）发送至 douyanmei@westlake.edu.cn，并在电子邮件主题中注明“应聘博士后（您的姓名）”，对于符合要求并通过初审的候选人将会通知安排面试。招聘启事在岗位招满前有效。

1. 求职信（简要说明您的研究经历以及您对我们的实验室感兴趣的原因）；
2. 个人简历（包括详细学习工作经历、研究内容和完整的出版物清单）；
3. 任何其他佐证您的学术能力和成就的文件；
4. 面试结束后请提供博士学历学位证明材料及 2-3 封推荐信（含博士生导师推荐信），推荐信请由推荐人直接发送至 douyanmei@westlake.edu.cn。