Sexo

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(sexo) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(sexo)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(sexo)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(sexo)

grupo\_etario

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(grupo\_etario) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(grupo\_etario)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(grupo\_etario)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(grupo\_etario)

condicion\_aplicacion

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(condicion\_aplicacion) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(condicion\_aplicacion)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(condicion\_aplicacion)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(condicion\_aplicacion)

vacuna

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(vacuna) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(vacuna)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(vacuna)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(vacuna)

jurisdiccion\_aplicacion

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(jurisdiccion\_aplicacion) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(jurisdiccion\_aplicacion)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(jurisdiccion\_aplicacion)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(jurisdiccion\_aplicacion)

jurisdiccion\_residencia

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(jurisdiccion\_residencia) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(jurisdiccion\_residencia)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(jurisdiccion\_residencia)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(jurisdiccion\_residencia)

orden\_dosis

desctabla <- data %>% group\_by(id\_persona) %>% filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>% group\_by(orden\_dosis) %>% summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis), mean\_dosis = mean(orden\_dosis), max\_dosis = max(orden\_dosis), poblacion = length(orden\_dosis), n\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>% mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>% arrange(orden\_dosis)

mas\_abs <- desctabla %>% filter(n\_dosis == max(n\_dosis)) %>% select(orden\_dosis)

mas\_rel <- desctabla %>% filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>% select(orden\_dosis)

Con group\_by\_at(vars(one\_of({{}}))), de esta forma la variable dinamica, la iterada, no la evalua en el group\_by como un valor texto sino como una variable dentro de la base del pipeline.

```{r ls\_t\_sumdosis\_loop}

# Armo una lista con agrupaciones por cantidad de aplicaciones por espacio temporal

ls\_t\_sumdosis = list()

sumdosis\_varlist <- names(aplicaciones\_diarias)[-c(1,2)]

for (unidad\_tiempo in sumdosis\_varlist){

ls\_t\_sumdosis[[unidad\_tiempo]] <- aplicaciones\_diarias %>%

group\_by\_at(vars(one\_of({{unidad\_tiempo}}))) %>%

select(dosis, {{unidad\_tiempo}}) %>%

summarise(suma\_dosis = sum(dosis)) %>%

mutate(part\_dosis = suma\_dosis / sum(suma\_dosis) \* 100) %>%

arrange({{unidad\_tiempo}})

}

ls\_t\_sumdosis[["anio"]]

```

```{r summary\_data\_levels\_factor, echo=TRUE, include=TRUE, eval=TRUE}

colnames(data)

#summary(data) # comento summary porque al no tratarse de una base muy numerica no me sirve de mucho este resumen.

varlist <- c("sexo","grupo\_etario","condicion\_aplicacion","vacuna", "nombre\_dosis\_generica", "orden\_dosis")

for (vardin in varlist){

var\_output <- data[[vardin]]

print(levels(factor(var\_output)))

#distinct(data, var\_output)

}

```

```{r vacunas\_orden\_dosis}

varlist <- c("vacuna", "orden\_dosis")

for (esta\_variable in varlist) {

desctabla <- data %>% group\_by(.data[[esta\_variable]]) %>% summarise(n = n()) %>% mutate(prop = n / sum(n)\*100)

print(desctabla)

}

```

```{r tratando que funcione, eval=FALSE, include=FALSE}

desclist <- list()

atexto <- list()

varlist <- c("sexo", "grupo\_etario", "condicion\_aplicacion", "jurisdiccion\_aplicacion", "vacuna")

# Realizar el procesamiento para cada variable (se llama variables dinamica a la iterada)

for (var in varlist) {

desctabla <- data %>%

group\_by(id\_persona) %>%

filter(fecha\_aplicacion == max(fecha\_aplicacion)) %>%

group\_by(.data[[var]]) %>%

summarise(min\_dosis = min(orden\_dosis),

mean\_dosis = mean(orden\_dosis),

max\_dosis = max(orden\_dosis),

poblacion = length(orden\_dosis),

total\_dosis = mean\_dosis \* poblacion) %>%

mutate(participacion = poblacion / sum(poblacion) \* 100) %>%

arrange(.data[[var]])

## Almacenar el resultado en la lista

desclist[[var]] <- desctabla

# Datos para reemplazar en el texto del Rmd

## fecha de corte

fecha\_i <- summarise(data, max(fecha\_aplicacion))

## mas\_abs: el grupo que en valor absoluto recibió más vacunas

mas\_abs <- desctabla %>%

filter(total\_dosis == max(total\_dosis)) %>%

select(.data[[var]])

## mas\_rel: el grupo que en promedio recibió más vacunas

mas\_rel <- desctabla %>%

filter(mean\_dosis == max(mean\_dosis)) %>%

select(.data[[var]])

atexto[[var]] <- c(fecha\_i, mas\_abs, mas\_rel)

}

# Acceder a las tablas de resultados descriptivos de cada variable

for (var in varlist) {

print(paste("Resultados para", var, ":"))

print(desclist[[var]])

}

rm(list = c("fecha\_i", "mas\_abs", "mas\_rel", "var", "varlist", "desctabla"))

```