Министерство образования Республики Беларусь

Учреждение образования

«Брестский Государственный технический университет»

Кафедра ИИТ

Отчет по лабораторной работе 2

Специальность ИИ-23

выполнил:
Тутина Е.Д.
Студент группы ИИ-23
Проверил:
Андренко К. В.
Преподаватель-стажёр
Кафедры ИИТ,
« » 2025

Цель: научиться применять автоэнкодеры для осуществления визуализации данных и их анализа.

Общее задание:

1. спользуя выборку по варианту, осуществить проецирование данных на плоскость первых двух и трех главных компонент с использованием нейросетевой модели автоэнкодера (с двумя и тремя нейронами в среднем слое);

- 2. Выполнить визуализацию полученных главных компонент с использованием средств библиотеки matplotlib, обозначая экземпляры разных классов с использованием разных цветовых маркеров;
- 3. Реализовать метод t-SNE для визуализации данных (использовать также 2 и 3 компонента), построить соответствующую визуализацию;
- 4. Применить к данным метод PCA (2 и 3 компонента), реализованный в ЛР №1, сделать выводы;
- 5. Оформить отчет по выполненной работе, загрузить исходный код и отчет в соответствующий репозиторий на github.

Вариант: 11

Выборка: Wisconsin Diagnostic Breast Cancer (WDBC)

Класс: 2-й признак

Код программы:

```
import os
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
from mpl toolkits.mplot3d import Axes3D
from sklearn.datasets import load breast cancer
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.decomposition import PCA
from sklearn.manifold import TSNE
from sklearn.impute import SimpleImputer
from sklearn.model_selection import train_test_split
import torch
import torch.nn as nn
from torch.utils.data import TensorDataset, DataLoader
import time
OUTDIR = "wdbc results"
```

```
os.makedirs(OUTDIR, exist ok=True)
RND = 42
device = torch.device("cuda" if torch.cuda.is available() else "cpu")
print("Device:", device)
data bunch = load breast cancer(as frame=True)
X df = data bunch.data.copy()
y = data_bunch.target.copy()
print("X shape:", X df.shape)
print("Classes:", np.unique(y), "counts:", np.bincount(y))
imputer = SimpleImputer(strategy='median')
X imputed = imputer.fit transform(X df)
scaler = StandardScaler()
X scaled = scaler.fit transform(X imputed)
feature names = X df.columns.tolist()
def plot 2d(scores, labels, title, fname):
    plt.figure(figsize=(6,5))
    classes = np.unique(labels)
   markers = ['o', '^']
    colors = ['tab:blue', 'tab:orange']
    for i, cls in enumerate(classes):
       mask = labels==cls
        plt.scatter(scores[mask, 0], scores[mask, 1],
                    label=data bunch.target names[cls], marker=markers[i%len(markers)], alpha=0.7)
    plt.xlabel('Comp 1'); plt.ylabel('Comp 2'); plt.title(title)
    plt.legend()
    plt.grid(True)
   plt.tight layout()
    plt.savefig(os.path.join(OUTDIR, fname), dpi=150)
    plt.show()
def plot 3d(scores, labels, title, fname):
    fig = plt.figure(figsize=(7,6))
    ax = fig.add subplot(111, projection='3d')
    classes = np.unique(labels)
    markers = ['o', '^']
    for i, cls in enumerate(classes):
```

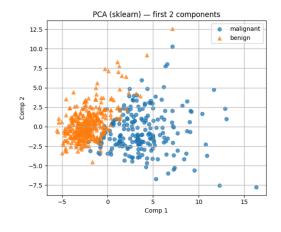
```
mask = labels==cls
       ax.scatter(scores[mask,0], scores[mask,1], scores[mask,2],
                   label=data bunch.target names[cls], marker=markers[i%len(markers)], alpha=0.7)
    ax.set_xlabel('Comp 1'); ax.set_ylabel('Comp 2'); ax.set_zlabel('Comp 3')
   ax.set_title(title)
   ax.legend()
   plt.tight layout()
   plt.savefig(os.path.join(OUTDIR, fname), dpi=150)
   plt.show()
pca_full = PCA(n_components=X_scaled.shape[1], random_state=RND)
scores pca full = pca full.fit transform(X scaled)
explained ratio = pca full.explained variance ratio
cum expl = np.cumsum(explained ratio)
print("Explained variance (first 5):", explained ratio[:5])
print("Cumulative (first 5):", cum expl[:5])
scores_pca_2 = scores_pca_full[:,:2]
scores pca 3 = scores pca full[:,:3]
plot 2d(scores pca 2, y.values, "PCA (sklearn) - first 2 components", "pca 2d.png")
plot 3d(scores pca 3, y.values, "PCA (sklearn) - first 3 components", "pca 3d.png")
cov = np.cov(X scaled, rowvar=False)
eig vals, eig vecs = np.linalg.eig(cov)
idx = np.argsort(eig vals)[::-1]
eig_vals_sorted = eig_vals[idx].real
eig vecs sorted = eig vecs[:, idx].real
explained manual = eig vals sorted / eig vals sorted.sum()
print("Manual PCA explained (first 5):", explained manual[:5])
scores manual 2 = (X scaled - X scaled.mean(axis=0)).dot(eig vecs sorted[:, :2])
plot_2d(scores_manual_2, y.values, "PCA Manual - first 2 comps", "pca_manual_2d.png")
class AutoencoderFC(nn.Module):
   def init (self, input dim, bottleneck dim):
       super().__init__()
       self.encoder = nn.Sequential(
           nn.Linear(input dim, 128),
           nn.ReLU(True),
           nn.Linear(128, 64),
```

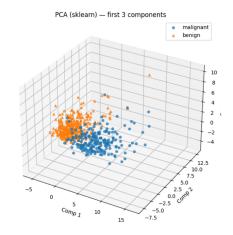
```
nn.ReLU(True),
           nn.Linear(64, bottleneck dim),
        self.decoder = nn.Sequential(
           nn.Linear(bottleneck_dim, 64),
           nn.ReLU(True),
           nn.Linear(64, 128),
           nn.ReLU(True),
           nn.Linear(128, input dim),
    def forward(self, x):
        z = self.encoder(x)
       xrec = self.decoder(z)
       return xrec, z
def train autoencoder(X, bottleneck dim, epochs=100, batch size=32, lr=1e-3):
    X_tensor = torch.tensor(X, dtype=torch.float32)
    ds = TensorDataset(X_tensor, X_tensor)
    loader = DataLoader(ds, batch size=batch size, shuffle=True)
   model = AutoencoderFC(X.shape[1], bottleneck_dim).to(device)
    opt = torch.optim.Adam(model.parameters(), lr=lr)
   loss fn = nn.MSELoss()
   history = []
    t0 = time.time()
    for ep in range(epochs):
       model.train()
       ep_loss = 0.0
        for xb, in loader:
           xb = xb.to(device)
           xr, _ = model(xb)
           loss = loss fn(xr, xb)
           opt.zero_grad()
           loss.backward()
           opt.step()
            ep loss += loss.item() * xb.size(0)
        ep_loss /= len(ds)
       history.append(ep loss)
        if (ep+1) % max(1, epochs//5) == 0:
           print(f"AE bottleneck={bottleneck_dim} Epoch {ep+1}/{epochs} loss={ep_loss:.6f}")
    t1 = time.time()
```

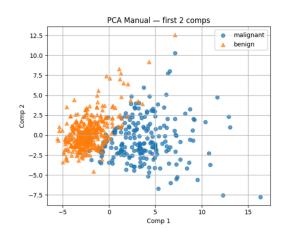
```
print("Training time (s):", t1-t0)
    return model, history
ae2, h2 = train_autoencoder(X_scaled, bottleneck_dim=2, epochs=200, batch_size=32, lr=1e-3)
ae3, h3 = train_autoencoder(X_scaled, bottleneck_dim=3, epochs=200, batch_size=32, lr=1e-3)
plt.figure()
plt.plot(h2, label='AE b=2')
plt.plot(h3, label='AE b=3')
plt.xlabel('Epoch'); plt.ylabel('MSE loss'); plt.legend(); plt.grid(True)
plt.tight_layout(); plt.savefig(os.path.join(OUTDIR, "ae_losses.png")); plt.show()
def get latent(model, X):
   model.eval()
   with torch.no_grad():
       X t = torch.tensor(X, dtype=torch.float32).to(device)
       _{-}, z = model(X_t)
       return z.cpu().numpy()
z2 = get_latent(ae2, X_scaled)
z3 = get latent(ae3, X scaled)
plot_2d(z2, y.values, "Autoencoder (bottleneck=2) - 2D", "ae_b2_2d.png")
plot 3d(z3, y.values, "Autoencoder (bottleneck=3) - 3D", "ae b3 3d.png")
def run_tsne(X, n_components=2, perplexity=30, init='pca', random_state=RND):
    ts = TSNE(n_components=n_components, perplexity=perplexity, init=init, random_state=random_state)
   start=time.time()
   X_emb = ts.fit_transform(X)
    print(f"t-SNE ({n_components}D, perplexity={perplexity}) took {time.time()-start:.1f}s")
    return X emb
tsne2_p30 = run_tsne(X_scaled, n_components=2, perplexity=30)
plot 2d(tsne2 p30, y.values, "t-SNE 2D (perp=30)", "tsne 2d p30.png")
tsne3_p30 = run_tsne(X_scaled, n_components=3, perplexity=30)
plot 3d(tsne3 p30, y.values, "t-SNE 3D (perp=30)", "tsne 3d p30.png")
tsne2_p50 = run_tsne(X_scaled, n_components=2, perplexity=50)
plot_2d(tsne2_p50, y.values, "t-SNE 2D (perp=50)", "tsne_2d_p50.png")
```

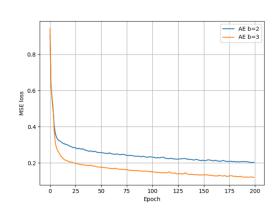
```
from sklearn.metrics import mean_squared_error
def reconstruction mse ae(model, X):
   model.eval()
   with torch.no_grad():
        X t = torch.tensor(X, dtype=torch.float32).to(device)
       xr, = model(X t)
       xr = xr.cpu().numpy()
    return mean squared error(X, xr)
mse_ae2 = reconstruction_mse_ae(ae2, X_scaled)
mse ae3 = reconstruction mse ae(ae3, X scaled)
def pca reconstruction mse(pca model, X, k):
    comp = pca model.components [:k]
   mean = pca model.mean
    scores = (X - mean).dot(comp.T)
   X rec = scores.dot(comp) + mean
    return mean_squared_error(X, X_rec)
mse_pca2 = pca_reconstruction_mse(pca_full, X_scaled, 2)
mse pca3 = pca reconstruction mse(pca full, X scaled, 3)
print("Reconstruction MSEs:")
print("AE b=2:", mse ae2)
print("AE b=3:", mse ae3)
print("PCA k=2:", mse_pca2)
print("PCA k=3:", mse pca3)
summary = {
    'explained_variance_ratio_first3': explained_ratio[:3].tolist(),
    'ae b2 recon mse': float(mse ae2),
    'ae_b3_recon_mse': float(mse_ae3),
    'pca_k2_mse': float(mse_pca2),
    'pca k3 mse': float(mse pca3)
import json
with open(os.path.join(OUTDIR, 'summary.json'), 'w') as f:
    json.dump(summary, f, indent=2)
print("Saved summary to", os.path.join(OUTDIR, 'summary.json'))
```

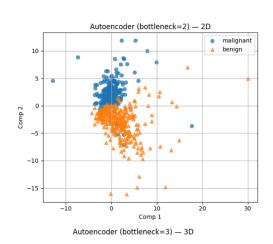
Результат работы программы:

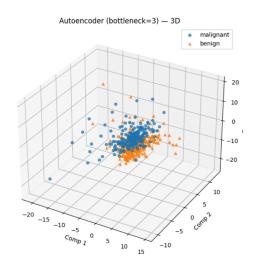


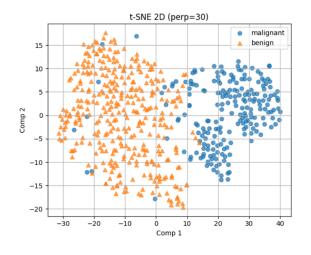


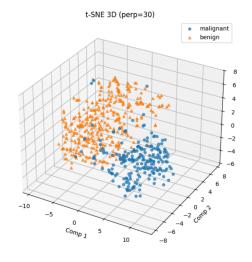


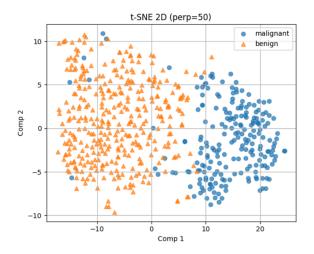












Reconstruction MSEs:

AE b=2: 0.20178481743804338

AE b=3: 0.11560294664539887

PCA k=2: 0.36756792348440565

PCA k=3: 0.273636290910091

У автоэнкодера MSE значительно меньше, чем у PCA как при 2, так и при 3 компонентах - это означает, что автоэнкодер лучше сохраняет информацию о данных при сжатии и восстановлении. При увеличении числа компонент с 2 до 3 ошибка восстановления уменьшается у обеих моделей, что логично — большее число признаков позволяет лучше аппроксимировать исходные данные.

Вывод: научилась применять автоэнкодеры для осуществления визуализации данных и их анализа.