

UNIVERSIDAD TÉCNICA
FEDERICO SANTA MARÍA

Departamento de Matemática
MAT281
Segundo Semestre 2023

Tarea 1

Aplicaciones de las matemáticas a la ingeniería

Nombre: Diego Alejandro Astaburuaga Corveleyn
Rol: 202010018-7

Valparaíso, Septiembre de 2023

1. Preliminares

A continuación se presenta la respuesta y desarrollo a la Tarea 1 del ramo aplicaciones de las matemáticas a la ingeniería. Las imágenes y códigos mostrados son de propia autoría con fuerte apoyo de herramientas computacionales disponibles en internet y del material de apoyo entregado por el profesor.

Se pueden encontrar todos los códigos utilizados en mi repositorio de GitHub (<- cuyo enlace está aquí). Aquí sólo se mostrarán algunos referenciales.

2. Tarea 1

Considere el conjunto de datos `column_2C` disponible en AULA que contiene valores para seis características biomecánicas utilizadas para clasificar a los pacientes ortopédicos en 2 clases (normal o anormal). Más precisamente se tienen las siguientes covariables:

- X_1 : incidencia pélvica.
- X_2 : inclinación pélvica.
- X_3 : ángulo de lordosis lumbar.
- X_4 : pendiente sacra.
- X_5 : radio pélvico.
- X_6 : grado de espondilolistesis.

donde la última columna corresponde a la variable de respuesta (nombrada como `status`) que corresponde a la etiqueta `N0` y `AB`, que indica si el paciente es normal o anormal respectivamente.

- a. ¿Cuántas observaciones hay en el conjunto de datos? ¿Cuántas observaciones corresponden a cada etiqueta?

Respuesta: Utilizando el código

```
1 df["status"].value_counts()
```

Listing 1: Variables por etiqueta.

donde `df` es la variable con el dataframe relacionado a los datos y `status` es el nombre puesto a la columna de las etiquetas.

Para la etiqueta `AB` hay 210 datos mientras que para `N0` hay 100. En total hay 310 observaciones. Se observa que las clases no están balanceadas:

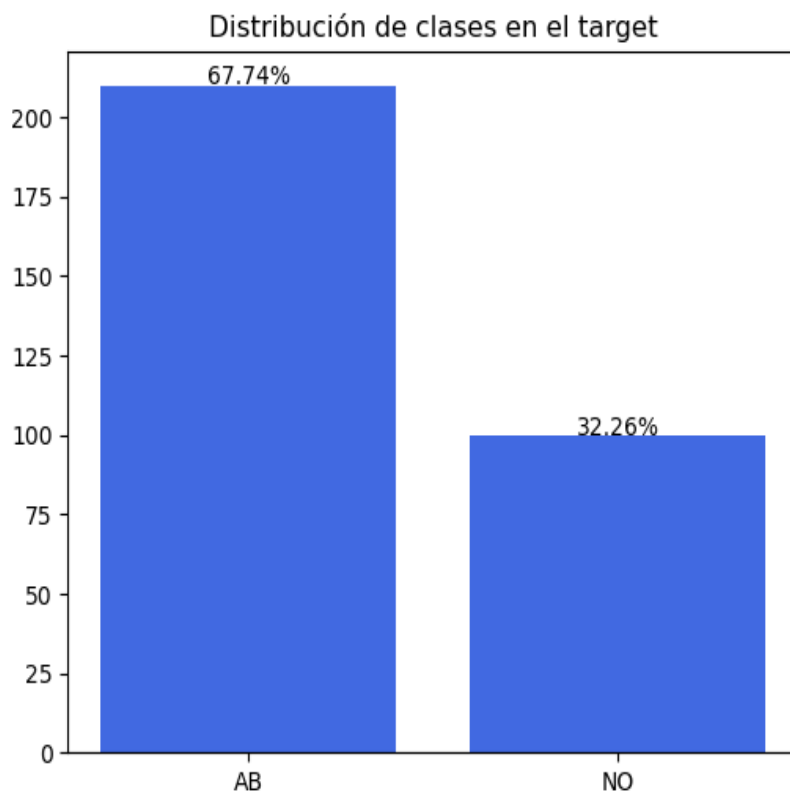


Figura 1: Distribución del target.

- b. Realice histogramas para cada una de las covariables (separando las observaciones de acuerdo a las distintas etiquetas). Además, reporte las medidas de tendencia central, dispersión y forma. Comente los resultados.

Respuesta: Utilizando el siguiente código se obtienen las medidas de tendencia central, dispersión y forma para ambas etiquetas.

```
1  for status in pd.unique(df['status']):
2  print(f'Medidas de tendencia central,
3      dispersion y forma para: {status}')
4  temp = df[df['status']==status].drop(['status'], axis=1)
5  info = temp.describe().T
6  info['skew'] = temp.skew()
7  info['curtosis'] = temp.kurt()
8  display(info)
```

Listing 2: Medidas de tendencia.

Medidas de tendencia central, dispersión y forma para: AB										
	count	mean	std	min	25%	50%	75%	max	skew	curtosis
incidencia pélvica	210.0	64.692143	17.661807	26.15	50.1050	65.275	77.5975	129.83	0.274841	0.202589
inclinación pélvica	210.0	19.791048	10.515653	-6.55	13.0475	18.795	24.8125	49.43	0.543336	0.165615
ángulo de lordosis lumbar	210.0	55.925190	19.668972	14.00	41.1175	56.150	68.1050	125.74	0.314309	-0.173225
pendiente sacra	210.0	44.901524	14.515133	13.37	34.3800	44.640	55.1425	121.43	0.650361	2.754752
radio pélvico	210.0	115.077381	14.090965	70.08	107.3075	115.650	123.1350	163.07	0.111110	1.034906
grado de espondilolistesis	210.0	37.777571	40.696738	-10.68	7.2600	31.945	55.3750	418.54	4.274374	35.952586
Medidas de tendencia central, dispersión y forma para: NO										
	count	mean	std	min	25%	50%	75%	max	skew	curtosis
incidencia pélvica	100.0	51.6856	12.367900	30.74	42.8200	50.125	61.4725	89.83	0.747352	0.495784
inclinación pélvica	100.0	12.8218	6.778658	-5.85	8.8025	13.485	16.7875	29.89	-0.194265	0.189884
ángulo de lordosis lumbar	100.0	43.5423	12.361581	19.07	35.0000	42.640	51.6025	90.56	0.750793	1.220533
pendiente sacra	100.0	38.8638	9.623776	17.39	32.3425	37.060	44.6050	67.20	0.431472	0.125237
radio pélvico	100.0	123.8912	9.013755	100.50	118.1800	123.875	129.0400	147.89	0.010833	0.117276
grado de espondilolistesis	100.0	2.1870	6.307020	-11.06	-1.5100	1.155	4.9675	31.17	1.691499	5.596433

Figura 2: Medidas de tendencias.

Únicamente desde estos datos, se puede suponer que **grado de espondilolistesis** no sigue una distribución normal dado sus altos valores de curtosis y skew, especialmente para el grupo **AB**. Por el otro lado, para el resto de covariables, salvo para **pendiente sacra**, no podemos asegurar que las covariables no distribuyen de forma normal.

Para tener más información también se realizan gráficos de caja e histogramas para cada covariable separando según la etiqueta.

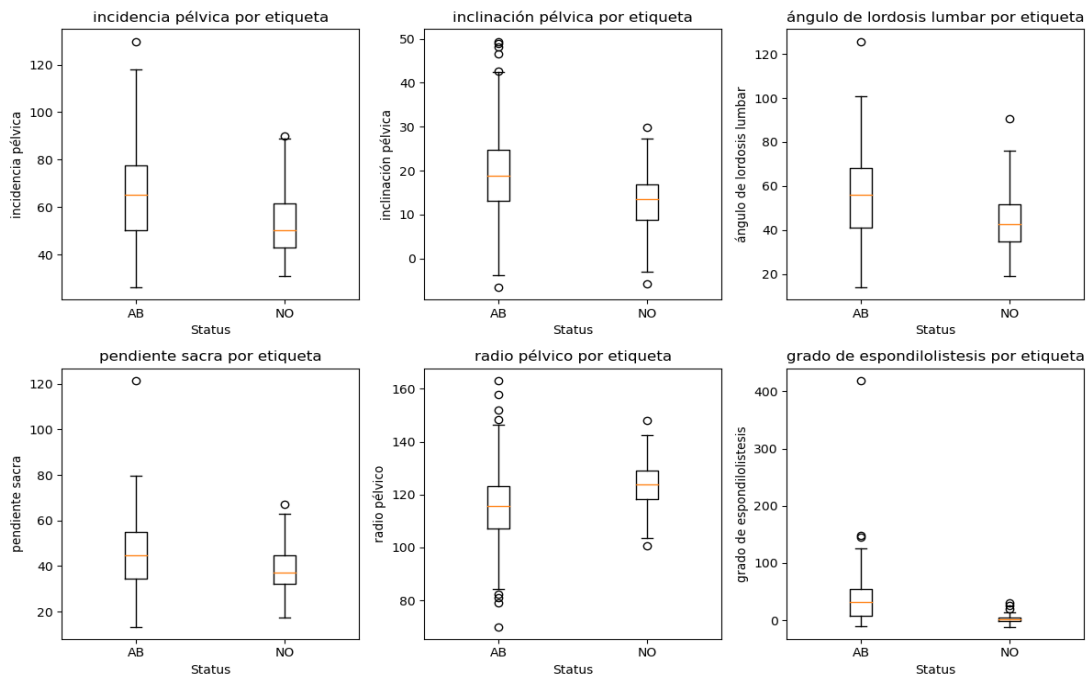


Figura 3: Boxplot.

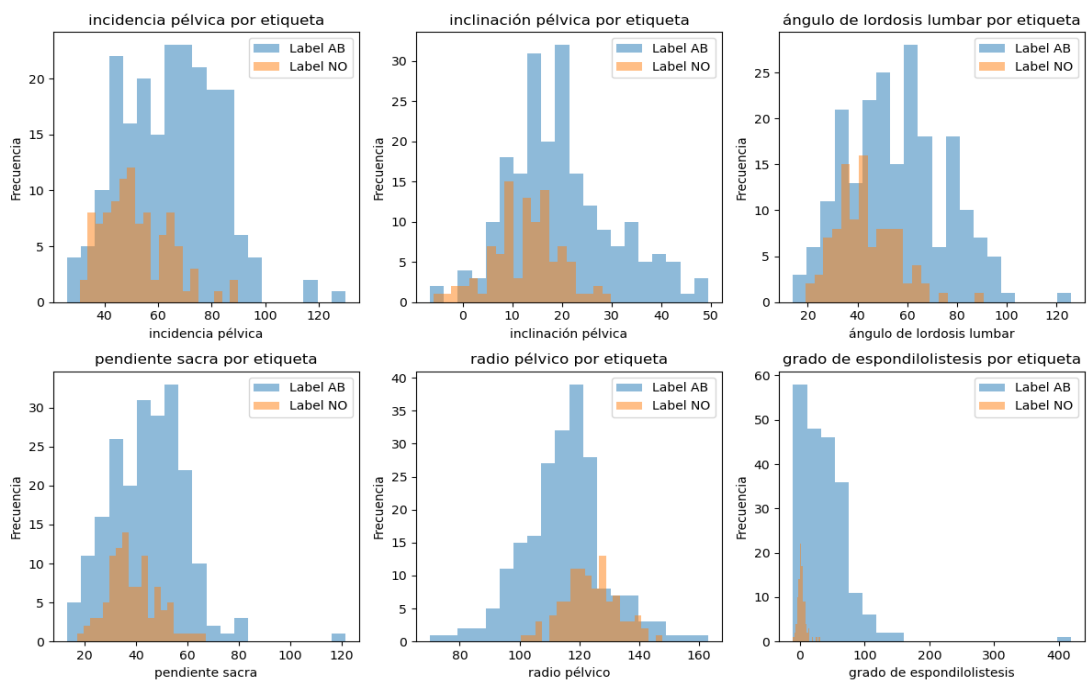


Figura 4: Histogramas por covariable.

Sobre las medidas de tendencia y boxplot se pueden expresar las siguientes ideas:

- Se observa que en términos generales el grupo AB posee una desviación estándar más alta en todas las características.
- En esto se nota que **grado de espondilolistesis** representa una gran diferencia entre un grupo y otro respecto a la desviación estándar y principalmente en que toma valores muy altos para AB.
- Como regla general parece ser que AB posee valores más altos en sus características respecto a NO salvo tal vez en **radio pélvico**.
- Por simple inspección no se descarta que las distribuciones no sean normales, a excepción de **grado de espondilolistesis**.

Con los gráficos se refuerza la hipótesis de normalidad expresada en el último punto, además en conjunto con el análisis de las medidas de tendencia central se puede intuir que las distribuciones por parecidas que parezcan pueden diferir en su media.

- c. Para diferentes parejas de covariables, reporte los gráficos de dispersión (es decir, grafique X_i versus X_j) usando diferentes colores/símbolos de acuerdo a las distintas etiquetas. Comente los patrones que observa en estos gráficos.

Respuesta: Este código y los anteriores pueden ser vistos a detalle en el repositorio de GitHub por su longitud. Primero estudiando los datos del conjunto en general y luego separando por las clases de **status**:

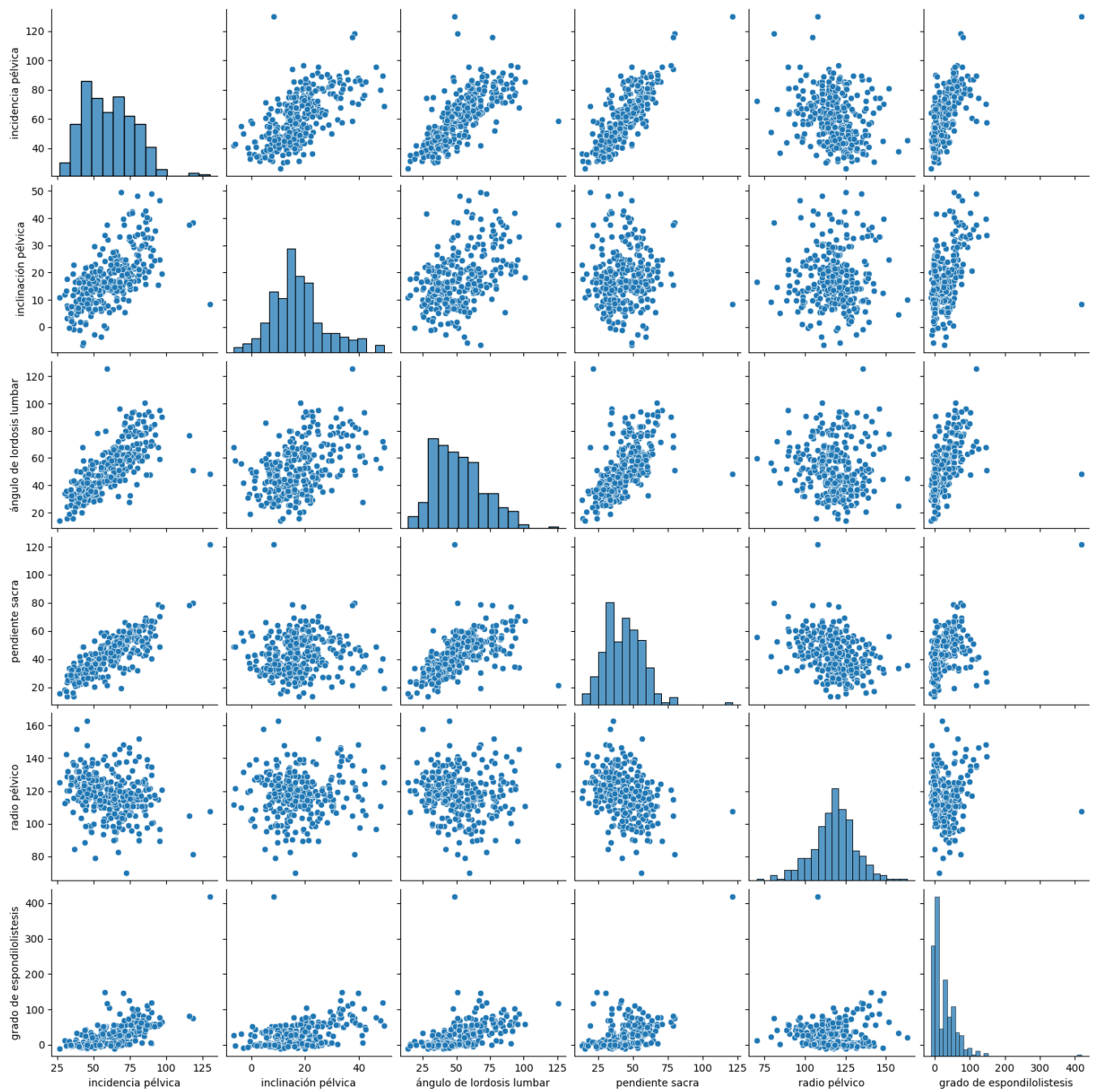


Figura 5: Gráficos de dispersión e histograma.

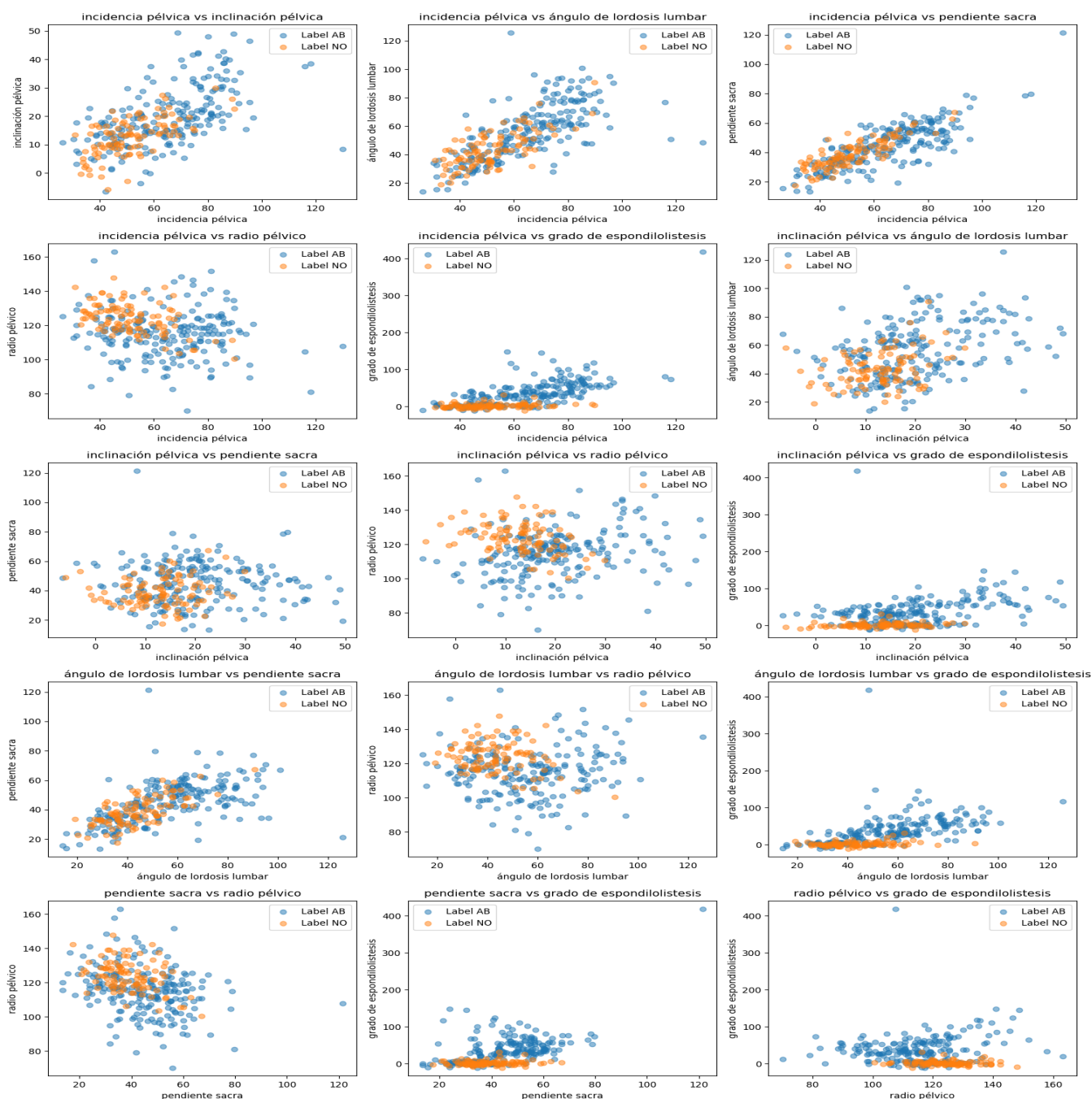


Figura 6: Gráficos de dispersión.

Observando los primeros 3 gráficos (izquierda a derecha) se puede observar cierta relación proporcional que puede indicar una fuerte correlación que se estudiará con un mapa de correlación.

Por la diferencia de magnitud entre los grados de espondilolistesis de los grupos AB y NO no

se puede observar si existe o no algún tipo de relación para los grupos **AB** en dicha característica respecto al resto.

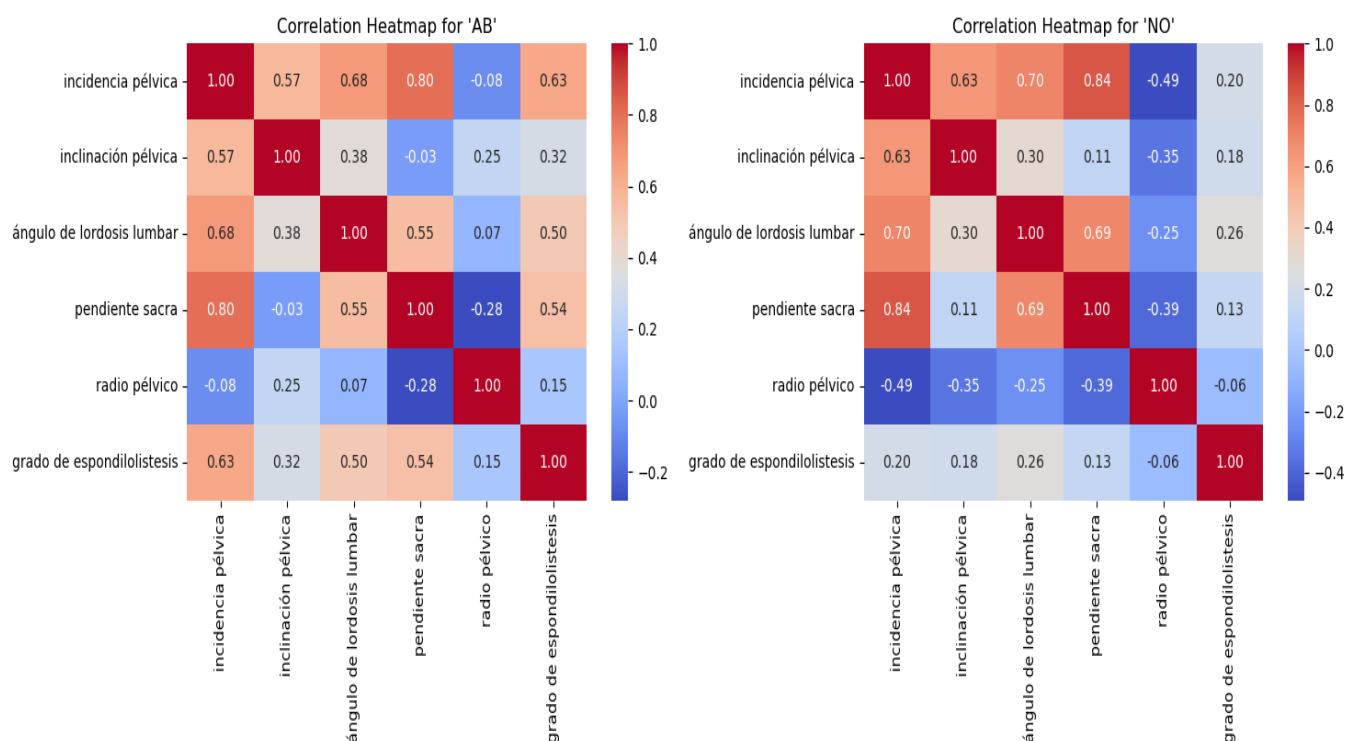


Figura 7: Mapas de correlación por etiqueta.

Note que las hipótesis fueron correctas, existen covariables fuertemente correlacionadas como por ejemplo **pendiente sacra** e **incidencia pélvica**, entre otras, lo cuál puede suponer problemas para modelos que trabajen bajo supuestos de independencia y puede motivar a la eliminación de características para disminuir el riesgo de colinealidad o bien el uso de métodos de reducción de dimensionalidad.

Desde un análisis de datos, se recalca que en el grupo **AB** existe una correlación moderada de **grado de espondilolistesis** con respecto al resto de variables, la cual no se ve presente en el grupo **NO**.

Estos casos mencionados no son los únicos, estas dos características se repiten para otros features, notase el caso del **radio pélvico** como **incidencia pélvica**.

Vale notar que si el problema a estudiar fuera un problema de regresión y no de clasificación, sería más adecuado incluir la etiqueta y estudiar que covariable tiene más relación lineal con la variable objetivo.

- d. Ajuste un modelo de regresión logística con todas las covariables. Reporte y comente los resultados

obtenidos.

Respuesta: Utilizando la librería `sklearn` se entrena el modelo con todos los datos y todas las covariables de la siguiente manera:

```
1 X = df.drop('status', axis=1) # Dado que 'status' es la etiqueta
  objetivo
2 y = df['status']
```

Listing 3: Separar covariables del target.

con esto se entrena el modelo con el siguiente código

```
1 model = LogisticRegression()
2 model.fit(X, y)
```

Listing 4: Entrenar el modelo.

dado que aún no contamos con las herramientas necesarias para evaluar el modelo, se realiza el mismo procedimiento mediante la librería `Statsmodels` para obtener información más descriptiva:

```
1 import statsmodels.api as sm
2
3 y_trainstats = y_train.replace({'NO':0, 'AB':1})
4
5 logit_model = sm.Logit(y_trainstats, sm.add_constant(X_train)).fit()
6
7 print(logit_model.summary())
```

Listing 5: Logit_model in Statsmodels.

obteniendo lo siguiente

```
Optimization terminated successfully.
Current function value: 0.287314
Iterations 9
```

Logit Regression Results						
=====						
Dep. Variable:	status	No. Observations:	310			
Model:	Logit	Df Residuals:	303			
Method:	MLE	Df Model:	6			
Date:	Fri, 08 Sep 2023	Pseudo R-squ.:	0.5431			
Time:	09:59:09	Log-Likelihood:	-89.067			
converged:	True	LL-Null:	-194.93			
Covariance Type:	nonrobust	LLR p-value:	6.054e-43			
=====						
	coef	std err	z	P> z	[0.025	0.975]

const	15.1427	3.273	4.627	0.000	8.728	21.557
incidencia pélvica	-12.8879	34.899	-0.369	0.712	-81.290	55.514
inclinación pélvica	12.9647	34.903	0.371	0.710	-55.444	81.373
ángulo de lordosis lumbar	-0.0194	0.023	-0.845	0.398	-0.064	0.026
pendiente sacra	12.7919	34.901	0.367	0.714	-55.613	81.197
radio pélvico	-0.1068	0.023	-4.671	0.000	-0.152	-0.062
grado de espondilolistesis	0.1679	0.023	7.236	0.000	0.122	0.213
=====						

Possibly complete quasi-separation: A fraction 0.11 of observations can be perfectly predicted. This might indicate that there is complete quasi-separation. In this case some parameters will not be identified.

Figura 8: Estadísticas del modelo.

Note que para considerar un modelo con intercepto fue necesario añadir el coeficiente `const` el cual el modelo consideró necesario utilizarlo. Se observa que en este caso se tienen 4 covariables no significativas con alta varianza con respecto a la magnitud de la covariable.

- e. Con el modelo ajustado en el inciso anterior prediga la etiqueta de un paciente con las siguientes características:

$$(X_1, X_2, X_3, X_4, X_5, X_6) = (60, 20, 50, 50, 100, 10)$$

Respuesta:

```
1 # Nueva observacion en el mismo formato que tus datos originales
2 new_observation = [[60, 20, 50, 50, 100, 10]]
3
4 # Crear un DataFrame temporal para la nueva observacion
5 new_df = pd.DataFrame(new_observation, columns=X.columns)
6
7 # Realizar la prediccion
8 predicted_label = model.predict(new_df)
9
```

```
10 print(f'Etiqueta predicha  
11     para la nueva observacion: {predicted_label[0]}')
```

Listing 6: Predecir con regresión logística.

Etiqueta predicha para la nueva observación: AB

- f. ¿Es razonable disminuir el número de covariables? Justifique su análisis rigurosamente.

Respuesta: Es razonable disminuir el número de covariables dado que existen pares altamente correlacionados sin importar el grupo al que pertenecen (AB, NO), por lo cuál para un modelo de regresión esta característica puede ser redundante mientras que para otro modelo que asuma independencia, puede afectar su capacidad predictiva, en ambos casos, la presencia de covariables con alta correlación tiene un efecto negativo y por ende es recomendable eliminar columnas de manera conveniente o reducir la dimensionalidad.

Para decidir que columna eliminar para solventar este problema se utilizará el test de Wald. Para esto notemos que en un punto anterior se observa que `pendiente sacra` entrega un mayor valor de $P > |z|$, por lo tanto eliminando dicha columna:

```
1 X_trainstats = X_train.drop(columns=['pendiente sacra'])  
2 logit_model = sm.Logit(y_trainstats, sm.add_constant(X_trainstats)).fit()  
3  
4 print(logit_model.summary())
```

Listing 7: Eliminar primera columna.

se obtiene las nuevas estadísticas:

```

Optimization terminated successfully.
Current function value: 0.287531
Iterations 9

Logit Regression Results
=====
Dep. Variable:      status      No. Observations:      310
Model:              Logit      Df Residuals:          304
Method:              MLE       Df Model:              5
Date:               Fri, 08 Sep 2023      Pseudo R-squ.:        0.5427
Time:               09:59:09      Log-Likelihood:       -89.135
Converged:           True        LL-Null:              -194.93
Covariance Type:     nonrobust      LLR p-value:          9.414e-44
=====

```

	coef	std err	z	P> z	[0.025	0.975]
const	15.1714	3.279	4.626	0.000	8.744	21.599
incidencia pélvica	-0.0968	0.031	-3.100	0.002	-0.158	-0.036
inclinación pélvica	0.1724	0.039	4.416	0.000	0.096	0.249
ángulo de lordosis lumbar	-0.0187	0.023	-0.819	0.413	-0.063	0.026
radio pélvico	-0.1069	0.023	-4.660	0.000	-0.152	-0.062
grado de espondilolistesis	0.1682	0.023	7.250	0.000	0.123	0.214

```

=====
Possibly complete quasi-separation: A fraction 0.11 of observations can be
perfectly predicted. This might indicate that there is complete
quasi-separation. In this case some parameters will not be identified.

```

Figura 9: Estadísticas del modelo eliminando una columna.

notese que nuevamente se puede eliminar una columna

```

1 X_trainstats = X.drop(columns=['pendiente sacra', 'angulo de lordosis
   lumbar'])
2 logit_model = sm.Logit(y_trainstats, sm.add_constant(X_trainstats)).fit()
3
4 print(logit_model.summary())

```

Listing 8: Eliminar dos columnas.

con lo que se obtiene

```

Optimization terminated successfully.
Current function value: 0.303380
Iterations 9
  
```

Logit Regression Results						
=====						
Dep. Variable:	status	No. Observations:	248			
Model:	Logit	Df Residuals:	243			
Method:	MLE	Df Model:	4			
Date:	Tue, 05 Sep 2023	Pseudo R-squ.:	0.5152			
Time:	12:58:55	Log-Likelihood:	-75.238			
converged:	True	LL-Null:	-155.19			
Covariance Type:	nonrobust	LLR p-value:	1.532e-33			
=====						
	coef	std err	z	P> z	[0.025	0.975]

const	14.5251	3.409	4.261	0.000	7.844	21.206
incidencia pélvica	-0.1085	0.024	-4.493	0.000	-0.156	-0.061
inclinación pélvica	0.1756	0.040	4.361	0.000	0.097	0.254
radio pélvico	-0.1019	0.024	-4.250	0.000	-0.149	-0.055
grado de espondilolistesis	0.1561	0.025	6.349	0.000	0.108	0.204
=====						

```

Possibly complete quasi-separation: A fraction 0.12 of observations can be
perfectly predicted. This might indicate that there is complete
quasi-separation. In this case some parameters will not be identified.
  
```

Figura 10: Estadísticas del modelo eliminando dos columnas.

teniendo finalmente un modelo con todas las covariables significativas. Notese que se debe hacer la eliminación de las columnas de una en una, dado que la significancia entregada por el test depende de las otras covariables, lo cual se puede observar en el caso estudiado actualmente.

- g. ¿Es adecuado utilizar el método de Bayes ingenuo en este conjunto de datos? Justifique su respuesta.

Respuesta: No es adecuado utilizar este modelo ya que asume independencia entre las covariables, lo cual en los puntos anteriores se vió fuertemente criticado por la alta presencia de correlación.

- h. Independientemente de la respuesta del inciso anterior, ajuste un modelo de Bayes ingenuo. Reporte las funciones de densidad estimadas. Comente sus resultados.

Respuesta: En el código se puede ver más detalladamente como realizar esto en Python y R. Desde R se puede entrenar el modelo de Bayes ingenuo estimando las densidades mediante distribuciones normales basado en lo visto en los gráficos y estadísticos anteriores:

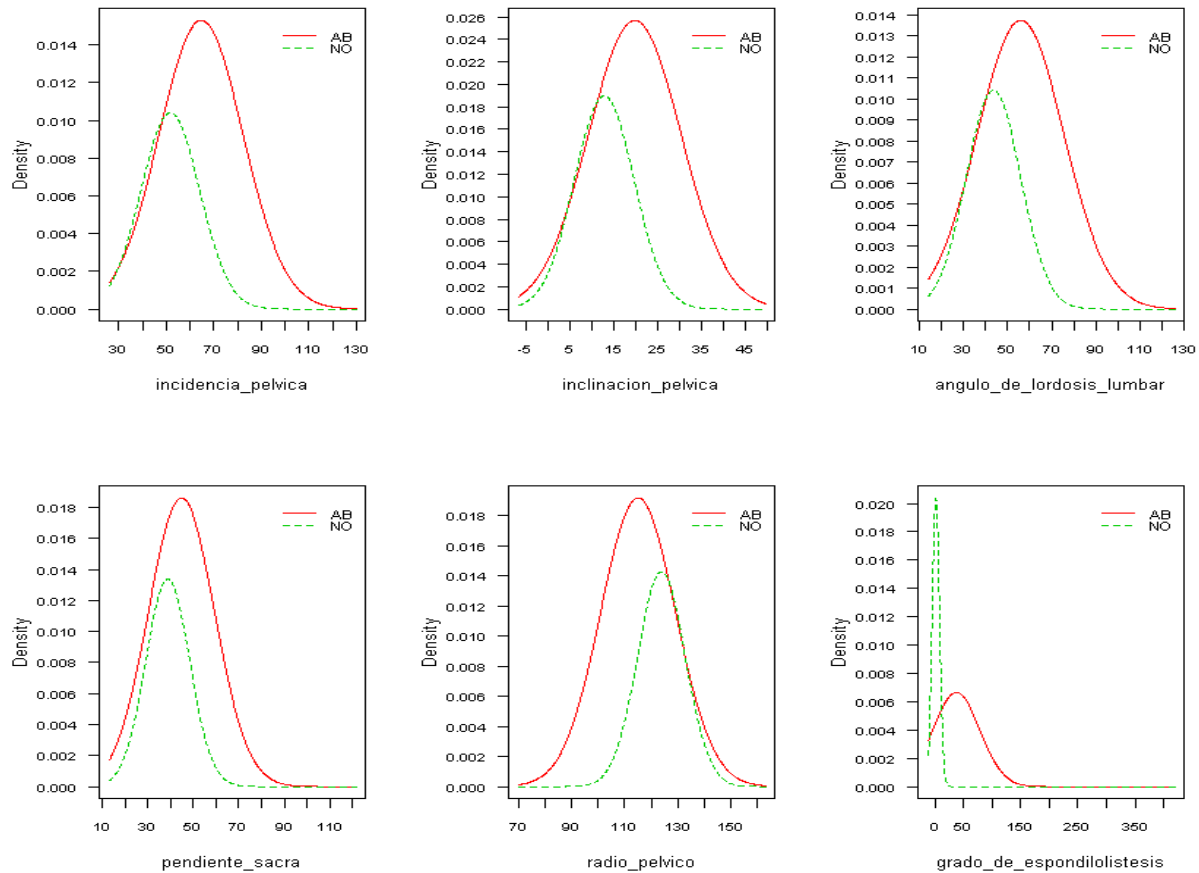


Figura 11: Densidades estimadas.

Observando los gráficos, se podría especular que el modelo no es el indicado dado lo parecida de las distribuciones estimadas. Se observa que la covariable **grado de espondilolistesis** sigue presentando características que permiten diferenciar una clase de la otra, en cierta forma esto puede indicar que al momento de querer determinar la clase de una observación, se podría observar que si su nivel en esta variable es alto, entonces es muy probable que la observación pertenezca a **AB**, mientras que en caso contrario habría que realizar un análisis más riguroso.

- i. Ajuste un árbol de clasificación. Reporte y comente sus resultados.

Respuesta: Nuevamente realizando los procedimientos necesarios en R el modelo entrenado corresponde a

Árbol de Clasificación

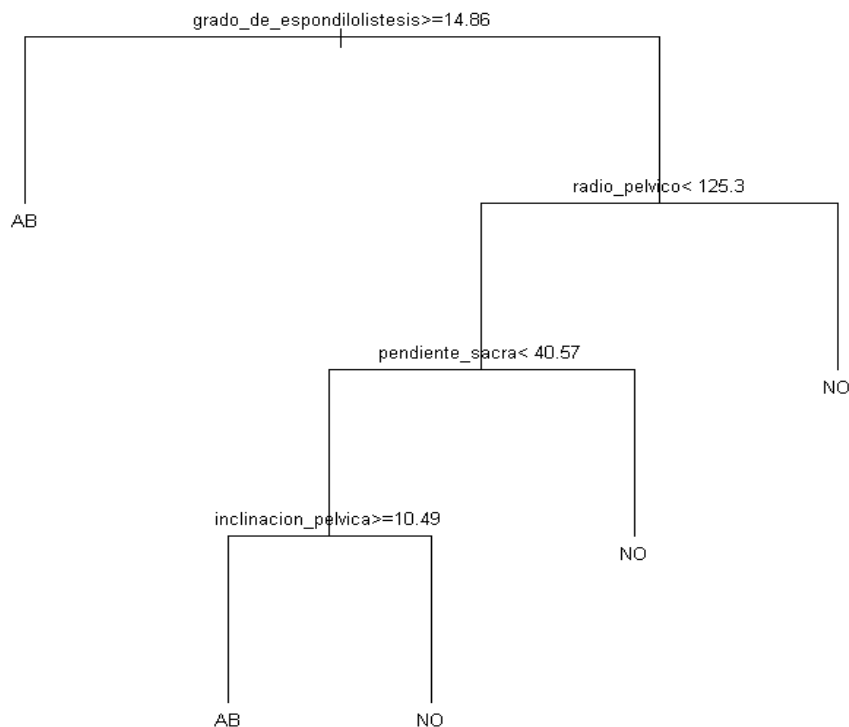


Figura 12: Árbol de decisión generado.

Note que el modelo ajustado no utiliza todas las covariables al momento de decidir, pero estas si fueron ocupadas al momento de construir el modelo. Además se recalca que el modelo de forma autonoma reconoce lo discutido en el punto anterior, dado que la covariable **grado de espondilolistesis** es la primera en marcar una separación, si este valor es alto, entonces se clasifica como **AB**, mientras que si es bajo, el análisis continua.

- j. Use los ajustes de los incisos h. y i. para predecir la etiqueta de un paciente con las mismas características que en el inciso e. ¿La conclusión coincide con la regresión logística?

Respuesta: Para esto usaremos los modelos entrenados en **Python** mediante procedimientos más comunes, estos arrojaron el siguiente resultado:

Etiqueta predicha mediante logistic regression: AB

Etiqueta predicha mediante Naive Bayes: AB

Etiqueta predicha mediante Decision Tree: NO

Notese que las predicciones no son iguales, sólo Naive Bayes coincide con la regresión logística, mientras que el árbol de decisión discrepa en la solución. Se recalca que el hecho de que un modelo difiera de los otros que coinciden, no significa que este es peor, ya que una sólo observación no es suficiente para criticar un modelo.

3. Anexo

Iniciando los datos a R.

```
1 path <- "column_2C.txt"
2
3 # Nombres de las columnas
4 names_columns <- c(
5   "incidencia_pelvica",
6   "inclinacion_pelvica",
7   "angulo_de_lordosis_lumbar",
8   "pendiente_sacra",
9   "radio_pelvico",
10  "grado_de_espondilolistesis",
11  "status"
12 )
13
14 # Leer el archivo de texto y crear el dataframe
15 datos <- read.table(path, header = FALSE, sep = " ")
16 colnames(datos) <- names_columns
17
18 # Imprimir el dataframe
19 head(datos)
20
21 # Convertir 'tipo' en una variable categorica
22 datos$status <- as.factor(datos$status)
23
24 # Nueva observacion
25 x_new <- data.frame(
26   incidencia_pelvica = 60,
27   inclinacion_pelvica = 20,
28   angulo_de_lordosis_lumbar = 50,
29   pendiente_sacra = 50,
30   radio_pelvico = 100,
31   grado_de_espondilolistesis = 10
32 )
33
34 # Contar por tipo
35 table(datos$status)
```

Listing 9: Iniciando data en R.

Ahora se entre el modelo de Naive Bayes:

```
1 #install.packages("naivebayes")
2
3 library("naivebayes")# Ruta del archivo
4
5 # Ajustar un modelo de Bayes Ingenuo
6 modelo <- naive_bayes(status ~ incidencia_pelvica
7                       + inclinacion_pelvica
8                       + angulo_de_lordosis_lumbar
9                       + pendiente_sacra + radio_pelvico
10                      + grado_de_espondilolistesis, data = datos,
11                      usekernel = F)
12
13 # Particionar el espacio de graficos
14 par(mfrow = c(2, 3))
15
16 # Generar los graficos del modelo
17 plot(modelo)
18
19 # Predecir con el modelo de arbol
20 prediccion <- predict(modelo, newdata = x_new, type = "class")
21
22 # Imprimir la prediccion
23 cat("La prediccion es:", prediccion)
```

Listing 10: Naive Bayes R.

Se entre el modelo de árboles de decisión.

```
1 #install.packages("rpart")
2
3 # Cargar la libreria necesaria para arboles de clasificacion
4 library("rpart")
5
6 # Ajustar el arbol de clasificacion
7 arbol <- rpart(status ~ incidencia_pelvica + inclinacion_pelvica +
8               angulo_de_lordosis_lumbar +
9               pendiente_sacra + radio_pelvico + grado_de_
10               espondilolistesis, data = datos)
11
12 # Personalizar el estilo del grafico
13 par(cex=0.8) # Reducir el size de la fuente en el graafico
14 plot(arbol, uniform = TRUE, main = "Arbol de Clasificacion", margin =
15       0.1)
16
17 text(arbol, cex = 0.8) # Ajustar el size de la fuente del texto
```

```
14
15 # Predecir con el modelo de arbol
16 prediccion <- predict(arbol, newdata = x_new, type = "class")
17
18 # Imprimir la prediccion
19 cat("La prediccion es:", prediccion)
```

Listing 11: Decision Tree R.