

## SaeNer-Anexo 3.3: Obtención de Versiones adicionales

-

Los siguientes códigos tienen como fin ejemplificar el uso de las funciones construidas para nuestro SAE-NER, no se proveen bases de datos para el mismo.

```
[ ]: library(data.table)
      setDTthreads(percent = 100)
      library(stringr)
      library(magrittr)

      #Para paralelizacion
      library(doSNOW)

      #para lmm
      library(lme4)
```

### 1 Código necesario

```
[ ]: to_formula_lmm<-function(y,X,dom){
      .X = paste(X, collapse = '+')
      .f = paste0(y,'~',.X, ' + (1|', dom, ')')
      .f = .f %>% as.formula()
      return(.f)
    }
```

### 2 Del mejor modelo, se generan 4 versiones adicionales

Dado que el primero y segundo mejor resultado no se diferencian en Coeficiente de Variación de la estimación EPPC, se utilizará el que presente menor cantidad de variables independientes.

```
[ ]: #Vector de characters con grupo de variables del mejor modelo
      Xs_MejorModelo = Xs_MejorModelo
```

```
[ ]: #Se carga información muestral
      dat = readRDS("dat.rds")
```

#### 2.1 Modelo v2: ningún p-valor mayor a 0.1

```
[ ]: mx0 = lme4::lmer(to_formula_lmm(y="y",X =Xs_MejorModelo ,dom = "id_dominio"), data = dat)
      mx = lmerTest::lmer(to_formula_lmm(y="y",X =Xs_MejorModelo ,dom = "id_dominio"), data = dat)
```

```
[ ]: mx0_dt = mx0 %>% summary %>% .[["coefficients"]] %>% data.frame
mx0_dt[, "x_var"] = mx0_dt %>% rownames
setDT(mx0_dt)
setnames(mx0_dt, "Estimate", "beta")
mx0_dt = mx0_dt[, .(x_var, beta)]
mx0_dt[, signo := sign(beta)]

[ ]: mx_dat = mx %>% summary %>% .[["coefficients"]]
mx_dat %<>% data.frame
mx_dat[, "x_var"] = (mx_dat %>% rownames)
setDT(mx_dat)
setnames(mx_dat, 'Pr...t..', 'p_value')
mx_dat[, p_value := round(p_value, 6)]

mx_dat_f = copy(mx_dat)
mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]
Xs_MejorModelo_vx = Xs_MejorModelo
total_no_sig = 1
while (total_no_sig != 0){
  total_no_sig = (mx_dat_f[, p_value] > 0.1) %>% sum(., na.rm = T)
  print(total_no_sig)
  mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]

  Xs_MejorModelo_vx = Xs_MejorModelo_vx %>% str_subset(mx_dat_f[1, x_var], T)
  mx = lmerTest::lmer(to_formula_lmm(y="y", X = Xs_MejorModelo_vx, dom = "id_dominio"), data = dat)

  mx_dat = mx %>% summary %>% .[["coefficients"]]
  mx_dat %<>% data.frame
  mx_dat[, "x_var"] = (mx_dat %>% rownames)
  setDT(mx_dat)
  setnames(mx_dat, 'Pr...t..', 'p_value')
  mx_dat[, p_value := round(p_value, 6)]

  mx_dat_f = copy(mx_dat)
  mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]
  mx_dat_f[, signo_x := sign(Estimate)]
  mx_dat_f = merge(x = mx_dat_f, y = mx0_dt,
    by = "x_var", all = T)
  mx_dat_f[, signo_dif := signo_x != signo ]
  tot_signo_dif = (mx_dat_f[, signo_dif] %>% sum(., na.rm = T))
  if (tot_signo_dif != 0){ total_no_sig = 0 }
}

[ ]: #Información para modelo v2
mx_v2_muestra <- mx_dat_f[order(-p_value)][!is.na(p_value)]
```

## 2.2 Modelo v3: ningún p-valor mayor a 0.05

```
[ ]: Xs_MejorModelo = res_muestra[nombre_modelo_v0 == nombre_mejor_modelo, todas_xvars]
Xs_MejorModelo = Xs_MejorModelo %>% str_split("~") %>% unlist

mx0 = lme4::lmer(to_formula_lmm(y="y", X=Xs_MejorModelo, dom = "id_dominio"), data = dat)
mx = lmerTest::lmer(to_formula_lmm(y="y", X=Xs_MejorModelo, dom = "id_dominio"), data = dat)

mx0_dt = mx0 %>% summary %>% .[["coefficients"]] %>% data.frame
mx0_dt[, "x_var"] = mx0_dt %>% rownames
setDT(mx0_dt)
setnames(mx0_dt, "Estimate", "beta")
mx0_dt = mx0_dt[, .(x_var, beta)]
mx0_dt[, signo := sign(beta)]

mx_dat = mx %>% summary %>% .[["coefficients"]]
mx_dat %<>% data.frame
mx_dat[, "x_var"] = (mx_dat %>% rownames)
setDT(mx_dat)
```

```

setnames(mx_dat, 'Pr...t...', 'p_value')
mx_dat[,p_value:= round(p_value, 6)]

mx_dat_f = copy(mx_dat)
mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]
Xs_MejorModelo_vx = Xs_MejorModelo
total_no_sig = 1
while (total_no_sig !=0 ){
  total_no_sig = (mx_dat_f[, p_value] > 0.05) %>% sum(., na.rm = T)
  print(total_no_sig)
  mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]

  Xs_MejorModelo_vx = Xs_MejorModelo_vx %>% str_subset(mx_dat_f[1, x_var], T)
  mx = lmerTest::lmer(to_formula_lmm(y="y",X = Xs_MejorModelo_vx ,dom = "id_dominio"), data = dat)

  mx_dat = mx %>% summary %>% .[["coefficients"]]
  mx_dat %<>% data.frame
  mx_dat[, "x_var"] = (mx_dat %>% rownames)
  setDT(mx_dat)
  setnames(mx_dat, 'Pr...t...', 'p_value')
  mx_dat[,p_value:= round(p_value, 6)]

  mx_dat_f = copy(mx_dat)
  mx_dat_f = mx_dat_f[order(-p_value)]
  mx_dat_f[, signo_x := sign(Estimate)]
  mx_dat_f = merge(x = mx_dat_f, y = mx0_dt,
    by = "x_var", all = T)
  mx_dat_f[, signo_dif := signo_x!= signo ]
  tot.signo.dif = (mx_dat_f[, signo_dif] %>% sum(., na.rm = T))
  if (tot.signo.dif!=0){ total_no_sig = 0 }
}

```

```

[ ]: #Información para modelo v3
mx_v3_muestra <- mx_dat_f[order(-p_value)][!is.na(p_value)]

```

## 2.3 Modelo v4: signos contraintuitivos

```

[ ]: Xs_MejorModelo = res_muestra[nombre_modelo_v0 == nombre_mejor_modelo,todas_xvars]
Xs_MejorModelo = Xs_MejorModelo %>% str_split("~") %>% unlist

```

```

[ ]: signo_esperado = data.table("x_var" = Xs_MejorModelo)

```

```

[ ]: for (.x in Xs_MejorModelo){
  .x.res = dat[, weighted.mean(dcronica, fexp), by = .x]
  .x.res = .x.res[order(-get(.x))]
  nrow.x = .x.res %>% nrow
  potential_beta = .x.res[1, V1] - .x.res[nrow(.x.res), V1]
  if (nrow.x>5){
    potential_beta = cor(dat[, dcronica], dat[, get(.x)])
  }
  signo_esperado[x_var == .x, beta_potencial := potential_beta]
}
signo_esperado[, signo_pot := sign(beta_potencial)]

```

```

[ ]: mx0 = lme4::lmer(to_formula_lmm(y="y",X=Xs_MejorModelo ,dom = "id_dominio"), data = dat)
mx = lmerTest::lmer(to_formula_lmm(y="y",X=Xs_MejorModelo ,dom = "id_dominio"), data = dat)

mx0_dt = mx0 %>% summary %>% .[["coefficients"]] %>% data.frame
mx0_dt[, "x_var"] = mx0_dt %>% rownames
setDT(mx0_dt)
setnames(mx0_dt,"Estimate", "beta")
mx0_dt = mx0_dt[, .(x_var, beta)]
mx0_dt[, signo := sign(beta)*-1]

```

```
[ ]: mx0_dt = merge(x = mx0_dt, y = signo_esperado,  
                  by = "x_var", all = T)
```

```
[ ]: dat_VarLab = readRDS("muestra_varlab.rds")  
      setDT(dat_VarLab)  
      dat_VarLab[, V1 := as.character(V1)]  
      dat_VarLab[, V2 := as.character(V2)]  
  
      setnames(dat_VarLab, c("V1", "V2"), c("x_var", "x_VarLab"))
```

```
[ ]: #Información para modelo v4  
      mx_v4_muestra <- mx0_dt[signo!= signo_pot,]
```

```
[ ]: #Modelos v5 y v6 son derivaciones simples de los modelos v2 a v4
```