

k__Bacteria k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_Acidobacteria-5; o_ k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_Acidobacteria-6; o_iii1-15 k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_DA052; o_Ellin6513 k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_Holophagae; o_Holophagales k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_Solibacteres; o_Solibacterales k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_[Chloracidobacteria]; o_PK29 k_Bacteria; p_Acidobacteria; c_[Chloracidobacteria]; o_RB41 k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_Acidimicrobiia; o_Acidimicrobiales k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_Actinobacteria; o_Actinomycetales k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_Actinobacteria; o_Bifidobacteriales k Bacteria; p Actinobacteria; c__Coriobacteriia; o__Coriobacteriales k_Bacteria; p_Actinobacteria; c_OPB41; o_ k Bacteria; p Actinobacteria; c Thermoleophilia; o Gaiellales k Bacteria; p Actinobacteria; c Thermoleophilia; o__Solirubrobacterales k_Bacteria; p_Armatimonadetes; c_Armatimonadia; o_Armatimonadales k Bacteria; p Bacteroidetes; c Bacteroidia; o Bacteroidales k Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Cytophagia; o_Cytophagales k Bacteria; p Bacteroidetes; c_Flavobacteriia; o_Flavobacteriales k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_Sphingobacteriia; o_Sphingobacteriales k_Bacteria; p_Bacteroidetes; c_[Saprospirae]; o_[Saprospirales] k_Bacteria; p_Chlorobi; c_BSV26; o_C20 k_Bacteria; p_Chlorobi; c_OPB56; o_ k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Anaerolineae; o_Caldilineales k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Anaerolineae; o_SBR1031 k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Anaerolineae; o_envOPS12 k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_C0119; o_ k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Chloroflexi; o_AKIW781 k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Chloroflexi; o_[Roseiflexales] k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_Gitt-GS-136; o_ k_Bacteria; p_Chloroflexi; c_S085; o_ k_Bacteria; p_Cyanobacteria; c_4C0d-2; o_MLE1-12 k_Bacteria; p_Cyanobacteria; c_4C0d-2; o_YS2 k Bacteria; p Cyanobacteria; c_Oscillatoriophycideae; o_Chroococcales k_Bacteria; p_Cyanobacteria; c_Synechococcophycideae; o_Pseudanabaenales k_Bacteria; p_Cyanobacteria; c_Synechococcophycideae; o_Synechococcales k_Bacteria; p_Elusimicrobia; c_Elusimicrobia; o_Elusimicrobiales k_Bacteria; p_Elusimicrobia; c_Elusimicrobia; o_IIb k_Bacteria; p_Elusimicrobia; c_Endomicrobia; o_ k_Bacteria; p__FCPU426; c__; o__ k_Bacteria; p__Fibrobacteres; c__Fibrobacteria; o__258ds10 k Bacteria; p Firmicutes; c Bacilli k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Bacilli; o_Bacillales k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Bacilli; o_Gemellales k_Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Lactobacillales k_Bacteria; p__Firmicutes; c__Bacilli; o__Turicibacterales k_Bacteria; p__Firmicutes; c__Clostridia; o__Clostridiales k_Bacteria; p_Firmicutes; c_Erysipelotrichi; o_Erysipelotrichales k_Bacteria; p_Fusobacteria; c_Fusobacteriia; o_Fusobacteriales k_Bacteria; p_GN02; c_3BR-5F; o_ k_Bacteria; p_GN02; c_BD1-5; o_ k_Bacteria; p_GN02; c_GKS2-174; o_ k_Bacteria; p_Gemmatimonadetes; c_Gemm-1; o_ k_Bacteria; p_Gemmatimonadetes; c_Gemmatimonadetes k_Bacteria; p_Gemmatimonadetes; c_Gemmatimonadetes; o_Gemmatimonadales k_Bacteria; p_Gemmatimonadetes; c_Gemmatimonadetes; o_KD8-87 k_Bacteria; p_Lentisphaerae; c_[Lentisphaeria]; o_Victivallales k_Bacteria; p_NC10; c_12-24; o_Methylomirabiliales k Bacteria; p Nitrospirae; c Nitrospira; o Nitrospirales k_Bacteria; p_OD1; c_; o_ k_Bacteria; p_OD1; c_ABY1; o_ k_Bacteria; p_OD1; c_SM2F11; o_ k_Bacteria; p_OD1; c_ZB2; o_ k_Bacteria; p_OP3; c_BD4-9; o_ k_Bacteria; p_OP3; c_koll11; o_ k_Bacteria; p_OP3; c_koll11; o_GIF10 k_Bacteria; p_OP11; c_OP11-3; o_ k_Bacteria; p_OP11; c_OP11-4; o_ k_Bacteria; p_Planctomycetes; c_C6; o_MVS-107 k_Bacteria; p_Planctomycetes; c_OM190; o_agg27 k_Bacteria; p_Planctomycetes; c_Phycisphaerae; o_Phycisphaerales k_Bacteria; p_Planctomycetes; c_Planctomycetia; o_Gemmatales k_Bacteria; p_Planctomycetes; c_vadinHA49; o_DH61 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_; o_ k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_ k Bacteria; p Proteobacteria; c Alphaproteobacteria; o BD7-3 k Bacteria; p Proteobacteria; c__Alphaproteobacteria; o__Caulobacterales k Bacteria; p__Proteobacteria; c__Alphaproteobacteria; o__Ellin329 k Bacteria; p Proteobacteria; c Alphaproteobacteria; o Kiloniellales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_RF32 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_Rhizobiales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_Rhodobacterales k Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_Rhodospirillales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_Rickettsiales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Alphaproteobacteria; o_Sphingomonadales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_ k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Burkholderiales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Ellin6067 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_MND1 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Methylophilales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Neisseriales k Bacteria; p__Proteobacteria; c__Betaproteobacteria; o__Procabacteriales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Rhodocyclales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_SBla14 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_SC-I-84 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Betaproteobacteria; o_Thiobacterales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_Bdellovibrionales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_Desulfovibrionales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_FAC87 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_MIZ46 k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_Myxococcales | k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_Spirobacillales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Deltaproteobacteria; o_Syntrophobacterales k Bacteria; p_Proteobacteria; c_Epsilonproteobacteria; o_Campylobacterales k Bacteria; p__Proteobacteria; c__Gammaproteobacteria k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_ k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Aeromonadales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Alteromonadales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Enterobacteriales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Legionellales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Methylococcales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Oceanospirillales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Pasteurellales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Pseudomonadales k_Bacteria; p_Proteobacteria; c_Gammaproteobacteria; o_Xanthomonadales k_Bacteria; p_SR1; c__; o__ k_Bacteria; p_Spirochaetes; c_Spirochaetes; o_Spirochaetales k_Bacteria; p_Spirochaetes; c_[Leptospirae]; o_[Leptospirales] k_Bacteria; p_Synergistetes; c_Synergistia; o_Synergistales k_Bacteria; p_TM6; c_SJA-4; o_ k_Bacteria; p_TM7; c__; o__ k_Bacteria; p_TM7; c_SC3; o_ k Bacteria; p TM7; c TM7-1; o k_Bacteria; p_TM7; c_TM7-3; o_ k_Bacteria; p_TM7; c_TM7-3; o_Blgi18 k_Bacteria; p__TM7; c__TM7-3; o__CW040 k_Bacteria; p_TM7; c_TM7-3; o_EW055 k_Bacteria; p_Tenericutes; c_Mollicutes; o_Anaeroplasmatales k_Bacteria; p_Tenericutes; c_Mollicutes; o_RF39 k_Bacteria; p_Tenericutes; c_RF3; o_ML615J-28 k_Bacteria; p_Thermotogae; c_Thermotogae; o_Thermotogales k_Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Opitutae; o_Opitutales k_Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Opitutae; o_[Cerasicoccales] k_Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_Verrucomicrobiae; o_Verrucomicrobiales k_Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_[Pedosphaerae]; o_[Pedosphaerales] k_Bacteria; p_Verrucomicrobia; c_[Spartobacteria]; o_[Chthoniobacterales] k_Bacteria; p_WPS-2; c__; o__ k_Bacteria; p_[Thermi]; c_Deinococci; o_Deinococcales k_Bacteria; p_[Thermi]; c_Deinococci; o_Thermales