Laboratorio 2

Bienvenidos de nuevo al segundo laboratorio de Deep Learning y Sistemas inteligentes. Espero que este laboratorio sirva para consolidar sus conocimientos del tema de Redes Neuronales Convolucionales.

Este laboratorio consta de dos partes. En la primera trabajaremos una Red Neuronal Convolucional paso-a-paso. En la segunda fase, usaremos PyTorch para crear una nueva Red Neuronal Convolucional, con la finalidad de que no solo sepan que existe cierta función sino también entender qué hace en un poco más de detalle.

Para este laboratorio estaremos usando una herramienta para Jupyter Notebooks que facilitará la calificación, no solo asegurándo que ustedes tengan una nota pronto sino también mostrandoles su nota final al terminar el laboratorio.

Espero que esta vez si se muestren los *marks*. De nuevo me discupo si algo no sale bien, seguiremos mejorando conforme vayamos iterando. Siempre pido su comprensión y colaboración si algo no funciona como debería.

Al igual que en el laboratorio pasado, estaremos usando la librería de Dr John Williamson et al de la University of Glasgow, además de ciertas piezas de código de Dr Bjorn Jensen de su curso de Introduction to Data Science and System de la University of Glasgow para la visualización de sus calificaciones.

```
#!pip install -U --force-reinstall --no-cache https://github.com/johnh
#!pip install scikit-image

import numpy as np
import copy
import atplotlib.pyplot as plt
import scipy
from PIL import Image
import os
#from IPython import display
#from base64 import b64decode

# Other imports
from unittest.mock import patch
from uuid import getnode as get_mac

from jhwutils.checkarr import array_hash, check_hash, check_scalar, ch
```

In [23]: # Una vez instalada la librería por favor, recuerden volverla a coment

```
import jhwutils.image_audio as ia
import jhwutils.tick as tick

###
tick.reset_marks()
%matplotlib inline

In [25]: # Seeds
seed_ = 2023
np.random.seed(seed_)
In [26]: # Hidden coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed when grading (year can/should not edit to the coll for utils needed t
```

In [26]: # Hidden cell for utils needed when grading (you can/should not edit t
Celda escondida para utlidades necesarias, por favor NO edite esta c

Información del estudiante en dos variables

- carne_1 : un string con su carne (e.g. "12281"), debe ser de al menos 5 caracteres.
- firma_mecanografiada_1: un string con su nombre (e.g. "Albero Suriano") que se usará para la declaracion que este trabajo es propio (es decir, no hay plagio)
- carne_2 : un string con su carne (e.g. "12281"), debe ser de al menos 5 caracteres.
- firma_mecanografiada_2: un string con su nombre (e.g. "Albero Suriano")
 que se usará para la declaración que este trabajo es propio (es decir, no hay plagio)

```
In [27]: carne_1 = "22281"
    firma_mecanografiada_1 = "Gerson Ramirez"
    carne_2 = "22309"
    firma_mecanografiada_2 = "Diego Valenzuela"

In [28]: # Deberia poder ver dos checkmarks verdes [0 marks], que indican que s
    with tick.marks(0):
        assert(len(carne_1)>=5 and len(carne_2)>=5)

with tick.marks(0):
    assert(len(firma_mecanografiada_1)>0 and len(firma_mecanografiada_
```

√ [0 marks]

Dataset a Utilizar

Para este laboratorio seguriemos usando el dataset de Kaggle llamado Cats and Dogs image classification. Por favor, descarguenlo y ponganlo en una carpeta/folder de su computadora local.

Parte 1 - Construyendo una Red Neuronal Convolucional

Créditos: La primera parte de este laboratorio está tomado y basado en uno de los laboratorios dados dentro del curso de "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Muchos framework en la actualidad hacen que las operaciones de convolución sean fáciles de usar, pero no muchos entienden realmente este concepto, que es uno de los más interesantes de entender en Deep Learning. Una capa convolucional transforma el volumen de un input a un volumen de un output que es de un tamaño diferente.

En esta sección, ustedes implementaran una capa convolucional paso a paso. Primero empezaremos por hacer unas funciones de padding con ceros y luego otra para computar la convolución.

Algo muy importante a **notar** es que para cada función *forward*, hay una equivalente en *backward*. Por ello, en cada paso de su modulo de forward, deberán guardar algunos datos que se usarán durante el cálculo de gradientes en el backpropagation

Ejercicio 1

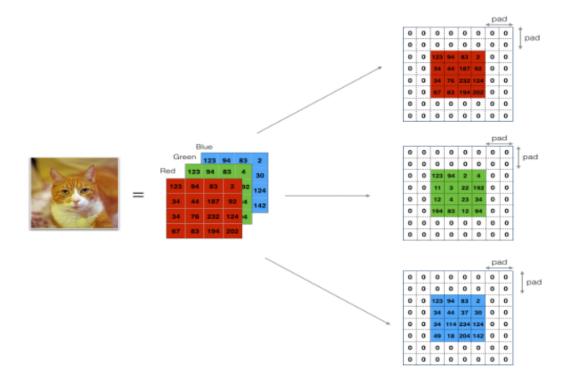
Ahora construiremos una función que se encargue de hacer *padding*, que como vimos en la clase es hacer un tipo de marco sobre la imagen. Este "marco" suele ser de diferentes tipos que lo que debe buscarse es que no tengan significacia dentro de la imagen, usualmente es cero, pero puede ser otro valor que no afecte en los cálculos.

Para este laboratorio, usaremos cero, y en este caso se le suele llamar zero-

padding el cual agrega ceros alrededor del borde de la imagen.

Algo interesante a notar, es que este borde se agrega sobre cada uno de los canales de color de la imagen. Es decir, en una imagen RGB se agregará sobre la matriz de rojos, otro sobre la matriz de verdes y otro más sobre la matriz de azules.

Como se puede ver en la siguiente imagen.



Crédito de imagen al autor, imagen tomada del curso "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Recordemos que el agregar padding nos permite:

- Usar una capa convolucional sin necesariamente reducir el alto y ancho de los volumenes de entrada. Esto es importante para cuando se crean modelos/redes profundas, dado que de esta manera evitamos reducir demasiado la entrada mientras se avanza en profunidad.
- Ayuda a obtener más información de los bordes de la imagen. Sin el padding, muy pocos valores serán afectados en la siguiente capa por los pixeles de las orillas

Ahora sí, el **ejercicio** como tal:

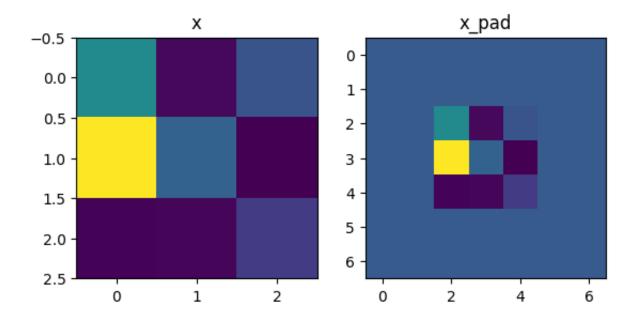
Implemente la siguiente función, la cual agregará el padding de ceros a todas las imagenes de un grupo (batch) de tamaño X. Para eso se usará *np.pad*.

Nota: Si se quiere agregar padding a un array "a" de tamaño (5,5,5,5,5) con un padding de tamaño diferente para cada dimensión, es decir, pad=1 para la segunda dimensión, pad=3 para la cuarta dimensión, y pad=0 para el resto, esto se puede hacer de la siguiente manera

```
a = np.pad(a, ((0,0), (1,1), (0,0), (3,3), (0,0)), mode='constant', constant_values = (0,0))
```

```
In [29]: def zero_pad(X, pad):
             Agrega padding de ceros a todas las imagenes en el dataset X. El p
             como se mostró en la figura anterior.
             Argument:
             X: Array (m, n_H, n_W, n_C) representando el batch de imagens
             pad: int, cantidad de padding
             Returns:
             X_pad: Imagen con padding agregado, (m, n_H + 2*pad, n_W + 2*pad,
             X_{pad} = np.pad(X, ((0, 0), (pad, pad), (pad, pad), (0, 0)), 'const
             return X_pad
In [30]: np.random.seed(seed_)
         x = np.random.randn(4, 3, 3, 2)
         x_pad = zero_pad(x, 2)
         print ("x.shape =\n", x.shape)
         print ("x_pad.shape =\n", x_pad.shape)
         print ("x[1,1] = n", x[1,1])
         print ("x_pad[1,1] =\n", x_pad[1,1])
         # Mostrar imagen
         fig, axarr = plt.subplots(1, 2)
         axarr[0].set_title('x')
         axarr[0].imshow(x[0,:,:,0])
         axarr[1].set_title('x_pad')
         axarr[1].imshow(x_pad[0,:,:,0])
         with tick.marks(5):
             assert(check_hash(x_pad, ((4, 7, 7, 2), -1274.231087426035)))
```

```
x.shape =
 (4, 3, 3, 2)
x_pad.shape =
 (4, 7, 7, 2)
\times[1,1] =
 [[0.64212494 - 0.18117553]
 [ 0.77174916  0.74152348]
 [ 1.32476273
                0.43928671]]
x_pad[1,1] =
 [[0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]
 [0. 0.]]
```



Ejercicio 2

Ahora, es momento de implementar un solo paso de la convolución, en esta ustedes aplicaran un filtro/kernel a una sola posición del input. Esta será usada para construir una unidad convolucional, la cual:

- Tomará una matriz (volumen) de input
- Aplicará un filtro a cada posición del input
- Sacará otra matriz (volumen) que será usualmente de diferente tamaño

7	2	3	3	8							·
4	5	3	8	4		1	0	-1		6	
3	3	2	8	4	*	1	0	-1	=		
2	8	7	2	7		1	0	-1			
5	4	4	5	4		7x1+4x1+3x1+ 2x0+5x0+3x0+ 3x-1+3x-1+2x-1					

Crédito de la imagen al autor. Tomada de

https://medium.datadriveninvestor.com/convolutional-neural-networks-3b241a5da51e

En la anterior imagen, estamos viendo un filtro de 3x3 con un stride de 1 (recuerden que stride es la cantidad que se mueve la ventana). Además, lo que usualmente se hace con esta operación es una **multiplicación element-wise** (en clase les dije que era un producto punto, pero realmente es esta operación), para luego sumar la matriz y agregar un bias. Ahora, primero implementaran un solo paso de la convolución en el cual deberán aplicar un filtro a una sola posición y obtendrán un flotante como salida.

Ejercicio: Implemente la función conv_single_step()

Probablemente necesite esta función

Considre que la variable "b" será pasada como un numpy.array. Se se agrega un escalar (flotante o entero) a un np.array, el resultado será otro np.array. En el caso especial de cuando un np.array contiene un solo valor, se puede convertir a un flotante

```
Returns:
Z: Escalar, resultado de la convolución en esa posición
"""
Z = np.sum(a_slice_prev * W) + b[0, 0, 0]
return Z
```

```
In [32]: np.random.seed(seed_)
   a_slice_prev = np.random.randn(4, 3, 3)
   W = np.random.randn(4, 3, 3)
   b = np.random.randn(1, 1, 1)
   Z = conv_single_step(a_slice_prev, W, b)
   print("Z =", Z)

with tick.marks(5):
   assert check_scalar(Z, '0x92594c5b')
```

Z = 17.154767154043057

√ [5 marks]

Ejercicio 3

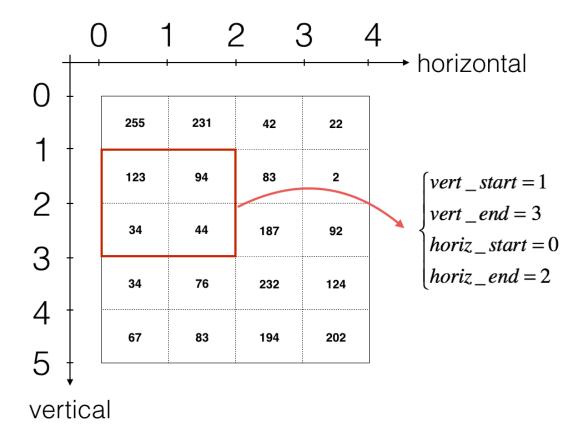
Ahora pasaremos a construir el paso de forward. En este, se tomará muchos filtros y los convolucionaran con los inputs. Cada "convolución" les dará como resultado una matriz 2D, las cuales se "stackearan" en una salida que será entonces de 3D.

Ejercicio: Implemente la función dada para convolucionar los filtros "W" con el input dado "A_prev". Esta función toma los siguientes inputs:

- A_prev, la salida de las activaciones de la capa previa (para un batch de m inputs)
- W, pesos. Cada uno tendra un tamaño de fxf
- b, bias, donde cada filtro tiene su propio bias (uno solo)
- hparameters, hiperparámetros como stride y padding

Considere lo siguiente: a. Para seleccionar una ventana (slice) de 2x2 en la esquina superior izquierda de una matriz a_prev, deberian hacer algo como a_slice_prev = a_prev[0:2, 0:2, :] Noten como esto da una salida 3D, debido a que tiene alto, ancho (de 2) y profundo (de 3 por los canales RGB). Esto le puede ser de utilidad cuando defina a_slide_prev en la función, usando los índices de start/end.

b. Oara definir a_slice necesitará primero definir las esquinas vert_start, vert_end, horiz_start, horiz_end. La imagen abajo puede resultar útil para entender como cada esquina puede ser definida usando h,w,f y s en el código.



Crédito de imagen al autor, imagen tomada del curso "Convolutional Neural Networks" de Andrew Ng

Ahora, algo que debemos notar es que cada que hacemos una convolución con padding y stride, la salida de la operación será una matriz de diferente tamaño. Muchas veces necesitamos saber el tamaño de la matriz de modo que nos puede servir no solo para debuggear sino también para la misma definición de la arquitectura. La forma de generalizar esto es como sigue. Consideren una matriz de nxn que es convolucionada con un filtro de fxf, con un padding p y stride s, esto nos dará una matriz de (n+2p-f)/s + 1 (Considere que en caso (n+2p-f)/s + 1 sea una fracción, tomen el valor "piso".

Entonces, considere las siguientes formulas para saber la forma de la salida de una operación de convolución:

$$n_H = \lfloor rac{n_{Hprev} - f + 2 imes pad}{stride}
floor + 1$$

$$n_W = \lfloor rac{n_{Wprev} - f + 2 imes pad}{stride}
floor + 1$$

Hints:

- Probablemente querán usar "slicing" (foo[0:2, :, 1:5]) para las variables
 a_prev_pad , W , b
- Para decidir como obtener vert_start, vert_end, horiz_start,
 horiz_end, recuerde que estos son índices de la capa previa
- Asegúrese de que a_slice_prev tiene alto, ancho y profunidad
- Recuerdo que a_prev_pad es un subconjunto de A_prev_pad

```
In [33]: def conv_forward(A_prev, W, b, hparameters):
                 Implementa la parte de forward propagation para una función de
                 Arguments:
                 A_prev: Salida de activación de la capa previa layer,
                                  Shape (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev)
                 W: Pesos, shape (f, f, n_C_prev, n_C)
                 b: Biases, shape (1, 1, 1, n_C)
                 hparameters: Dictionario con "stride" y "pad"
                 Returns:
                 Z: conv output, shape (m, n_H, n_W, n_C)
                 cache: cache de valores necesarios para conv_backward()
                 # Obtener las dimensiones de A_prev
                 m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A_prev.shape
                 # Obtener las dimensiones de W
                 f, f, n_C_prev, n_C = W.shape
                 # Obtener stride y pad
                 stride = hparameters['stride']
                 pad = hparameters['pad']
                 # Calcular dimensiones de la salida
                 n_H = int((n_H_prev - f + 2 * pad) / stride) + 1
                 n_W = int((n_W_prev - f + 2 * pad) / stride) + 1
                 # Inicializar Z
                 Z = np.zeros((m, n_H, n_W, n_C))
                 # Agregar padding
                 A_prev_pad = zero_pad(A_prev, pad)
                 # Convolución
                 for i in range(m):
                                                           # por cada ejemplo
                         a_prev_pad = A_prev_pad[i]
                                                               # (n_H_prev+2pad,
```

```
for h in range(n_H):
                                                               # por cada posici
                                 vert start = h * stride
                                 vert_end = vert_start + f
                                 for w in range(n W):
                                                                   # por cada po
                                         horiz_start = w * stride
                                         horiz_end = horiz_start + f
                                         for c in range(n_C):
                                                                     # por cad
                                                 # extraer slice
                                                 a_slice_prev = a_prev_pad[vert
                                                 # filtro y bias correspondient
                                                 weights = W[:, :, :, c]
                                                 biases = b[:, :, :, c]
                                                 # aplicar conv_single_step
                                                 Z[i, h, w, c] = conv\_single\_st
                 assert(Z.shape == (m, n_H, n_W, n_C))
                 cache = (A_prev, W, b, hparameters)
                 return Z, cache
In [34]: np.random.seed(seed_)
         A_prev = np.random.randn(10,7,7,5)
         W = np.random.randn(3,3,5,8)
         b = np.random.randn(1,1,1,8)
         hparameters = {"pad" : 1,
                        "stride": 1}
         Z, cache_conv = conv_forward(A_prev, W, b, hparameters)
         print("Z's mean =\n", np.mean(Z))
         print("Z[3,2,1] = n", Z[3,2,1])
         print("cache_conv[0][1][2][3] =\n", cache_conv[0][1][2][3])
         with tick.marks(5):
             assert check_hash(Z, ((10, 7, 7, 8), 2116728.6653762255))
         with tick.marks(5):
             assert check_hash(cache_conv[0], ((10, 7, 7, 5), -12937.3910465501
         with tick.marks(5):
             assert check_scalar(np.mean(Z), '0xb416d11a')
        Z's mean =
         0.33376645114158293
        Z[3,2,1] =
         [4.1749337 9.00045401 1.79056239 -2.293963 -0.5189402 10.785470
        69
          1.42173371 13.110090421
        cache\_conv[0][1][2][3] =
         [ 1.88596049  0.30974852  -0.3170466  0.481606
                                                          -0.43747686
```

√ [5 marks]

√ [5 marks]

También deberíamos agregar una función de activación a la salida de la forma, que teniendo al salida Z

$$Z[i, h, w, c] = ...$$

Deberiamos aplicar la activación de forma que:

$$A[i, h, w, c] = activation(Z[i, h, w, c])$$

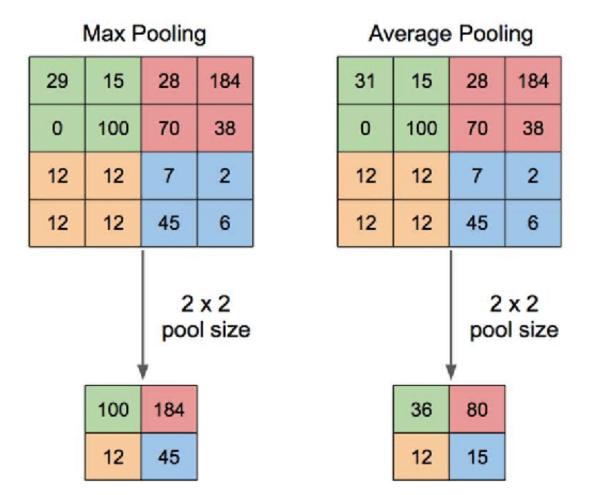
Pero esto no lo haremos acá

Ejercicio 4

Ahora lo que necesitamos es realizar la parte de "Pooling", la cual reducirá el alto y ancho del input. Este ayudará a reducir la complejidad computacional, así como también ayudará a detectar features más invariantes en su posición del input. Recuerden que hay dos tipos más comunes de pooling.

- Max-pooling: Mueve una ventana de (fxf) sobre un input y guarda el valor máximo de cada ventana en su salida
- Average-pooling: Mueve una ventana de (fxf) sobre un input y guarda el valor promedio de cada ventana en su salida

Estas capas de pooling no tienen parámetros para la parte de backpropagation al entrenar. Pero, estas tienen hiperparámetros como el tamaño de la ventana (f). Este especifica el alto y ancho de la ventana.



Crédito de imagen al autor, imagen tomada

dehttps://www.researchgate.net/figure/Illustration-of-Max-Pooling-and-Average-Pooling-Figure-2-above-shows-an-example-of-max_fig2_333593451

Ejercicio: Implemente la función del paso forwarding de la capa de la capa de pooling.

Considere que como no hay padding, las formulas para los tamaños del output son:

$$n_H = \lfloor rac{n_{Hprev} - f}{stride}
floor + 1$$

$$n_W = \lfloor rac{n_{Wprev} - f}{stride}
floor + 1$$

$$n_C=n_{C_{prev}}$$

```
A_prev: Input shape (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev)
hparameters: Diccionario con "f" and "stride"
mode: String para el modo de pooling a usar ("max" or "average")
Returns:
A: Salida shape (m, n_H, n_W, n_C)
cache: Cache usado en el backward, contiene input e hiperparametro
# Obtenemos las dimensiones del input
(m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev) = A_prev.shape
# Obtenemos los hiperparametros
f = hparameters["f"]
stride = hparameters["stride"]
# Definimos las dimensiones de salida
n_H = int(1 + (n_H_prev - f) / stride)
n_W = int(1 + (n_W_prev - f) / stride)
n_C = n_C_prev
# Init la matriz de salida A
A = np.zeros((m, n H, n W, n C))
# En este bloque de codigo debera;
# 1. Iterar sobre los ejemplos de entrada (m)
# 2. Iterar sobre los el eje vertical de la salida (n_H)
# 3. Encontrar el inicio y fin vertical de la ventana actual
# vert_start =
     vert end =
# 4. Iterar sobre el eje horizontal de la salida (n_W)
# 5. Encontrar el inicio y fin horizontal de la ventana actual
# horiz start =
#
     horiz end =
# 6. Iterar sobre los canales de salida (n_C)
# 7. Encontrar las orillas para definir el slice(ventana) actual e
# a_prev_slice =
# 8. Calcular el pooling dependiendo del modo (mode) - Use np.max
    A[i, h, w, c] =
for i in range(m):
                                         # por cada ejemplo
    for h in range(n_H):
                                         # por cada posición verti
        vert_start = h * stride
        vert_end = vert_start + f
        for w in range(n_W):
                                         # por cada posición horiz
            horiz_start = w * stride
            horiz_end = horiz_start + f
            for c in range(n C):
                                       # por cada canal / filtro
                # extraer slice
                a_prev_slice = A_prev[i, vert_start:vert_end, hori
                # aplicar max o average pooling dependiendo del mo
                if mode == "max":
                    A[i, h, w, c] = np.max(a_prev_slice)
```

```
In [36]: np.random.seed(seed )
         A prev = np.random.randn(2, 5, 5, 3)
         hparameters = {"stride" : 1, "f": 3}
         A, cache = pool_forward(A_prev, hparameters)
         with tick.marks(5):
             assert check_hash(A, ((2, 3, 3, 3), 2132.191781663462))
         print("mode = max")
         print("A.shape = " + str(A.shape))
         print("A = \n", A)
         print()
         A, cache = pool_forward(A_prev, hparameters, mode = "average")
         with tick.marks(5):
             assert check_hash(A, ((2, 3, 3, 3), -14.942132313028413))
         print("mode = average")
         print("A.shape = " + str(A.shape))
         print("A = \n", A)
```

```
mode = max
A.shape = (2, 3, 3, 3)
A =
 [[[[2.65440726 2.09732919 0.89256196]
   [2.65440726 2.09732919 0.89256196]
   [2.65440726 1.44060519 0.77174916]]
  [[1.5964877 2.39887598 0.89256196]
   [1.5964877 2.39887598 0.89256196]
   [1.5964877 2.39887598 0.77174916]]
  [[1.5964877 2.39887598 1.23583026]
   [1.5964877 2.39887598 1.36481958]
   [1.5964877 2.39887598 1.36481958]]]
 [[[1.84392163 2.43182155 1.29498747]
   [1.84392163 1.84444871 1.29498747]
   [0.6411132 1.84444871 1.16961103]]
  [[1.05650003 1.83680466 1.29498747]
   [1.05650003 0.9194503 1.29498747]
   [1.60523445 0.9194503 1.16961103]]
  [[1.06265456 1.83680466 0.68596995]
   [1.84881089 0.9194503 0.91014646]
   [1.84881089 1.42664748 1.06769765]]]]
```

```
mode = average
A.shape = (2, 3, 3, 3)
A =
 [[[[-0.03144582 0.21101766 -0.4691968]
   [-0.19309428 0.11749016 -0.32066469]
   [ 0.03682201  0.07413032  -0.36460992]]
  [[-0.58916194 \quad 0.45332745 \quad -0.92209295]
   [ 0.01933338  0.23001555  -0.80282417]
   [0.33096648 - 0.05773358 - 0.55515521]]
  [[-0.19306801 \quad 0.61727733 \quad -0.75579122]
   [ 0.34757347  0.47452468  -0.55854075]
   [ 0.52805193 -0.10908417 -0.5041339 ]]]
 [[ 0.41867593 0.27110615 0.24018433]
   [-0.08325311 0.13111052 0.36317349]
   [-0.35974293 -0.13195187 0.30872263]]
  [[0.13066225 0.09595298 - 0.31301579]
   [-0.36030628 -0.08070726 0.1281678 ]
   [-0.190839 \quad -0.07153563 \quad 0.25708761]]
  [[ 0.11435948  0.17765852  -0.54259002]
   [ 0.17261558 -0.07438603 -0.32846615]
   [ 0.14368759  0.21413355  0.1648492 ]]]]
```

¡Muy bien terminamos la parte del paso forward!

Ejercicio 5

Antes de empezar con el ejercicio 5, debemos clarificar unas cuantas cosas.

Por ello, es momento de pasar a hacer el paso de backward propagation. En la mayoría de frameworks/librerías de la actualidad, solo deben implementarse el paso forward, y estas librerías se encargan de hacer el paso de backward. El backward puede ser complicado para una CNN.

Durante la semana pasada implementamos el backpropagation de una Fully Connected para calcular las derivadas con respecto de un costo. De similar manera, en CNN se debe calcular la derivada con respecto del costo para actualizar parámetros. Las ecuaciones de backpropagation no son triviales, por ello trataremos de entenderlas mejor acá

Calculando dA

Esta es la formula para calcular dA con respecto de costo para un filtro dado W_c y un ejemplo de entrenamiento dado

$$dA + = \sum_{h=0}^{n_H} \sum_{w=0}^{n_W} W_c \times dZ_{hw}$$
 (1)

Donde W_c es un filtro y dZ_{hw} es un escalar correspondiente a la gradiente del costo con respecto de la salida de la capa convolucional Z en la h-th fila y la w-th columna (correspondiente al producto punto tomado de la i-th stride en la izquierda y el j-th stride inferior). Noten que cada vez que multiplicamos el mismo filtro W_c por una dZ difrente cuando se actualiza dA. Esto lo hacemos principalmente cuando calculamos el paso forward, cada filtro es multiplicado (punto) y sumado por un differente a_slice. Entonces cuando calculamos el backpropagation para dA, estamos agregando todas las gradientes de a_slices.

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

Calculando dW

Esta es la formula para calcular dW_c (dW_c es la derivada de un solo filtro) con respecto de la perdida

$$dW_c + = \sum_{h=0}^{n_H} \sum_{w=0}^{n_W} a_{slice} imes dZ_{hw}$$
 (2)

Donde a_{slice} corresponde al slice que se usó para generar la activación de dZ_{ij} . Entonces, esto termina dandos la gradiente de W con respecto de ese slice (ventana). Debido a que el mismo W, solo agregamos todas las gradientes para obtener dW

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

$$dW[:,:,:,c] += a_slice * dZ[i, h, w, c]$$

Calculando db

Esta es la formula para calcular db con respecto del costo para un filtro dado Wc

$$db = \sum_{h} \sum_{w} dZ_{hw} \tag{3}$$

Como hemos previamente visto en una red neuronal básica, db es calculada al sumar dZ. En este caso, solo sumaremos sobre todas las gradientes de la salida conv (Z) con respecto del costo.

En código, dentro del ciclo-for apropiado, esta formula se transforma en:

$$db[:,:,:,c] += dZ[i, h, w, c]$$

Después de este preambulo, ahora pasemos al **ejercicio**. Deberá implementar la función conv_backward. Deberá sumar sobre todos los datos de entrenamiento, filtros, altos, y anchos. Luego, deberá calcular las derivadas usando las formulas 1-3, de arriba.

```
In [37]: def conv_backward(dZ, cache):
             Implementa el backprogation para una función de convolución
             Arguments:
             dZ: Gradiente de costo shape (m, n H, n W, n C)
             cache: Cache de valores output de conv_forward()
             Returns:
             dA_prev: Gradiente de costos con respecto de la entrada de la capa
             dW: Gradiente de costo con respecto de los de los pesos (W), shape
             db: Gradiente de costo con respecto de los biases de la capa conv
             1111111
             # Obtener info del "cache"
             (A_prev, W, b, hparameters) = cache
             # Obtener dimensiones de A_prev
             (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev) = A_prev.shape
             # Obtener dimensiones de W
             (f, f, n_C_prev, n_C) = W.shape
             # Obtener información de los hiperparametros (hparameters)
             stride = hparameters["stride"]
             pad = hparameters["pad"]
             # Obtener dimensiones de dZ
             (m, n_H, n_W, n_C) = dZ.shape
             # Init variables
             dA_prev = np.zeros((m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev))
             dW = np.zeros((f, f, n_C_prev, n_C))
             db = np.zeros((1, 1, 1, n_C))
             # Agregar padding a A_prev y dA_prev
             A_prev_pad = zero_pad(A_prev, pad)
             dA_prev_pad = zero_pad(dA_prev, pad)
             # Iteramos sobre los datos de entrenamiento
             for i in range(m):
                 # Aprox 2 lineas para
```

```
# seleccionar el i—th ejemplo de entrenamiento de A_prev y dA_
# a prev pad =
# da_prev_pad =
# YOUR CODE HERE
a_prev_pad = A_prev_pad[i]
da_prev_pad = dA_prev_pad[i]
# Repetimos los loops de los pasos forward
# Iteramos sobre el eje vertical (n_H)
for h in range(n_H):
    vert_start = h * stride
    vert_end = vert_start + f
    for w in range(n_W):
        # Iteramos sobre los canales (n C)
        horiz_start = w * stride
        horiz_end = horiz_start + f
        for c in range(n_C):
            # Aprox 4 linea para
            # Encontrar las orillas de la ventana actual (slic
            # vert_start =
            # vert_end =
           # horiz start =
            # horiz end =
            # YOUR CODE HERE
            # Aprox 1 linea de codigo para
            # Usar las orillas para definir el slice (ventana)
            # a slice =
            # YOUR CODE HERE
            a_slice = a_prev_pad[vert_start:vert_end,
                                 horiz_start:horiz_end,
                                 :1
            # Update gradients for the window and the filter's
            # Aprox 3 lineas para
            # Actualizar gradientes para la ventana y los para
            # da_prev_pad[vert_start:vert_end, horiz_start:hor
            # dW[:,:,:,c] +=
            # db[:,:,:,c] +=
            # YOUR CODE HERE
            da_prev_pad[vert_start:vert_end,
                        horiz_start:horiz_end,
                        :] += W[:, :, c] * dZ[i, h, w, c]
            dW[:, :, :, c] += a_slice * dZ[i, h, w, c]
            db[:, :, :, c] += dZ[i, h, w, c]
# Aprox 1 linea para
# Settear el dA_prev del i-th ejemplo de entrenamiento a un da
# Considere usar X[pad:-pad, pad:-pad, :]
# dA_prev[i, :, :, :] =
```

```
# YOUR CODE HERE
dA_prev[i, :, :, :] = da_prev_pad[pad:-pad, pad:-pad, :]

# Asegurandose que la forma es la correcta
assert(dA_prev.shape == (m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev))

return dA_prev, dW, db
```

```
In [38]: np.random.seed(seed_)

dA, dW, db = conv_backward(Z, cache_conv)
print("dA_mean =", np.mean(dA))
print("dW_mean =", np.mean(dW))
print("db_mean =", np.mean(db))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(dA, ((10, 7, 7, 5), 5720525.244018247)))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(dW, ((3, 3, 5, 8), -2261214.2801842494)))

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(db, ((1, 1, 1, 8), 11211.666220998337)))
```

 $dA_{mean} = 1.7587047105902995$ $dW_{mean} = -30.84696464944313$ $db_{mean} = 163.5455610593757$

√ [5 marks]

√ [5 marks]

√ [5 marks]

Ejercicio 6

Es momento de hacer el paso backward para la **capa pooling**. Vamos a empezar con la versión max-pooling. Noten que incluso aunque las capas de pooling no tienen parámetros para actualizar en backpropagation, aun se necesita pasar el gradiente en backpropagation por las capas de pooling para calcular los gradientes de las capas que vinieron antes de la capa de pooling

Max-pooling paso Backward

Antes de ir al backpropagation de la capa de pooling, vamos a crear una función de apoyo llamada create_mask_from_window() que hará lo siguiente

$$X = \begin{bmatrix} 1 & 3 \\ 4 & 2 \end{bmatrix} \quad \rightarrow \quad M = \begin{bmatrix} 0 & 0 \\ 1 & 0 \end{bmatrix} \tag{4}$$

Como pueden observar, esta función creará una matriz "máscara" que ayudará a llevar tracking de donde está el valor máximo. El valor 1 indica la posición del máximo de una matriz X, las demás posiciones son 0. Veremos más adelante que el paso backward con average-pooling es similar pero con diferente máscara

Ejercicio: Implemente la función create_mask_from_window().

Hints:

- np.max() puede ser de ayuda.
- Si tienen una matriz X y un escalar x: A = (X==x) devolverá una matriz A del mismo tamaño de X tal que:

```
A[i,j] = True if X[i,j] = x
A[i,j] = False if X[i,j] != x
```

mask = create_mask_from_window(x)

print('x = ', x)

• En este caso, no considere casos donde hay varios máximos en una matriz

```
In [39]: def create_mask_from_window(x):
    """
    Crea una máscara para el input x, para identificar máximos

    Arguments:
    x: Array, shape (f, f)

    Returns:
    mask: Array de la misma dimensión de la ventana, y con 1 donde est
    """
    # Aprox 1 linea para
    # mask =
    # YOUR CODE HERE
    mask = (x == np.max(x))
    return mask

In [40]: np.random.seed(seed_)
    x = np.random.randn(2,3)
```

```
print("mask = ", mask)

with tick.marks(5):
    assert(check_hash(mask, ((2, 3), 2.5393446629166316)))

x = [[ 0.71167353 -0.32448496 -1.00187064]
    [ 0.23625079 -0.10215984 -1.14129263]]

mask = [[ True False False]
    [False False False]]
```

Es válido preguntarse ¿por qué hacemos un seguimiento de la posición del máximo? Es porque este es el valor de entrada que finalmente influyó en la salida y, por lo tanto, en el costo.

Backprop está calculando gradientes con respecto al costo, por lo que todo lo que influya en el costo final debe tener un gradiente distinto de cero. Entonces, backprop "propagará" el gradiente de regreso a este valor de entrada particular que influyó en el costo.

Average-pooling paso Backward

En max-pooling, para cada ventana de entrada, toda la "influencia" en la salida provino de un solo valor de entrada: el máximo. En la agrupación promedio, cada elemento de la ventana de entrada tiene la misma influencia en la salida. Entonces, para implementar backprop, ahora implementaramos una función auxiliar que refleje esto.

$$dZ = 1 \quad \rightarrow \quad dZ = \begin{bmatrix} 1/4 & 1/4 \\ 1/4 & 1/4 \end{bmatrix}$$
 (5)

Esto implica que cada posición en la matriz contribuye por igual a la salida porque en el pase hacia adelante tomamos un promedio.

Ejercicio: Implemente la función para distribuir de igual manera el valor dz en una matriz del mismo tamaño de "shape"

```
Returns:
             a: Array, shape (n_H, n_W)
             # Aprox 3 lieneas para
             \# (n_H, n_W) =
             # average =
             # a =
             # YOUR CODE HERE
             n H, n W = shape
             average = dz / (n_H * n_W)
             a = np.ones((n_H, n_W)) * average
             return a
In [42]: a = distribute_value(5, (7,7))
         print('valor distribuido =', a)
         with tick.marks(5):
             assert check_scalar(a[0][0], '0x23121715')
        valor distribuido = [[0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.102
        04082 0.10204082
          0.10204082]
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.10204082]
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.10204082]
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.102040821
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.102040821
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.102040821
         [0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082 0.10204082
          0.10204082]]

√ [5 marks]
```

Ejercicio 7

Ahora tienen todo lo necesario para calcular el backpropagation en una capa de agrupación.

Ejercicio: Implementen la función pool_backward en ambos modos ("max" y "average"). Una vez más, usarán 4 loops-for (iterando sobre ejemplos de entrenamiento, altura, ancho y canales). Debe usar una instrucción if/elif

para ver si el modo es igual a 'máximo' o 'promedio'. Si es igual a 'promedio', debe usar la función distribuir_valor () que se creo anteriormente para crear una matriz de la misma forma que "a_slice". De lo contrario, el modo es igual a 'max', y creará una máscara con create_mask_from_window() y la multiplicará por el valor correspondiente de dZ.

```
In [43]: def pool_backward(dA, cache, mode = "max"):
             Implements the backward pass of the pooling layer
             Arguments:
             dA -- gradient of cost with respect to the output of the pooling l
             cache -- cache output from the forward pass of the pooling layer,
             mode -- the pooling mode you would like to use, defined as a strin
             dA_prev -- gradient of cost with respect to the input of the pooli
             # Obtener info del cache
             (A_prev, hparameters) = cache
             # Obtener info de "hparameters"
             stride = hparameters["stride"]
             f = hparameters["f"]
             # Dimensiones de A_prev y dA
             m, n_H_prev, n_W_prev, n_C_prev = A_prev.shape
             m, n_H, n_W, n_C = dA.shape
             # Init dA_prev
             dA_prev = np.zeros(A_prev.shape)
             # Iterar sobre los ejemplos de entrenamiento
             for i in range(m):
                 # Aprox 1 linea para
                 # seleccionar el ejemplo de entrenamiento de A_prev
                 # a prev =
                 # YOUR CODE HERE
                 a_prev = A_prev[i]
                 # Iterar sobre lo vertical (n_H)
                 for h in range(n H):
                     vert_start = h * stride
                     vert_end = vert_start + f
                     for w in range(n_W):
                         horiz_start = w * stride
                         horiz_end = horiz_start + f
                         for c in range(n_C):
```

```
# Encontrar las orillas de la ventana actual (slic
                # vert start =
                # vert end =
                # horiz start =
                # horiz end =
                # YOUR CODE HERE
                # Calcular backward prop para ambos modos
                if mode == "max":
                    # Aprox 3 lineas para
                    # Usar las orillas y "c" para definir el slice
                    # a_prev_slice =
                    # Crear una mascara desde a_prev_slice
                    # mask =
                    # Setear dA_prev para ser dA_prev + (la mascar
                    # dA_prev[i, vert_start:vert_end, horiz_start:
                    # YOUR CODE HERE
                    a_prev_slice = a_prev[vert_start:vert_end,
                                          horiz_start:horiz_end,
                                          c1
                    mask = create mask from window(a prev slice)
                    # 3) propaga gradiente solo al máximo
                    dA_prev[i,
                            vert_start:vert_end,
                            horiz_start:horiz_end,
                            c] += mask * dA[i, h, w, c]
                elif mode == "average":
                    # Aprox 3 lineas para
                    # Obtener los valores de dA
                    \# da =
                    # Definir la forma del filtro fxf
                    # shape =
                    # Distribuirlo para obtener el tamaño correcto
                    # YOUR CODE HERE
                    da = dA[i, h, w, c]
                    # 3) distribuye equitativamente
                    shape = (f, f)
                    distributed = distribute_value(da, shape)
                    # 4) acumula en dA_prev
                    dA_prev[i,
                            vert_start:vert_end,
                            horiz_start:horiz_end,
                            cl += distributed
# Asegurandose que la forma de la salida sea correcta
assert(dA_prev.shape == A_prev.shape)
```

Aprox 4 linea para

```
In [44]: np.random.seed(seed_)
         A_prev = np.random.randn(5, 5, 3, 2)
         hparameters = {"stride" : 1, "f": 2}
         A, cache = pool_forward(A_prev, hparameters)
         print(A.shape)
         dA = np.random.randn(5, 4, 2, 2)
         dA_prev = pool_backward(dA, cache, mode = "max")
         print("mode = max")
         print('mean of dA = ', np.mean(dA))
         print('dA_prev[1,1] = ', dA_prev[1,1])
         print()
         with tick.marks(5):
             assert(check_hash(dA_prev, ((5, 5, 3, 2), 1166.727871556145)))
         dA_prev = pool_backward(dA, cache, mode = "average")
         print("mode = average")
         print('mean of dA = ', np.mean(dA))
         print('dA_prev[1,1] = ', dA_prev[1,1])
         with tick.marks(5):
             assert(check_hash(dA_prev, ((5, 5, 3, 2), 1131.4343089227643)))
        (5, 4, 2, 2)
        mode = max
        mean of dA = 0.10390017715645054
        dA_prev[1,1] = [[1.24312631 0.
                                                 1
         [0. -1.05329248]
         [-1.03592891 0.
                                 11
```

```
mode = average

mean of dA = 0.10390017715645054

dA_prev[1,1] = [[ 0.31078158     0.10580814]

[ 0.30923847 -0.2046901 ]

[-0.00154311 -0.31049824]]
```

√ [5 marks]

Ejercicio 8

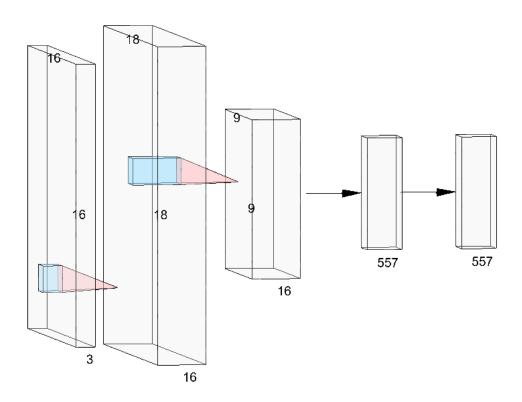
Hemos hecho todas las partes "a mano", es momento entonces de unir todo para intentar predecir nuevamente gatitos y perritos.

Tengan en cuenta que volveremos a usar el mismo método de la última vez pero ahora bajaremos significativamente la resolución de las imagenes para agilizar el proceso de entrenamiento. Esto, logicamente, afectará al resultado final, pero no se preocupen, está bien si les sale una pérdida excesivamente alta y un accuracy demasiado bajo, lo importante de este paso es que entiendan como todo se entrelaza. Además, muchas de las funciones para terminar de enlanzar todo les son dadas, no está de más que las lean y entiendan que sucede, pero ustedes deberán implementar varias también.

Para esta parte esparemos haciendo una arquitectura bastante simple, siendo esta algo como sigue

Input (64x64x3) --> Conv Layer (16 filters, 3x3, stride 1) --> ReLU Activation --> Max Pooling (2x2, stride 2) --> Fully Connected Layer (2 classes) --> Softmax Activation --> Output (Probs para Gato y Perro)

Se podría visualizar de una forma como la que se muestra en la siguiente imagen



(Si en algun momento necesitan crear visualizaciones de arquitecturas de DL pueden usar la pagina https://alexlenail.me/NN-SVG/AlexNet.html)

Ejercicio: Implementen la función simple_cnn_model, la cual se encargará de formar el forward pass, luego implemente la función backward propagation,

que se encargará de hacer el backward propagation y calculo de gradientes.

Finalmente, implemente update_parameters que deberá actualziar los filtros y biases.

```
In [45]: # Por favor cambien esta ruta a la que corresponda en sus maquinas
         data_dir = './data'
         train images = []
         train_labels = []
         test_images = []
         test_labels = []
         def read_images(folder_path, label, target_size, color_mode='RGB'):
             for filename in os.listdir(folder_path):
                 image_path = os.path.join(folder_path, filename)
                 # Use PIL to open the image
                 image = Image.open(image_path)
                 # Convert to a specific color mode (e.g., 'RGB' or 'L' for gra
                 image = image.convert(color_mode)
                 # Resize the image to the target size
                 image = image.resize(target size)
                 # Convert the image to a numpy array and add it to the appropr
                 if label == "cats":
                     if 'train' in folder_path:
                         train images.append(np.array(image))
                         train_labels.append(0) # Assuming 0 represents cats
                     else:
                         test_images.append(np.array(image))
                         test_labels.append(0) # Assuming 0 represents cats
                 elif label == "dogs":
                     if 'train' in folder_path:
                         train_images.append(np.array(image))
                         train_labels.append(1) # Assuming 1 represents dogs
                     else:
                         test_images.append(np.array(image))
                         test_labels.append(1) # Assuming 1 represents dogs
         # Call the function for both the 'train' and 'test' folders
         train_cats_path = os.path.join(data_dir, 'train', 'cats')
         train_dogs_path = os.path.join(data_dir, 'train', 'dogs')
         test_cats_path = os.path.join(data_dir, 'test', 'cats')
         test_dogs_path = os.path.join(data_dir, 'test', 'dogs')
         # Read images
         target_size = (16, 16)
         read_images(train_cats_path, "cats", target_size)
         read_images(train_dogs_path, "dogs", target_size)
         read_images(test_cats_path, "cats", target_size)
```

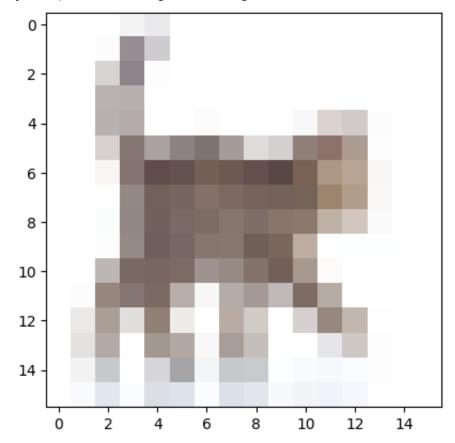
```
read_images(test_dogs_path, "dogs", target_size)

# Convert the lists to numpy arrays
train_images = np.array(train_images)
train_labels = np.array(train_labels)
test_images = np.array(test_images)
test_labels = np.array(test_labels)

# Reshape the labels
train_labels = train_labels.reshape((1, len(train_labels)))
test_labels = test_labels.reshape((1, len(test_labels)))
```

```
In [46]: # Ejemplo de una imagen
# Sí, ahora se ve menos el pobre gatito :(
   index = 25
   plt.imshow(train_images[index])
   print ("y = " + str(train_labels[0][index]) + ", es una imagen de un "
```

y = 0, es una imagen de un gato



```
num_classes: Número de clases
    Returns:
    one_hot: Array, shape (m, num_classes)
   m = labels.shape[0]
    one_hot = np.zeros((m, num_classes))
    one_hot[np.arange(m), labels] = 1
    return one_hot
def relu(Z):
   Aplica ReLU como funcion de activación al input
   Arguments:
   Z: Input
    Returns:
   A: Output array, mismo shape de Z
    cache: Contiena a Z para usar en el backprop
   A = np.maximum(0, Z)
    cache = Z
    return A, cache
def relu_backward(dA, cache):
   Calcula la derivada del costo con respecto del input de ReLU
   Arguments:
    dA: Gradiente del costo con respecto del output de ReLU
    cache: Z del paso forward
   Returns:
   dZ: Gradiente del costo con respecto del input
    1111111
    Z = cache
    dZ = np.multiply(dA, Z > 0)
    return dZ
def softmax(Z):
   Aplica softmax al input
   Arguments:
   Z: Input array, shape (m, C), m = # de ejemplso, C = # de clases
    Returns:
    A : Salida con softmax
```

```
e_Z = np.exp(Z - np.max(Z, axis=1, keepdims=True))
   A = e_Z / np.sum(e_Z, axis=1, keepdims=True)
    return A
def softmax_backward(A):
    Calcula la derivada de softmax
   Arguments:
   A: Salida del softmax
    Returns:
    dA: Gradiente del costo con respecto de la salida del softmax
    dA = A * (1 - A)
    return dA
def initialize_parameters(n_H, n_W, n_C):
    Inicializa los parametros de la CNN
   Arguments:
    n_H: Alto de las imagenes
    n_W: Ancho de las imagenes
    n_C: Canales
    Returns:
    parameters: Diccionario con los filtros y biases
    1111111
    parameters = {}
   # First convolutional layer
    parameters ['W1'] = np.random.randn(3, 3, n_C, 16) * 0.01
    parameters ['b1'] = np.zeros((1, 1, 1, 16))
    # Second convolutional layer — Not used to much time on training
    \#parameters['W2'] = np.random.randn(3, 3, 16, 32) * 0.01
    \#parameters['b2'] = np.zeros((1, 1, 1, 32))
   # Fully connected layer
    parameters ['W3'] = np.random.randn(1296, 2) * 0.01
    parameters['b3'] = np.zeros((1, 2))
    return parameters
def conv_layer_forward(A_prev, W, b, hparameters_conv):
    Forward pass de una capa convolucional
    Arguments:
```

```
A_prev: Matriz previa
   W: Filtro
    b: Biases
    hparameters_conv: hiperparametros
    Returns:
   A: Nueva matriz de datos
    cache: Cache con la info de ReLU y la convolucional
    Z, cache_conv = conv_forward(A_prev, W, b, hparameters_conv)
    A, cache relu = relu(Z)
    cache = (cache_conv, cache_relu)
    return A, cache
def pool_layer_forward(A_prev, hparameters_pool, mode='max'):
   Llama a la función realizada previamente — Ver docstring de pool f
    A, cache = pool_forward(A_prev, hparameters_pool, mode)
    return A, cache
def fully_connected_layer_forward(A2, A_prev_flatten, W, b):
    Forward pass de fully connected
   Arguments:
   A2: Matriz previa no aplanada
   A_prev_flatten: Matriz previa aplanada
   W: Filtro
   b: Biases
    Returns:
   A: Nueva matriz de datos
    cache: Cache con la info de ReLU y la convolucional
    Z = np.dot(A_prev_flatten, W) + b
    A = softmax(Z) # cache_fc = softmax(Z)
    cache = (A2, A \text{ prev flatten, W, b, Z, A})
    return A, cache
def simple_cnn_model(image_array, parameters):
    Implementa un modelo simple de CNN para predeciri si una imagen es
    Arguments:
    image_array: Imagenes, shape (m, n_H, n_W, n_C)
    parameters: Diccionario con los filtros y pesos de cada capa
    Returns:
    A_last: Salida de la ultima capa (Probabilidades softmax para amba
    caches: Lista de caches con lo necesario para backward prop
    0.00
```

```
# Retrieve the filter weights and biases from the parameters dicti
   W1 = parameters['W1']
    b1 = parameters['b1']
    #W2 = parameters['W2']
    #b2 = parameters['b2']
   W3 = parameters['W3']
   b3 = parameters['b3']
   # Define the hyperparameters for the CNN
    hparameters_conv = {"stride": 1, "pad": 2}
    hparameters_pool = {"f": 2, "stride": 2}
   # Aprox 2 lineas para Forward propagation
   # Asegurese de usar las funciones dadas y de usar el mode='max' pa
   # A1, cache0 =
   \# A2, cache1 =
   # YOUR CODE HERE
   A1, cache0 = conv_layer_forward(image_array, W1, b1, hparameters_c
   A2, cache1 = pool_layer_forward(A1, hparameters_pool, mode='max')
   # Flatten the output of the second convolutional layer
   A2_{flatten} = A2_{reshape}(A2_{shape}[0], -1)
   # Aprox 1 linea para Fully connected layer
   # De nuevo, asegurense de usar la funcion dada
   # A_last, cache2 =
   # YOUR CODE HERE
   A_last, cache2 = fully_connected_layer_forward(A2, A2_flatten, W3,
    # Cache values needed for backward propagation
    caches = [cache0, cache1, cache2]
    return A_last, caches
def compute_cost(A_last, Y):
    Calcula el costo de cross-entroy para las probabilidades predichas
   Arguments:
    A_last: Prob predichas, shape (m, 2)
   Y: Labels verdaders, shape (m, 2)
    Returns:
    cost: cross-entropy cost
   m = Y.shape[0]
    cost = -1/m * np.sum(Y * np.log(A_last + 1e-8))
    return cost
def fully_connected_layer_backward(dA_last, cache, m):
```

```
Calcula el backward pass de la fully connected
    Arguments:
    dA last: Matriz de valores
    cache: cache util
    m: Cantidad de obs
    Returns:
    dA_prev: Derivada de la matriz
    dW: Derivada del costo con respecto del filtro
    db: Derivada del costo con respecto de bias
    A_prev_unflatten, A_prev_flatten, W, b, Z, A_last = cache
    dZ = dA_last * softmax_backward(A_last)
    dW = np.dot(A_prev_flatten.T, dZ) / m
    db = np.sum(dZ, axis=0, keepdims=True) / m
    dA_prev_flatten = np.dot(dZ, W.T)
    dA_prev = dA_prev_flatten.reshape(A_prev_flatten.shape)
    return dA_prev, dW, db
def pool_layer_backward(dA, cache, mode='max'):
    Llama al metodo antes definido - Ver docstring de pool_backward
    return pool_backward(dA, cache, mode)
def conv_layer_backward(dA, cache):
    Llama al metodo antes definido - Ver docstring de conv_backward
    dZ = relu backward(dA, cache[1])
    dA_prev, dW, db = conv_backward(dZ, cache[0])
    return dA_prev, dW, db
def backward_propagation(A_last, Y, caches):
    Implemente la parte de backward prop de nuestro modelo
   Arguments:
   A_last: Probabilidades predichas, shape (m, 2)
   Y: Labels verdaderas, shape (m, 2)
    caches: Lista de caches con info para el back prop
    Returns:
    gradients: Diccionario con gradientes de filtros y biases para cad
    m = Y.shape[0]
    gradients = {}
    cache0, cache1, cache2 = caches
    # Compute the derivative of the cost with respect to the softmax o
    dZ3 = A_last - Y
```

```
# Aprox 1 linea para hacer backprog en la fully connected layer y
   # gradients['dA2_flatten'], gradients['dW3'], gradients['db3'] =
   # Recuerden usar los metodos definidos previamente
   # N.B.: Vean a que posición del array corresponde cada caché
   # YOUR CODE HERE
   gradients = {}
   gradients['dA2 flatten'], gradients['dW3'], gradients['db3'] = \
        fully_connected_layer_backward(dZ3, cache2, m)
   # Reshape dA2_flatten to match the shape of dA2
   dA2 = gradients['dA2_flatten'].reshape(caches[2][0].shape)
   # Backpropagation through the second convolutional layer and pooli
   # Aprox 2 lineas para hacer el backprop en la pooling y la convolu
   # gradients['dA1 pool'] =
   # gradients['dA1'], gradients['dW1'], gradients['db1'] =
   # Recuerden usar los metodos definidos previamente
   # N.B.: Vean a que posición del array corresponde cada caché
   # YOUR CODE HERE
   gradients['dA1_pool'] = pool_layer_backward(dA2, cache1, mode='max
   gradients['dA1'], gradients['dW1'], gradients['db1'] = \
        conv_layer_backward(gradients['dA1_pool'], cache0)
   # Backpropagation through the first convolutional layer and poolin
   # Removed due high processing times
   # gradients['dA0'], gradients['dW1'], gradients['db1'] = conv_laye
    return gradients
def update_parameters(parameters, gradients, learning_rate=0.01):
   Actualiza los filtros y biases usando gradiente descendiente
   Arguments:
    parameters: Diccionario con filtros y biases de cada layer
    gradients: Diccionario con gradientes de filtros y biases de cada
    learning_rate: learning rate para gradient descent (default: 0.01)
   Returns:
    parameters: Parametros actualizados despues de un paso en la grad
   # Aprox 4 lineas para calculo de W1, b1, W3,b3 (si, no hay continu
   # parameters['W1'] -=
   # parameters['b1'] -=
   # parameters['W3'] -=
   # parameters['b3'] -=
   # YOUR CODE HERE
   parameters['W1'] == learning_rate * gradients['dW1']
   parameters['b1'] -= learning_rate * gradients['db1']
    parameters['W3'] == learning_rate * gradients['dW3']
```

```
parameters['b3'] == learning_rate * gradients['db3']
             return parameters
In [48]: np.random.seed(seed_)
         # Initialize the parameters of the CNN model
         parameters = initialize_parameters(n_H=target_size[0], n_W=target_size
         # Training loop
         # Noten como estamos usando bien poquitas epocas, pero es para que no
         num_epochs = 5
         learning rate = 0.01
In [49]: np.random.seed(seed_)
         # Combine the train_images and test_images into one array
         X train = train images #np.concatenate((train images, test images), ax
         # Combine the train labels and test labels into one array
         Y_train_labels = train_labels #np.concatenate((train_labels, test_labels)
         # Convert labels to one-hot encoding
         num_classes = 2
         Y_train = one_hot_encode(Y_train_labels, num_classes)
In [50]: np.random.seed(seed_)
         for epoch in range(num epochs):
             # Forward propagation
             A_last, caches = simple_cnn_model(X_train, parameters)
             # Compute the cost
             cost = compute_cost(A_last, Y_train)
             # Backward propagation
             gradients = backward_propagation(A_last, Y_train, caches)
             # Update parameters using gradient descent
             parameters = update_parameters(parameters, gradients, learning_rat
             # Print the cost every few epochs - Removed not used due high time
             #if epoch % 10 == 0:
             print(f"Epoch {epoch+1}, Cost: {cost}")
         print("Training completed.")
```

```
Epoch 1, Cost: 2370.7655299381468
Epoch 2, Cost: 10260.319168811471
Epoch 3, Cost: 10260.319168811471
Epoch 4, Cost: 10260.319168811471
Epoch 5, Cost: 10260.319168811471
Training completed.

In [51]: with tick.marks(10):
    assert check_scalar(cost, '0xd574bb64')
```

√ [10 marks]

```
In [52]: # Testing the model using the test dataset
         def test_model(X_test, Y_test, parameters):
             Testea el modelo CNN usando el dataset
             Arguments:
             X_test: Imagenes, shape (m, n_H, n_W, n_C)
             Y_test: Labels verdaders para probas las imagenes, shape (m, num_c
             parameters: Diccionario con filtros y biases de cada capa
             Returns:
             accuracy: Accuracy
             # Forward propagation
             A_last, _ = simple_cnn_model(X_test, parameters)
             # Convert softmax output to predicted class labels (0 for cat, 1 f
             predictions = np.argmax(A last, axis=1)
             # Convert true labels to class labels
             true_labels = np.argmax(Y_test, axis=1)
             # Calculate accuracy
             accuracy = np.mean(predictions == true_labels) * 100
             return accuracy
         # Test the model on the test dataset
         accuracy = test_model(test_images, one_hot_encode(test_labels, 2), par
         print(f"Test Accuracy: {accuracy:.2f}%")
        Test Accuracy: 0.00%
In [53]: with tick.marks(10):
```

assert check_scalar(accuracy, '0x75c2e82a')

√ [10 marks]

Entonces, como podemos ver el modelo creado es **realmente** malo. Pero para fines didácticos cumple con su cometido $\stackrel{ ext{de}}{\Leftrightarrow}$

NOTA: Conteste como txt, pdf, comentario en la entrega o en este mismo notebook:

• ¿Por qué creen que es el mal rendimiento de este modelo?

El modelo rinde mal principalmente porque trabajar con imágenes de tan baja resolución en este caso de 16×16 elimina casi todos los detalles faciales y de pelaje que diferencian un gato de un perro, combinado con una arquitectura excesivamente simple ya que cuenta con solo una capa convolucional y un perceptrón que no tiene la capacidad de aprender patrones complejos, lo que provoca un claro under-fitting.

¿Qué pueden hacer para mejorarlo?

Para mejorarlo se podría elevar la resolución de entrada, por ejemplo a 32×32 o 64×64 y añadir varias capas convolucionales adicionales con más filtros, incorporar técnicas como data augmentation y dropout para regularizar, y ajustar hiperparámetros críticos tale como learning rate, optimizador, número de epochs, para que el entrenamiento converja a soluciones de mayor calidad.

• ¿Cuáles son las razones para que el modelo sea tan lento?

El modelo es muy lento porque está implementado enteramente en NumPy con bucles anidados en Python para cada posición de convolución y pooling, sin aprovechar aceleración en GPU ni librerías optimizadas como CuDNN, TensorFlow o PyTorch, por lo que cada operación de copia y cálculo secuencial añade un gran sobrecoste computacional.

Ahora pasemos a ver como hacer algo mejor para el mismo tipo de tarea usando PyTorch 😊

Parte 2 - Usando PyTorch

Muy bien, hemos entendido ahora de mejor manera todo lo que sucede dentro de una red neuronal convolucional. Pasamos desde definir los pasos de forward, hasta incursionar en cómo realizar los pasos de backpropagation y al final, vimos una forma simple pero academicamente efectiva para entender lo que sucede dentro de una CNN.

Ahora, subamos un nivel y pasemos a ver como PyTorch nos ayuda a crear una CNN básica pero efectiva. Pero antes, es necesario que definamos la unidad básica de PyTorch, esta es conocida como Tensor (!)

Tensor

En PyTorch, un tensor es una estructura de datos fundamental que representa matrices multidimensionales o matrices n-dimensionales. Los tensores son similares a las matrices o arrays de NumPy, pero tienen características y funcionalidades adicionales que están optimizadas para tareas de Deep Learning, incluida la diferenciación automática para el cálculo de gradientes durante la retropropagación.

En PyTorch, se puede crear un tensor para representar datos numéricos, como imágenes, sonidos o cualquier otro dato numérico que pueda necesitar. Los tensores se pueden manipular mediante operaciones matemáticas como la suma, la resta y la multiplicación, lo que los hace esenciales para construir y entrenar modelos de Deep Learning.

Los tensores en PyTorch y los arrays de NumPy comparten similitudes y pueden realizar operaciones similares. Sin embargo, los tensores de PyTorch están diseñados específicamente para tareas de Deep Learning y ofrecen algunas funcionalidades adicionales optimizadas para la diferenciación automática durante backpropagation. Aquí hay algunas operaciones comunes que los tensores pueden hacer:

- Operaciones matemáticas: Los tensores admiten operaciones matemáticas estándar, como suma, resta, multiplicación, división y operaciones por elementos, como multiplicación por elementos, división por elementos, etc.
- Reshaping: Los tensores se pueden remodelar para cambiar sus dimensiones, lo que le permite convertir un tensor 1D en un tensor 2D, o viceversa.
- Operaciones de reducción: Los tensores admiten operaciones de reducción como sumar a lo largo de dimensiones específicas, calcular la media, la varianza, el máximo, el mínimo, etc.
- **Element-wise Functions**: Puede aplicar funciones matemáticas elementales como exponencial, logaritmo, seno, coseno, etc., a los tensores.
- Broadcasting: Los tensores admiten la difusión, lo que le permite realizar operaciones en tensores con diferentes formas.
- Indexing y Slicing: Puede acceder a elementos específicos o secciones de

un tensor mediante operaciones de indexación y división.

- **Concatenación y splitting**: Los tensores se pueden concatenar a lo largo de dimensiones específicas y puede dividir un tensor en varios tensores más pequeños.
- **Transposición**: los tensores se pueden transponer para cambiar el orden de sus dimensiones.
- Aceleración de GPU: Los tensores se pueden mover y operar fácilmente en GPU, lo que permite cálculos más rápidos para modelos de aprendizaje profundo a gran escala.

Además, se diferencian de los arrays de Numpy en:

- Diferenciación automática: Una de las diferencias clave es la función de diferenciación automática de PyTorch, que permite que los tensores realicen un seguimiento de las operaciones realizadas en ellos y calculen automáticamente los gradientes durante la retropropagación. Esta característica es crucial para entrenar redes neuronales utilizando algoritmos de optimización basados en gradientes.
- Compatibilidad con GPU: Si bien las matrices NumPy están diseñadas para el cálculo numérico basado en CPU, los tensores PyTorch se pueden mover y operar fácilmente en GPU, lo que permite un cálculo más rápido para modelos de aprendizaje profundo a gran escala.
- Gráfico computacional dinámico: PyTorch crea un gráfico computacional
 (como el que vimos en la primera clase) dinámico, lo que significa que el
 gráfico se construye sobre la marcha a medida que se realizan las
 operaciones. Esto permite una mayor flexibilidad en la definición de modelos
 complejos en comparación con los gráficos de cálculo estáticos utilizados en
 marcos como TensorFlow.
- Integración de Deep Learning: PyTorch se usa ampliamente en la comunidad de aprendizaje profundo debido a su estrecha integración con marcos de aprendizaje profundo. Muchas bibliotecas de aprendizaje profundo, como torchvision y torchtext, se construyen sobre PyTorch.

Después de todo este texto (sí, yo sé, es mucho texto ...), vamos a empezar ahora a definir nuestra CNN con PyTorch, para luego medir su performance. Empecemos por traer de vuelta parte del código que teníamos la otra vez.

No está de más recordarles en que **se recomienda el uso de ambientes virtuales**

```
In [54]: import torch
print(torch.__version__) # "2.x.x+cu118"
```

```
print(torch.version.cuda)
                                          # "11.8"
         print(torch.cuda.is available()) # True
        2.7.1
        None
        False
In [55]: import torch
         import torch.nn as nn
         import torch.optim as optim
         import torchvision.transforms as transforms
         from torch.utils.data import Dataset, DataLoader, random_split
         from PIL import Image
         import torch.utils.data as data
         import random
         from torchvision.datasets import ImageFolder
         import numpy as np
         # Seed all possible
         seed = 2023
         random.seed(seed)
         np.random.seed(seed_)
         torch.manual_seed(seed_)
         # If using CUDA, you can set the seed for CUDA devices as well
         if torch.cuda.is_available():
             torch.cuda.manual seed(seed)
             torch.cuda.manual_seed_all(seed_)
         import torch.backends.cudnn as cudnn
         cudnn.deterministic = True
         cudnn.benchmark = False
In [56]: | class CatsAndDogsDataset(Dataset):
             def __init__(self, data_dir, target_size=(28, 28), color_mode='RGB
                 self.data_dir = data_dir
                 self.target_size = target_size
                 self.color_mode = color_mode
                 self.classes = ['cats', 'dogs']
                 self.train = train
                 self.image_paths, self.labels = self.load_image_paths_and_labe
                 self.transform = transform
             def __len__(self):
                 return len(self.image_paths)
             def __getitem__(self, idx):
                 image_path = self.image_paths[idx]
                 image = Image.open(image_path)
                 image = image.convert(self.color_mode)
                 image = image.resize(self.target_size)
```

```
if self.transform is not None:
                      image = self.transform(image)
                 label = torch.tensor(self.labels[idx], dtype=torch.long)
                 return image, label
             def load image paths and labels(self):
                 image paths = []
                 labels = []
                 for class idx, class name in enumerate(self.classes):
                     class_path = os.path.join(self.data_dir, 'train' if self.t
                     for filename in os.listdir(class_path):
                          image_path = os.path.join(class_path, filename)
                          image_paths.append(image_path)
                          labels.append(class_idx)
                 return image paths, labels
In [57]: class CNNClassifier(nn.Module):
             def __init__(self, input_channels, image_size, num_classes):
                 super(CNNClassifier, self).__init__()
                 self.conv_layers = nn.Sequential(
                     nn.Conv2d(input_channels, 16, kernel_size=3, stride=1, pad
                     nn.ReLU(),
                     nn.MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2),
                     nn.Conv2d(16, 32, kernel size=3, stride=1, padding=1),
                     nn.ReLU(),
                     nn_MaxPool2d(kernel size=2, stride=2),
                     # Tercer bloque convolucional
                     nn.Conv2d(32, 64, kernel_size=3, stride=1, padding=1),
                     nn.ReLU(),
                     nn.MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2),
                 output_size_after_conv = image_size // 8
                 self.fc_layers = nn.Sequential(
                     nn.Linear(64 * output_size_after_conv * output_size_after_
                     nn.ReLU(),
                     nn.Linear(128, num_classes),
             def forward(self, x):
                 x = self.conv_layers(x)
                 x = x.view(x.size(0), -1)
                 x = self.fc_layers(x)
                 return x
```

```
In [58]: # Set the parameters
input_channels = 3 # RGB images have 3 channels
```

```
image size = 64
                             # Size of the input images (assuming square images
         num classes = 2
                             # Number of classes (cat and dog)
         output size = 2
         batch size = 32
In [59]: # Create the CNN model
         model = CNNClassifier(input channels, image size, num classes)
In [60]: # Check if CUDA is available and move the model to the GPU if possible
         device = torch.device("cuda" if torch.cuda.is_available() else "cpu")
         model.to(device)
         print("Using device:", device)
        Using device: cpu
In [61]: # Print the model architecture
         print(model)
        CNNClassifier(
          (conv layers): Sequential(
            (0): Conv2d(3, 16, kernel_size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1,
        1))
            (1): ReLU()
            (2): MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil
        _mode=False)
            (3): Conv2d(16, 32, kernel_size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1,
        1))
            (4): ReLU()
            (5): MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil
        _mode=False)
            (6): Conv2d(32, 64, kernel_size=(3, 3), stride=(1, 1), padding=(1,
        1))
            (7): ReLU()
            (8): MaxPool2d(kernel_size=2, stride=2, padding=0, dilation=1, ceil
        _mode=False)
          )
          (fc layers): Sequential(
            (0): Linear(in_features=4096, out_features=128, bias=True)
            (1): ReLU()
            (2): Linear(in_features=128, out_features=2, bias=True)
          )
        )
In [62]: # Define the loss function and optimizer
         criterion = nn.CrossEntropyLoss()
         optimizer = optim.Adam(model.parameters(), lr=0.001)
In [63]: # Define data transformations
         transform = transforms.Compose([
             transforms.Resize((image_size, image_size)),
             transforms.ToTensor(),
             transforms.Normalize(mean=[0.5, 0.5, 0.5], std=[0.5, 0.5, 0.5])
```

```
])
         train_dataset = CatsAndDogsDataset(data_dir=data_dir, target_size=(ima
         train_loader = DataLoader(train_dataset, batch_size=batch_size, shuffl
         test_dataset = CatsAndDogsDataset(data_dir=data_dir, target_size=(imag
         test_loader = DataLoader(test_dataset, batch_size=batch_size, shuffle=
In [64]: # Training loop
         num_epochs = 50
         losses = [] # List to store losses per epoch
         # Estimated time in training = 5 min
         for epoch in range(num_epochs):
             model.train()
             total_loss = 0.0
             for images, labels in train_loader:
                 images, labels = images.to(device), labels.to(device)
                 optimizer.zero_grad()
                 outputs = model(images)
                 loss = criterion(outputs, labels)
                 loss.backward()
                 optimizer.step()
                 total_loss += loss.item()
             # Calculate the average loss for this epoch
             epoch_loss = total_loss / len(train_loader)
             losses.append(epoch loss)
             print(f"Epoch {epoch + 1}/{num_epochs}, Loss: {total_loss / len(tr
```

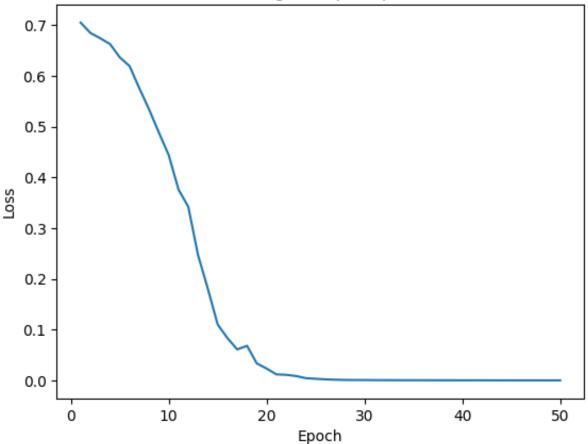
```
Epoch 1/50, Loss: 0.7045640779866112
Epoch 2/50, Loss: 0.6841294368108114
Epoch 3/50, Loss: 0.6738124125533633
Epoch 4/50, Loss: 0.6623250941435496
Epoch 5/50, Loss: 0.6361854672431946
Epoch 6/50, Loss: 0.6189250747362772
Epoch 7/50, Loss: 0.5752139555083381
Epoch 8/50, Loss: 0.5333101269271638
Epoch 9/50, Loss: 0.4878409720129437
Epoch 10/50, Loss: 0.44374774727556443
Epoch 11/50, Loss: 0.3759487221638362
Epoch 12/50, Loss: 0.3419322942694028
Epoch 13/50, Loss: 0.24666718890269598
Epoch 14/50, Loss: 0.1804900537762377
Epoch 15/50, Loss: 0.1103303800854418
Epoch 16/50, Loss: 0.08345790248778132
Epoch 17/50, Loss: 0.061103058668474354
Epoch 18/50, Loss: 0.06829537523703443
Epoch 19/50, Loss: 0.033647345974006586
Epoch 20/50, Loss: 0.023464098003589444
Epoch 21/50, Loss: 0.012051238173929354
Epoch 22/50, Loss: 0.011136474223652234
Epoch 23/50, Loss: 0.008769793992137743
Epoch 24/50, Loss: 0.0045604983202388715
Epoch 25/50, Loss: 0.003374965796764526
Epoch 26/50, Loss: 0.0022602149919192824
Epoch 27/50, Loss: 0.0015246435230235672
Epoch 28/50, Loss: 0.001099360924854409
Epoch 29/50, Loss: 0.0009254114750850325
Epoch 30/50, Loss: 0.0008690597056152506
Epoch 31/50, Loss: 0.0006922494633019798
Epoch 32/50, Loss: 0.0006461069772032917
Epoch 33/50, Loss: 0.0005717199217340547
Epoch 34/50, Loss: 0.0005285810152094604
Epoch 35/50, Loss: 0.0005026476582214753
Epoch 36/50, Loss: 0.0005010001987102441
Epoch 37/50, Loss: 0.00044646707748244
Epoch 38/50. Loss: 0.0003976861803999378
Epoch 39/50, Loss: 0.0003834577356529836
Epoch 40/50, Loss: 0.00034791124117974605
Epoch 41/50, Loss: 0.000332386780226241
Epoch 42/50, Loss: 0.0003512927865409034
Epoch 43/50, Loss: 0.00030506076372047473
Epoch 44/50, Loss: 0.000274001297738222
Epoch 45/50, Loss: 0.0002568239421331479
Epoch 46/50, Loss: 0.00024387476110455787
Epoch 47/50, Loss: 0.00024006367675610818
Epoch 48/50, Loss: 0.00023370442391347347
Epoch 49/50, Loss: 0.00021281131153551137
Epoch 50/50, Loss: 0.000200305352538837
```

Como pueden observar, ahora somos capaces de usar más epocas y esto es más

eficiente (si estan en el device de CUDA). Con un tiempo aproximado de 5 minutos, podemos usar 50 epocas de entrenamiento. Ahora ya podemos considerar entrenar mucho más nuestro modelo para que se vuelva mejor (aunque esto no siempre pase, pero sí podemos entrenarlo con más epocas 😂)

```
In [67]: # Plot the losses per epoch
plt.plot(range(1, num_epochs + 1), losses)
plt.xlabel('Epoch')
plt.ylabel('Loss')
plt.title('Training Loss per Epoch')
plt.show()
```

Training Loss per Epoch



Como se puede apreciar en la gráfica, vemos como la perdida (loss) va disminuyendo conforme vamos entrenando. Esto hace mucho sentido y resulta poderosísímo, debido a que con este tipo de comportamiento podemos asegurar que nuestro modelo está funcionado al menos con el comportamiento esperado.

Cabe mencionar que algunas veces también se grafica la métrica de desempeño (accuracy, f1, etc) en estos casos para monitorear el overfitting.

```
In [68]: # Evaluation
# Note eval(), this is used to remove some techniques that helps with
model.eval()
correct = 0
total = 0
with torch.no_grad():
    for inputs, labels in test_loader:
        inputs, labels = inputs.to(device), labels.to(device)
        outputs = model(inputs)
        _, predicted = torch.max(outputs.data, 1)
        total += labels.size(0)
        correct += (predicted == labels).sum().item()

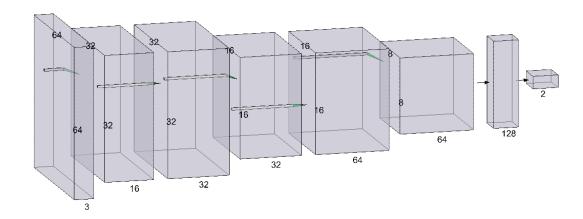
accuracy_model = 100 * correct / total
print('Accuracy on test set: {:.2f}%'.format(accuracy_model))
```

Accuracy on test set: 65.00%

In [69]: with tick.marks(10):
 assert 60 < accuracy_model and 68 > accuracy_model

√ [10 marks]

Algunas otras veces necesitamos validar nuestra arquitectura, para ello es útil poder tener a vista los tamaños de las capas que vamos generando. En este caso hemos hecho una arquitectura como esta:



Pero también una visualización numérica es util. Para ello podemos usar la librería "torchsummary" que la podemos instalar como cualquier otro paquete.

Recuerden volver a comentar la linea de abajo una vez hayan instalado la librería.

```
In [ ]: #!pip install torchsummary
```

```
In [74]: from torchsummary import summary

# Con esta gráfica podemos observar las dimensiones de cada capa, así
# optimizando dentro de la misma
summary(model, (input_channels, image_size, image_size))
```

Param	Output Shape	Layer (type)
4,64 18,49	[-1, 16, 64, 64] [-1, 16, 64, 64] [-1, 16, 32, 32] [-1, 32, 32, 32] [-1, 32, 32, 32] [-1, 32, 16, 16] [-1, 64, 16, 16] [-1, 64, 8, 8]	Conv2d-1 ReLU-2 MaxPool2d-3 Conv2d-4 ReLU-5 MaxPool2d-6 Conv2d-7 ReLU-8 MaxPool2d-9 Linear-10
524 , 41 25	[-1, 128] [-1, 128] [-1, 2]	ReLU-11 Linear-12

Total params: 548,258 Trainable params: 548,258 Non-trainable params: 0

Input size (MB): 0.05

Forward/backward pass size (MB): 1.97

Params size (MB): 2.09

Estimated Total Size (MB): 4.11

NOTA: Conteste como txt, pdf, comentario en la entrega o en este mismo notebook:

• ¿Qué haría para mejorar el rendimiento del modelo?

Uso de GPU y entrenamiento en CUDA: trasladar el modelo y los tensores al dispositivo CUDA acelera drásticamente el forward/backward pass, permitiendo entrenar más rápido y con más épocas.

Optimización avanzada y más epochs: cambiar de un optimizador básico a Adam o SGD con momentum, junto con schedulers de tasa de aprendizaje, mejora la convergencia.

¿Qué haría para disminuir las posibilidades de overfitting?

Data augmentation con torchvision.transforms: aplicar transformaciones aleatorias (rotaciones, flips, cambios de brillo/contraste) genera ejemplos sintéticos que enriquecen el dataset y obligan al modelo a ser más robusto.

Dropout en las capas ocultas: insertar capas de nn.Dropout(p) en la arquitectura ayuda a desactivar neuronas de forma aleatoria durante el entrenamiento y se omite automáticamente con model.eval() en la fase de evaluación, reduciendo la coadaptación de features.

Calificación

Asegúrese de que su notebook corra sin errores (quite o resuelva los raise NotImplementedError()) y luego reinicie el kernel y vuelva a correr todas las celdas para obtener su calificación correcta

```
In [75]: print()
   print("La fraccion de abajo muestra su rendimiento basado en las parte
   tick.summarise_marks() #
```

La fraccion de abajo muestra su rendimiento basado en las partes visibl es de este laboratorio

110 / 110 marks (100.0%)

```
In []:
```