## Metaheurísticas

## Seminario 2. Problemas de optimización con técnicas basadas en búsqueda local

- 1. Problema de la Máxima Diversidad (MDP)
  - Definición y Variantes del Problema
  - Ejemplo de Aplicación
  - Análisis del Problema
  - Solución Greedy
  - Búsquedas por Trayectorias Simples
  - Casos del problema
  - Agradecimientos
- 2. Problema del Agrupamiento con Restricciones (PAR)

#### Definición del Problema

■ El Problema de la Máxima Diversidad (*Maximum Diversity Problem*, MDP) es un problema de optimización combinatoria con una formulación sencilla pero una resolución compleja (**es NP-completo**)

■ El problema general consiste en seleccionar un subconjunto Sel de m elementos (|M|=m) de un conjunto inicial S de n elementos (obviamente, n > m) de forma que se **maximice** la diversidad entre los elementos escogidos

Además de los n elementos  $(e_i, i=1,...,n)$  y el número de elementos a seleccionar m, se dispone de una matriz  $D=(d_{ij})$  de dimensión  $n \times n$  que contiene las distancias entre ellos

#### Variantes del Problema

Existen distintos modelos (variantes) del problema que dependen de la forma en la que se calcula la diversidad:

- MaxSum (MDP): La diversidad se calcula como la suma de las distancias entre cada par de elementos seleccionados
- MaxMin (MMDP): La diversidad se calcula como la distancia mínima entre los pares de elementos seleccionados
- Max Mean Model: La diversidad se calcula como el promedio de las distancias entre los pares de elementos seleccionados
- Generalized Max Mean: Existen pesos asociados a los elementos empleados en el denominador al calcular el promedio de distancias (hay un orden de importancia de los elementos)

## Definición del Problema MaxSum (MDP)

Así, la definición matemática del problema MaxSum Diversity Problem (MDP), con el que trabajaremos en prácticas, es:

Maximizar 
$$z_{MS}(x) = \sum_{i=1}^{n-1} \sum_{j=i+1}^{n} d_{ij}x_ix_j$$
  
Sujeto a  $\sum_{i=1}^{n} x_i = m$   
 $x_i = \{0, 1\}, \quad i = 1, \dots, n.$ 

donde x es el vector binario solución al problema

- Las distancias entre pares de elementos se usan para formular el modelo como un problema de optimización binario cuadrático
- Esa formulación es poco eficiente. Se suele resolver como un problema equivalente de programación lineal entera

## Definición del Problema MaxMin (MMDP)

La definición matemática del problema MaxMin Diversity Problem es:

Maximizar 
$$z_{MM} = \min_{i < j} d_{ij} x_i x_j$$
 s.a. 
$$\sum_{i=1}^n x_i = m$$
  $x_i \in \{0, 1\}$ 

#### Definición del Problema Generalized Max Mean

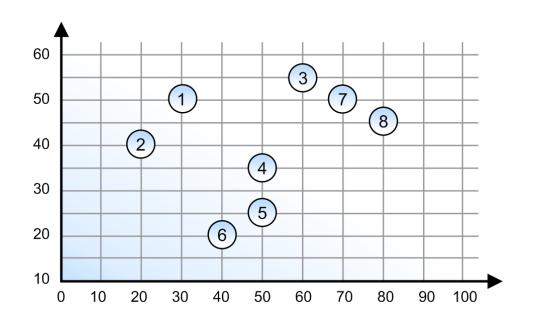
La definición matemática del problema Generalized Max Mean Diversity Problem es:

Maximizar 
$$\frac{\sum\limits_{i=1}^{n-1}\sum\limits_{j=i+1}^{n}d_{i\,j}x_{i}x_{j}}{\sum\limits_{i=1}^{n}w_{i}x_{i}}$$
 s.a. 
$$\sum\limits_{i=1}^{n}x_{i}=m$$
 
$$x_{i}\in\{0,1\}$$

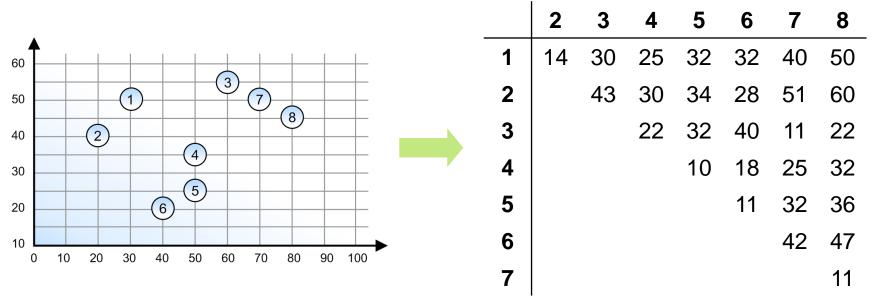
donde x es el vector binario solución al problema y w es un vector de pesos que indica la importancia de los elementos ( $w_i \in [0,1]$  y normalmente  $\sum_{i=1}^{n} w_i = 1$ )

■ En un centro médico, tenemos que crear un comité formado por m=4 empleados. Queremos diseñar el comité más diverso de entre los n=8 miembros de plantilla con respecto a su edad e ingresos:

	Edad años	Ingresos miles €/año
1	50	30
2	40	20
3	55	60
4	35	50
5	25	50
6	20	40
7	50	70
8	45	80



- La distancia entre los puntos del gráfico refleja la diferencia entre los empleados representados
- La matriz D contiene los valores de dichas distancias. En este ejemplo se ha empleado la distancia Euclídea aunque se pueden usar otras métricas



Matriz de distancias D

#### **EJEMPLO DEL MODELO MAXSUM (MDP)**

 La diversidad entre los elementos escogidos es la suma de las distancias existentes entre ellos:

	2	3	4	5	6	7	8	Empleados seleccionados:
1	14	30	25	32	32	40	50	$x = \{ 3, 4, 6, 8 \}$
2		43	30	34	28	51	60	
3			22	32	40	11	22	22 40 22 18 32 47
4				10	18	25	32	auma.
5					11	32	36	suma
6						42	47	
7							11	$z_{MS}(x) = 181$

La solución del modelo **MaxSum** consiste en encontrar el conjunto de 4 empleados con **la mayor suma de distancias** entre ellos

#### **EJEMPLO DEL MODELO MAXMIN (MMDP) (1/3)**

 La diversidad entre los elementos escogidos es el mínimo de las distancias existentes entre ellos:

	2	3	4	5	6	7	8	Sol 1: Empleados seleccionados:
1	14	30	25	32	32	40	50	$x = \{ 3, 4, 6, 8 \}$
2		43	30	34	28	51	60	
3			22	32	40	11	22	22 40 22 18 32 47
4				10	18	25	32	mínima
5					11	32	36	mínimo
6						42	47	
7							11	$Z_{MS}(X_1) = 18$

La solución del modelo **MaxMin** consiste en encontrar el conjunto de 4 empleados con **la mayor distancia mínima** entre ellos

#### **EJEMPLO DEL MODELO MAXMIN (MMDP) (2/3)**

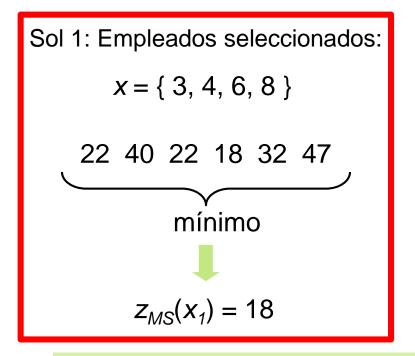
 La diversidad entre los elementos escogidos es el mínimo de las distancias existentes entre ellos:

	2	3	4	5	6	7	8	Sol 2: Empleados seleccionados:
1	14	30	25	32	32	40	50	$x = \{ 1, 3, 6, 7 \}$
2		43	30	34	28	51	60	
3			22	32	40	11	22	30 32 40 40 11 42
4				10	18	25	32	mínimo
5					11	32	36	
6						42	47	
7							11	$Z_{MS}(x_2) = 11$

La solución del modelo **MaxMin** consiste en encontrar el conjunto de 4 empleados con **la mayor distancia mínima** entre ellos

#### **EJEMPLO DEL MODELO MAXMIN (MMDP) (3/3)**

 La diversidad entre los elementos escogidos es el mínimo de las distancias existentes entre ellos:



Sol 2: Empleados seleccionados:

$$x = \{1, 3, 6, 7\}$$
30 32 40 40 11 42

mínimo

 $z_{MS}(x_2) = 11$ 

La solución del modelo **MaxMin** consiste en encontrar el conjunto de 4 empleados con **la mayor** distancia mínima entre ellos

#### Otras Aplicaciones

- Planificación de Mercado: Maximización del número y la diversidad en las fortalezas del perfil de una marca comercial.
  - Keely, A. (1989). From Experience—Maxi-niching the Way to a Strong Brand: Positioning According to System Dynamics, Journal of Product Innovation Management 6:3, 202-206
- Cultivo de plantas, preservación ecológica y gestión de recursos genéticos
- Diseño de productos
- Gestión de equipos de trabajo en empresas (workforces)
- Diseño de currícula
- Otras áreas: contabilidad y auditoría, experimentación química, diseño experimental, investigación médica, exploración geológica, selección de portafolios, ingeniería estructural, ...

Kuo, C.C., Glover, F., Dhir, K.S. (1993). Analyzing and modeling the maximum diversity problem by zero-one programming, Decision Sciences 24:6, 1171–1185

#### Análisis del Problema

#### **CORRELACIÓN ENTRE LOS DISTINTOS MODELOS**

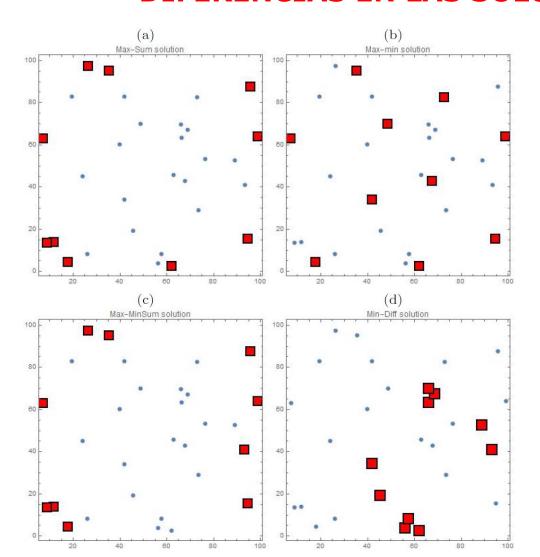
- Aunque los modelos están relacionados, no se puede esperar que un método de resolución diseñado para uno concreto funcione bien en el resto
- El grupo de investigación del Prof. Rafael Martí realizó un experimento con 30 casos aleatorios con tamaños n=20 y m=5. Calcularon la correlación entre las soluciones óptimas para cuatro modelos:

Optsicom Research Group	Max-Sum	Max-Min	Max-MinSum	Min-Diff
Max-Sum	1	0.60*	0.96*	-0.17
Max-Min	0.60*	1	$0.73^{*}$	-0.63*
Max-MinSum	$0.96^{*}$	0.73	1	-0.44
Min-Diff	-0.17	-0.63*	-0.44	1

<sup>\*</sup> diferencias significativas de acuerdo a un test estadístico

#### Análisis del Problema

#### **DIFERENCIAS EN LAS SOLUCIONES ÓPTIMAS**



 No se trata únicamente de diferencias en los valores de las funciones objetivo sino en la propia composición de las soluciones

Glover, Kuo, Dhir. Heuristic algorithms for the maximum diversity problem. Journal of Information and Optimization Sciences 19:1 (1998) 109–132

- La complejidad del problema ha provocado que se hayan aplicado muchos algoritmos aproximados para su resolución
- Podemos determinar que una buena fórmula heurística para resolver el problema es:

Añadir secuencialmente el elemento no seleccionado que más diversidad aporte con respecto a los ya seleccionados

El algoritmo Greedy de Glover hace uso del concepto de elemento más central de un conjunto X:

$$s\_central(X) = \frac{\sum_{s_i \in X} s_i}{|X|}$$

- El primer elemento seleccionado es el de mayor distancia del elemento más central
- Cada vez que se añade un nuevo elemento al conjunto de seleccionados Sel, se actualiza el elemento más central
- El proceso itera hasta seleccionar los m elementos deseados

#### **ALGORITMO GREEDY MDP DE GLOVER 1998:**

1. 
$$Sel = \emptyset$$

2. Compute  $s_c = s\_center(S)$ 

Centroide del conjunto INICIAL de elementos S

**while** (|Sel| < m)

3. Let 
$$i^* / d(s_{i^*}, s_c) = \max_{s_i \in S} \{ d(s_i, s_c) \}$$

4. 
$$Sel = Sel \cup \{s_{i^*}\}$$

5. 
$$S = S - \{s_{i^*}\}$$

6. 
$$s_c = s\_center(Sel)$$

end while

Centroide del conjunto ACTUAL de elementos seleccionados *Sel* 

- Como en nuestros casos del problema no dispondremos de los valores concretos de los elementos sino sólo de las distancias entre ellos, no podemos calcular los centroides de los conjuntos
- Por ello, modificaremos levemente el algoritmo:
  - *1. Sel*=∅
  - 2. Calcular la distancia acumulada de cada elemento al resto:  $DistAc(s_i) = \sum_{s_j \in S} d(s_i, s_j)$ , incluir el elemento  $s_{i*}$  que la maximice en Sel:  $Sel = Sel \cup \{s_{i*}\}$  y eliminarlo de S:  $S = S \{s_{i*}\}$

#### **while** (|*Sel*|<*m*)

- 3. Calcular las distancias de los elementos no seleccionados,  $s_i \in S$ , al conjunto de elementos seleccionados  $Sel: Dist(s_i, Sel) = \min_{s_i \in Sel} d(s_i, s_j)$
- 4. Incluir el elemento  $s_{i*}$  que la maximice en Sel:  $Sel = Sel \cup \{s_{i*}\}$
- 5. Eliminar el elemento  $s_{i*}$  seleccionado de  $S: S = S \{s_{i*}\}$

## Búsquedas por Trayectorias Simples: Búsqueda Local del Mejor

Representación: Problema de selección: un conjunto Sel={s<sub>1</sub>, ..., s<sub>m</sub>} que almacena los m elementos seleccionados de entre los n elementos del conjunto S

Para ser una solución candidata válida, tiene que satisfacer las restricciones (ser un conjunto de tamaño m):

- No puede tener elementos repetidos
- Ha de contener exactamente m elementos
- El orden de los elementos no es relevante

## Búsquedas por Trayectorias Simples: Búsqueda Local del Mejor

 Operador de vecino de intercambio y su entorno: El entorno de una solución Sel está formado por las soluciones accesibles desde ella a través de un movimiento de intercambio

Dada una solución (conjunto de elementos seleccionados) se escoge un elemento y se intercambia por otro que no estuviera seleccionado (Int(Sel,i,j)):

$$Sel = \{s_1, ..., i, ..., s_m\} \Rightarrow Sel' = \{s_1, ..., j, ..., s_m\}$$

Int(Sel,i,j) verifica las restricciones: si la solución original Sel es factible y el elemento j se escoge de los no seleccionados en Sel, es decir, del conjunto S-Sel, siempre genera una solución vecina Sel' factible

## Búsquedas por Trayectorias Simples: Búsqueda Local del Mejor

Su aplicación provoca que el tamaño del entorno sea:

$$|E(Sel)| = m \cdot (n-m)$$

- La BL del Mejor del MDP explora todo el vecindario, las soluciones resultantes de los  $m \cdot (n-m)$  intercambios posibles, escoge el mejor vecino y se mueve a él siempre que se produzca mejora
- Si no la hay, detiene la ejecución y devuelve la solución actual
- El método funciona bien pero es muy lento incluso para casos no demasiado grandes (n=500) y usando un cálculo factorizado del coste  $z_{MS}(Sel)$  para acelerar la ejecución (O(n))
- Es recomendable utilizar una estrategia avanzada más eficiente

## Búsqueda Local del Primer Mejor para el MDP

Duarte, Martí, Tabu search and GRASP for the maximum diversity problem, European Journal of Operational Research 178 (2007) 71–84

- Algoritmo de búsqueda local del primer mejor: en cuanto se genera una solución vecina que mejora a la actual, se aplica el movimiento y se pasa a la siguiente iteración
  - Se detiene la búsqueda cuando se ha explorado el vecindario completo sin obtener mejora (o tras un número fijo de evaluaciones)
- Se explora el vecindario de forma inteligente:
  - Se calcula la contribución de cada elemento seleccionado al coste de la solución actual (valor de la función objetivo  $z_{MS}(Sel)$ )
  - Se aplican primero los intercambios de elementos que menos contribuyen
- Se considera una factorización para calcular el coste de Sel' a partir del de Sel considerando sólo el cambio realizado en la función objetivo por el movimiento aplicado. Además, se "factoriza" también el cálculo de la contribución

23

# BL-MDP: Exploración Inteligente del Vecindario

- Técnica que permite focalizar la BL en una zona del espacio de búsqueda en la que potencialmente puede ocurrir algo
- Reduce significativamente el tiempo de ejecución con una reducción muy pequeña de la eficacia de la BL del Mejor (incluso puede mejorarla en algunos problemas)
- Se basa en definir un orden de aplicación de los intercambios (exploración de los vecinos) en una BL del primer mejor
- En cada iteración, se define un valor  $d_i$  para cada elemento seleccionado  $s_i$  de la solución actual que mide la **contribución** del elemento a su coste  $z_{MS}(Sel)$ :

$$d_i = \sum_{s_j \in Sel} d_{ij} = d(s_i, Sel)$$

# BL-MDP: Exploración Inteligente del Vecindario

- En lugar de calcular el valor del movimiento Int(Sel,i,j) para todos los intercambios posibles, se escoge el elemento  $s_{i*}$  de Sel que presenta el menor aporte (es decir, el valor mínimo  $d_{i*}$ )
- Tras escoger el elemento a extraer, se prueban sucesivamente los intercambios por los elementos no seleccionados:
  - Si se encuentra un movimiento de mejora, se aplica. Si no, se pasa al siguiente elemento con menor aporte y se repite el proceso
  - Si ningún movimiento del vecindario provoca mejora, se finaliza la ejecución y se devuelve la solución actual

# BL-MDP: Factorización del Movimiento de Intercambio

• Sea  $z_{MM}(Sel)$  el coste de la solución original Sel:

$$z_{MM}(Sel) = \sum_{s_i, s_j \in Sel} d_{ij}$$

Para generar Sel', el operador de vecino Int(Sel,i,j) escoge un elemento seleccionado i y lo cambia por uno no seleccionado j:

$$Sel = \{s_1, ..., i, ..., s_m\} \Rightarrow Sel' \leftarrow Sel - \{i\} + \{j\} \Rightarrow Sel' = \{s_1, ..., j, ..., s_m\}$$

- No es necesario recalcular todas las distancias de la función objetivo:
  - Al añadir un elemento, las distancias entre los que ya estaban en la solución se mantienen y basta con sumar la distancia del nuevo elemento al resto de elementos seleccionados
  - Al eliminar un elemento, las distancias entre elementos que se quedan en la solución se mantienen y basta con restar la distancia del elemento eliminado al resto de elementos en la solución
- Por tanto, quedan afectados  $2 \cdot (m-1)$  sumandos de la función objetivo, las m-1 distancias del elemento que **se elimina** y las m-1 del que **se añade**

# BL-MDP: Factorización del Movimiento de Intercambio

■ El coste del movimiento (la diferencia de costes entre las dos soluciones)  $\Delta z_{MM}(Sel,i,j) = z_{MM}(Sel') - z_{MM}(Sel)$  se puede factorizar:

$$\Delta z_{MM}(Sel,i,j) = \sum_{s_k \in Sel-\{s_i\}} d_{kj} - d_{ki}$$
 eliminada

- Si  $\Delta z_{MM}(Sel,i,j)$  es positivo ( $\Delta z_{MM}(Sel,i,j)>0$ ), la solución vecina Sel' es mejor que la actual Sel (el MDP es un problema de maximización) y se acepta. Si no, se descarta y se genera otro vecino
- Podemos combinar fácilmente la factorización del coste con el cálculo de la contribución de los elementos para mejorar aún más la eficiencia:
  - Las distancias del elemento eliminado equivalen directamente a la contribución de dicho elemento,  $d_i = \sum_{s_k \in Sel-\{s_i\}} d_{ki}$
  - El cálculo de las aportaciones de los elementos actualmente seleccionados también se puede factorizar. No es necesario recalcularlo completamente, basta con restar la distancia del elemento eliminado y sumar la del añadido:  $d_k = d_k + d_{kj} d_{ki}$

## BL-MDP: Factorización del Movimiento de Intercambio

■ El coste  $z_{MM}(Sel')$  de la nueva solución vecina es:

$$z_{MM}(Sel') = z_{MM}(Sel) + \Delta z_{MM}(Sel,i,j)$$

- Sólo es necesario calcularlo al final de la ejecución. Durante todo el proceso, basta con trabajar con el coste del movimiento
- El pseudocódigo de la BL del Primer Mejor del Tema 2 de Teoría quedaría:

#### Repetir

```
Sel' \leftarrow GENERA\_VECINO(Sel);
Hasta (\Delta z_{MM}(Sel,i,j) > 0) O (se ha generado E(Sel) al completo)
```

#### Casos del Problema

- Existen distintos grupos de casos del problema para los que se conoce la solución óptima que permiten validar el funcionamiento de los algoritmos de resolución
- Para el MDP, disponemos de cuatro grandes grupos de casos:
  - Casos GKD (Glover, Kuo and Dhir, 1998): Entre otras, 20 matrices  $n \times n$  con distancias Euclideas calculadas a partir de puntos con r coordenadas ( $r \in \{2, ..., 21$ ) aleatorias en [0,10]. n = 500 elementos y m = 50
  - Casos SOM (Silva, Ochi y Martins, 2004): Entre otras, 20 matrices  $n \times n$  con distancias enteras aleatorias en  $\{0,999\}$  con  $n \in \{100, ..., 500\}$  elementos y  $m \in \{0.1 \cdot n, ..., 0.4 \cdot n\}$ . P.ej. para n = 100 hay 4 casos con m = 10, 20, 30, 40
  - Casos MDG Tipo I (Duarte y Martí, 2007): Entre otras, 20 matrices  $n \times n$  con distancias reales aleatorias en [0,10], n=500 y m=50. 20 con distancias enteras aleatorias en  $\{0,10\}$ , n=2000 y m=200
  - Casos MDG Tipo II (Duarte y Martí, 2007): 60 matrices  $n \times n$  con distancias reales aleatorias en [0,1000]. 20 con n=500 y m=50; 20 con n=2000 y m=200; y 20 con n=3000 y m={300,400,500,600}

#### Casos del Problema

Los casos están recopilados en la biblioteca MDPLib, accesible en la Web en la dirección siguiente:

http://www.optsicom.es/mdp/

- En dicha dirección pueden encontrarse tanto los datos como los valores de las mejores soluciones encontradas para 315 casos del problema
- Además, están disponibles los resultados de un ejemplo de una experimentación comparativa de distintos algoritmos con 10 minutos de tiempo de ejecución por caso

#### La Biblioteca MDPLIB

El formato de los ficheros de datos es un fichero de texto con la siguiente estructura:

> n m D

donde n es el número de elementos, m es el número de elementos seleccionados y D es la matriz de distancias entre elementos que está precalculada

Al ser D una matriz simétrica, sólo se almacena la diagonal superior. El fichero contendrá n·(n-1)/2 entradas, una por línea, con el siguiente formato:

$$i j d_{ij}$$

donde  $i, j \in \{0, ..., n-1\}$  son respectivamente la fila y la columna de la matriz D, mientras que  $d_{ij}$  es el valor de la distancia existente entre los elementos i+1 y j+1

#### La Biblioteca MDPLIB

#### **EJEMPLO: FICHERO DEL CASO GKD-c\_1\_n500\_m50:**

```
500 50
0 1 11.17945
0 2 12.18565
0 3 15.82056
0 4 7.17287
0 5 12.63171
0 6 10.45706
0 7 12.37497
0 8 12.13219
0 9 13.07364
0 10 10.54751
0 11 9.96995
0 12 12.55428
0 13 12.86351
0 14 7.08237
496 497 14.48240
496 498 11.37189
496 499 13.94453
497 498 15.47191
497 499 17.05433
498 499 10.37931
```

### Agradecimientos

- Para la preparación de las transparencias de presentación del problema MDPLIB se han usado materiales de los profesores:
  - Rafael Martí. Universidad de Valencia
  - Abraham Duarte. Universidad Rey Juan Carlos
  - Jesús Sánchez-Oro. Universidad Rey Juan Carlos
- Su grupo de investigación ha realizado muchas publicaciones sobre el problema y mantiene la biblioteca MDPLIB:
  - Tabu Search for the Maximum Diversity Problem, Abraham Duarte and Rafael Martí, European Journal of Operational Research 178, 71-84 (2007)
  - Hybrid heuristics for the Maximum Diversity Problem, M. Gallego, A. Duarte, M. Laguna and R. Martí, Computational Optimization and App. 44(3), 411-426 (2009)
  - A Branch and Bound algorithm for the Maximum Diversity Problem, Martí, Gallego and Duarte, European Journal of Operational Research 200(1), 36-44 (2010)
  - Heuristics and Metaheuristics for the Maximum Diversity Problem, Rafael Martí, Micael Gallego and Abraham Duarte, Journal of Heuristics, 19, 591-615 (2013)

## Metaheurísticas

## Seminario 2. Problemas de optimización con técnicas basadas en búsqueda local

- 1. Problema de la Máxima Diversidad (MDP)
- 2. Problema del Agrupamiento con Restricciones (PAR)
  - Agrupamiento Clásico
  - Agrupamiento con Restricciones: Definición y Variantes del Problema
  - Análisis del Problema
  - Solución Greedy
    - Ejemplo de Aplicación
  - Búsquedas por Trayectorias Simples
    - Ejemplo de Aplicación
  - Casos del problema
  - Agradecimientos

## El Problema del Agrupamiento

- El agrupamiento o análisis de clusters o clustering en inglés, persigue la clasificación de objetos de acuerdo a posibles similitudes entre ellos.
- Así, el agrupamiento es una técnica de aprendizaje no supervisado que permite descubrir grupos (inicialmente desconocidos) en un conjunto de datos o agrupar objetos similares entre sí
- Conjuntos grandes de datos se agrupan en clusters de subconjuntos de datos similares
- El hecho de que no exista una clasificación a priori de los datos marca el carácter de las técnicas de agrupamiento como herramientas de exploración de los datos para extracción de conocimiento

35

## El Problema del Agrupamiento

 El agrupamiento provoca una reducción de la dimensionalidad del problema. Se busca un espacio de menor dimensión que el original que preserve la estructura de las observaciones

Después del agrupamiento: •••• •••

- Su principal aplicación es la clasificación en entornos en los que las clases son desconocidas a priori
- Existen otras muchas aplicaciones, tales como la clasificación en entornos con clases cambiantes o la reducción de la complejidad de una muestra inicial de ejemplos

## El Problema del Agrupamiento

- Son ejemplos típicos de análisis de clusters en Informática e Ingeniería los caracteres escritos a mano, las muestras de diálogo, las huellas dactilares y las imágenes
- En Ciencias de la Vida los objetos de análisis son plantas, animales e insectos. El agrupamiento se puede aplicar desde a la creación de taxonomías completas hasta la clasificación de especies en subespecies
- En Biología, Química y Farmacología está muy extendido el uso de agrupamiento para moléculas, proteínas, genes, etc.
- También se aplica en Ciencias de la Información, Empresariales y Políticas: documentos, votos, análisis de mercados, segmentación de clientes, programas de ventas, etc.

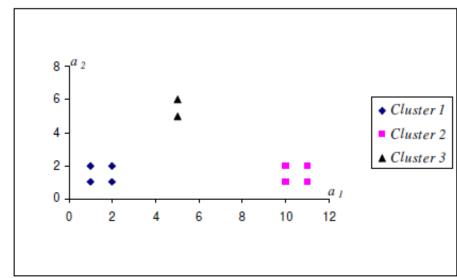
## ¿Qué es un Cluster?

- Cada grupo de objetos similares entre sí obtenidos tras el proceso se denomina cluster. Al conjunto de clusters resultante se le denomina configuración de clusters
- El termino similitud se suele entender en su sentido matemático, es decir, definido mediante una distancia, habitualmente la Euclídea
- De este modo, cada cluster se caracteriza por un centroide, centro geométrico del cluster en el espacio d-dimensional de características de los objetos
- Cada objeto pertenece a un único cluster y su distancia Euclídea al centroide de éste es siempre menor que a los restantes

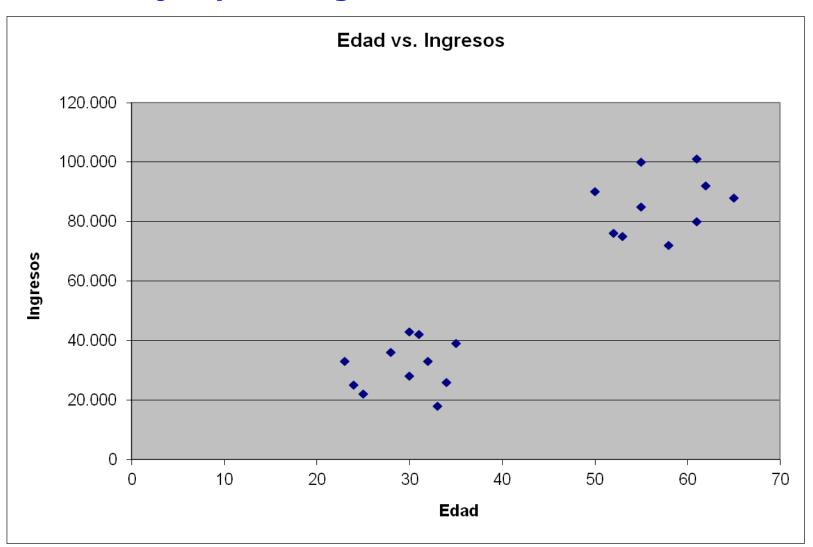
#### Ejemplo gráfico de una configuración de clusters

TABLE I. PEDAGOGICAL DATA SET.

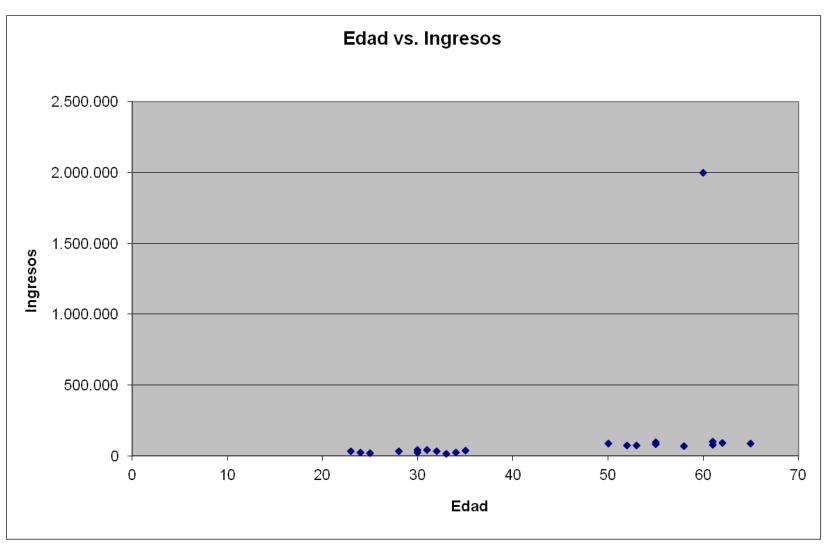
THEELT PERIODOLOGICAL BATTATOETT			
Object (xi)	$a_1$	$a_2$	Cluster - C <sub>j</sub>
$\mathbf{x}_1$	1	1	Cluster 1 (C <sub>1</sub> )
<b>X</b> 2	1	2	Cluster 1 (C <sub>1</sub> )
<b>X</b> 3	2	1	Cluster 1 (C <sub>1</sub> )
<b>X</b> 4	2	2	Cluster 1 (C <sub>1</sub> )
<b>X</b> 5	10	1	Cluster 2 (C <sub>2</sub> )
<b>X</b> <sub>6</sub>	10	2	Cluster 2 (C <sub>2</sub> )
<b>X</b> 7	11	1	Cluster 2 (C <sub>2</sub> )
X <sub>8</sub>	11	2	Cluster 2 (C <sub>2</sub> )
<b>X</b> 9	5	5	Cluster 3 (C <sub>3</sub> )
X <sub>10</sub>	5	6	Cluster 3 (C <sub>3</sub> )
			•



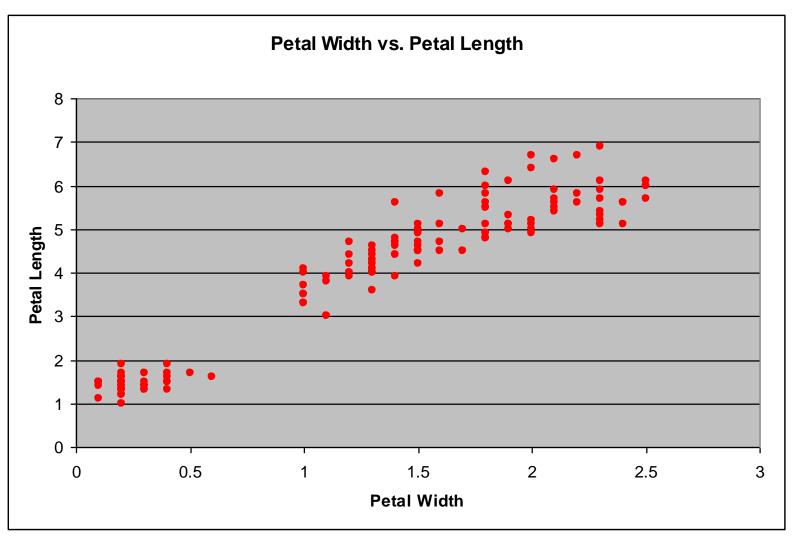
#### **Ejemplos: Segmentación de clientes**



#### **Ejemplos: Detección de outliers**



#### **Ejemplos: Clasificación (Iris)**



# Agrupamiento con Restricciones: Definición del Problema

El Problema del Agrupamiento con Restricciones (PAR) (en inglés Constrained Clustering, CC) consiste en una generalización del problema del agrupamiento clásico. Permite incorporar al proceso de agrupamiento un nuevo tipo de información: las restricciones

 Al incorporar esta información la tarea de aprendizaje deja de ser no supervisada y se convierte en semi-supervisada

El problema consiste en, dado un conjunto de datos X con n instancias, encontrar una partición C del mismo que minimice la desviación general y cumpla con las restricciones del conjunto de restricciones R

# Agrupamiento con Restricciones: Definición del Problema

Se puede formular en términos de optimización combinatoria.
 Dicha formulación es sencilla pero de compleja resolución (es NP-completo)

- Entre algunos ejemplos de aplicación del PAR encontramos:
  - robótica aplicada,
  - márketing aplicado,
  - detección de comunidades terroristas,
  - diseño de distritos electorales,
  - análisis de la apnea obstructiva del sueño, y
  - detección de carriles de vehículos en aplicaciones GPS, entre otras

#### Variantes del Problema

Existen variantes del problema que dependen del tipo de restricciones:

- Restricciones de distancia: Las instancias separadas por una distancia mayor a una dada deben pertenecer a diferentes clusters. Las instancias separadas por una distancia menor que una dada deben pertenecer al mismo cluster
- Restricciones de instancia: Dada una pareja de instancias, se establece una restricción de tipo Must-Link (ML), si deben pertenecer al mismo cluster, o de tipo Cannot-Link (CL), si no pueden pertenecer al mismo cluster

#### Variantes del Problema

Existen variantes del problema que dependen del modo en que se interpretan las restricciones:

- Restricciones Fuertes (Hard): Todas las restricciones deben satisfacerse en la partición C del conjunto de datos X. Se dice que una partición es factible si y solo si cumple con todas las restricciones en R
- Restricciones Débiles (Soft): La partición C del conjunto de datos X debe minimizar el número de restricciones incumplidas pero puede incumplir algunas

■ El conjunto de datos es una matriz X de  $n \times d$  valores reales. El conjunto de datos esta formado por n instancias en un espacio de d dimensiones notadas como:

$$\overrightarrow{x_i} = \{x_{[i,1]}, \cdots, x_{[i,d]}\} | x_{[i,j]} \in \mathbb{R} \forall j \in \{1, \cdots, d\}$$

• Una partición C consiste en un conjunto de k clusters  $C = \{c_1, ..., c_k\}$  que asignan una etiqueta a cada instancia de X. Cada instancia debe pertenecer a un y solo a un cluster

• Un cluster  $c_i$  consiste en un subconjunto de instancias de X. Notamos el número de elementos de  $c_i$  como  $|c_i|$ . Cada cluster  $c_i$  tiene asociada una etiqueta (nombre de cluster)  $l_i$ 

Para cada cluster  $c_i$  se puede calcular su **centroide** asociado  $\overrightarrow{\mu_i}$  como el vector promedio de las instancias de X que lo componen:

$$\overrightarrow{\mu_i} = \frac{1}{|c_i|} \sum_{\overrightarrow{x_j} \in c_i} \overrightarrow{x_j}$$

■ Definimos la **distancia media intra-cluster**  $\overline{c_i}$  como la media de las distancias de las instancias que lo conforman a su centroide:

$$\overline{c_i} = \frac{1}{|c_i|} \sum_{\overrightarrow{x_i} \in c_i} \|\overrightarrow{x_j} - \overrightarrow{\mu_i}\|_2$$

■ Definimos la **desviación general de la partición**  $C = \{c_1, ..., c_k\}$  como la media de las desviaciones intra-cluster  $\overline{C}$ :

$$\overline{C} = \frac{1}{k} \sum_{c_i \in C} \overline{c_i}$$

- Para que una partición  $C = \{c_1, ..., c_k\}$  del conjunto de datos X sea válida debe cumplir que (restricciones fuertes):
  - Todos los clusters deben contener al menos una instancia:

$$c_i \neq \emptyset \forall i \in \{1, \dots, k\} \leftrightarrow |c_i| > 0 \forall i \in \{1, \dots, k\}$$

Cada instancia debe pertenecer a un solo cluster:

$$c_i \cap c_j = \emptyset \forall i, j \in \{1, \cdots, k\} | i \neq j$$

La unión de los clusters debe ser el conjunto de datos X:

$$\bigcup_{c_i \in C} c_i = X$$

Consideramos el conjunto de datos X formado por 8 instancias en dos dimensiones (n = 8, d = 2).

Consideramos la partición C que produce los clusters  $c_1$  y  $c_2$  asignando etiquetas a las instancias de X.

$$C = \{\underbrace{\overset{x_0}{1},\overset{x_1}{1},\overset{x_2}{1},\overset{x_3}{2},\overset{x_4}{2},\overset{x_5}{2},\overset{x_6}{2},\overset{x_7}{2}}\}$$

$$c_1 = \{\overrightarrow{x_0},\overrightarrow{x_1},\overset{\overrightarrow{x_2}}{x_2},\overset{\overrightarrow{x_3}}{x_3}\} \qquad c_2 = \{\overrightarrow{x_4},\overset{\overrightarrow{x_5}}{x_5},\overset{\overrightarrow{x_6}}{x_6},\overset{\overrightarrow{x_7}}{x_7}\}$$

Consideramos la partición C que produce los clusters  $c_1$  y  $c_2$  asignando etiquetas a las instancias de X (azul y rojo):

$$c_{1} = \{\overrightarrow{x_{0}}, \overrightarrow{x_{1}}, \overrightarrow{x_{2}}, \overrightarrow{x_{3}}\}$$

$$c_{2} = \{\overrightarrow{x_{4}}, \overrightarrow{x_{5}}, \overrightarrow{x_{6}}, \overrightarrow{x_{7}}\}$$

$$c_{3}$$

$$x_{1}$$

$$x_{2}$$

$$x_{2}$$

$$x_{3}$$

$$x_{4}$$

$$x_{5}$$

$$x_{5}$$

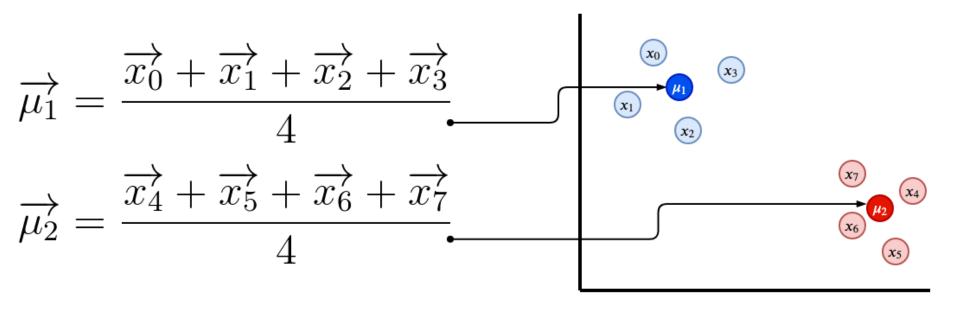
$$x_{6}$$

$$x_{7}$$

$$x_{8}$$

$$x_{8}$$

De esta forma los centroides  $\overrightarrow{\mu_1}$  y  $\overrightarrow{\mu_2}$  se calculan como:



Las distancias medias intra-cluster  $\overline{c_1}$  y  $\overline{c_2}$  se calculan como:

$$\overline{c_1} = \frac{\|\overrightarrow{x_0} - \overrightarrow{\mu_1}\|_2 + \|\overrightarrow{x_1} - \overrightarrow{\mu_1}\|_2 + \|\overrightarrow{x_2} - \overrightarrow{\mu_1}\|_2 + \|\overrightarrow{x_3} - \overrightarrow{\mu_1}\|_2}{4}$$

$$\overline{c_2} = \frac{\|\overrightarrow{x_4} - \overrightarrow{\mu_2}\|_2 + \|\overrightarrow{x_5} - \overrightarrow{\mu_2}\|_2 + \|\overrightarrow{x_6} - \overrightarrow{\mu_2}\|_2 + \|\overrightarrow{x_7} - \overrightarrow{\mu_2}\|_2}{4}$$

Y la desviación general  $\bar{c}$  se calcula como:

$$\overline{C} = \frac{\overline{c_1} + \overline{c_2}}{2}$$

 Durante el desarrollo de la práctica trabajaremos con las restricciones a nivel de instancias Must-Link (ML) y Cannot-Link (CL):

$$R = ML \cup CL$$

- Podemos formalizar las restricciones como sigue:
  - Restricciones Must-Link  $ML(\overrightarrow{x_i}, \overrightarrow{x_j})$ : las instancias  $\overrightarrow{x_i}$  y  $\overrightarrow{x_j}$  deben ser asignadas al mismo cluster
  - Restricciones Cannot-Link  $CL(\overrightarrow{x_i}, \overrightarrow{x_j})$ : las instancias  $\overrightarrow{x_i}$  y  $\overrightarrow{x_j}$  no pueden ser asignadas al mismo cluster

- Notamos el número de restricciones ML con |ML| y el de restricciones CL con |CL|, de forma que el número total de restricciones |R| = |ML| + |CL|
- Notamos la i-ésima restricción ML como  $ML_i$ . Notamos la i-ésima restricción CL como  $CL_i$
- Notamos la primera instancia implicada en  $ML_i$  como  $\overline{ML_{[i,1]}}$  y la segunda como  $\overline{ML_{[i,2]}}$ . Notamos la primera instancia implicada en  $CL_i$  como  $\overline{CL_{[i,1]}}$  y la segunda como  $\overline{CL_{[i,2]}}$ .
- Definimos  $h_{\mathcal{C}}(\cdot)$  como la función que dada una instancia  $\overrightarrow{x_i}$  devuelve la etiqueta  $l_j$  asociada al cluster  $c_j$  al que  $\overrightarrow{x_i}$  pertenece según la partición  $\mathcal{C}$

Dada una partición C y los conjuntos de restricciones ML y CL, definimos infeasibility ("grado de infactibilidad") como el número de restricciones que C incumple:

$$infeasibility = \sum_{i=0}^{|ML|} \mathbb{1}(h_C(\overrightarrow{ML_{[i,1]}}) \neq h_C(\overrightarrow{ML_{[i,2]}})) + \sum_{i=0}^{|CL|} \mathbb{1}(h_C(\overrightarrow{CL_{[i,1]}}) = h_C(\overrightarrow{CL_{[i,2]}}))$$

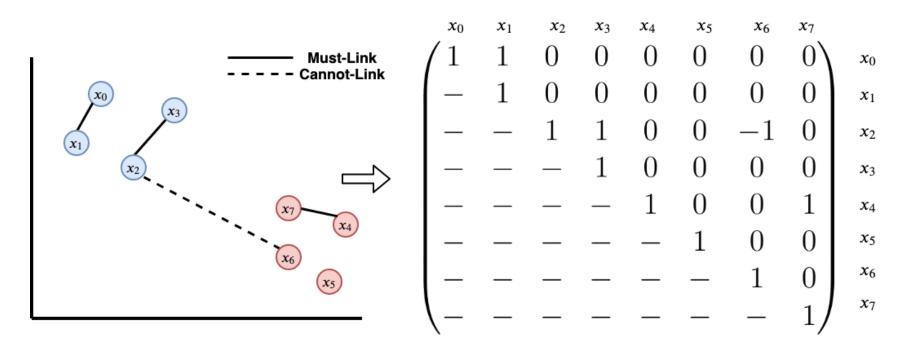
donde 1 es la función indicadora, que devuelve 1 en caso de ser cierta la expresión Booleana que toma como argumento y 0 en otro caso

■ Las restricciones pueden venir dadas en forma de lista de |R| entradas (LR) o de matriz de  $n^2$  entradas (MR)

 En formato lista las restricciones consiste en tripletas en las que las dos primeras posiciones contienen los identificadores de las instancias implicadas y el tercero contiene el tipo de restricción

 En formato matriz las restricciones consisten en valores dentro de la matriz que indican el tipo de restricción que existe entre las instancias asociadas a los índices que identifican el valor

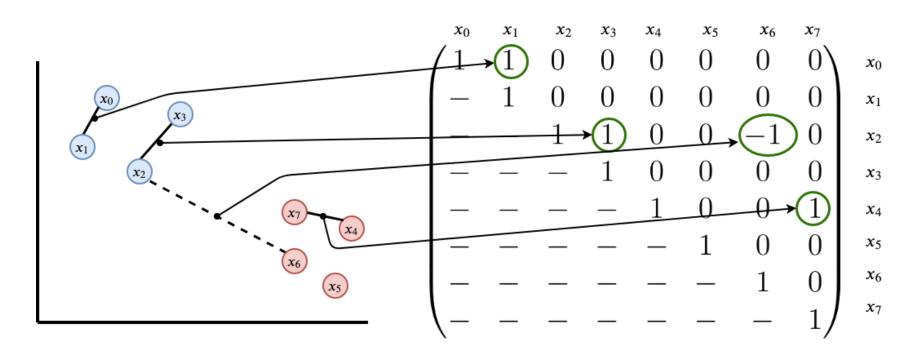
Las restricciones vienen dadas en forma de una matriz MR de  $n^2$  entradas. Utilizamos un 1 para indicar restricción de tipo ML, un -1 para indicar CL y 0 para indicar que no hay restricción. La matriz es siempre **simétrica** y su diagonal contiene 1s:



iOJO! Hay que trabajar con la matriz completa de dimensión  $n^2$ 

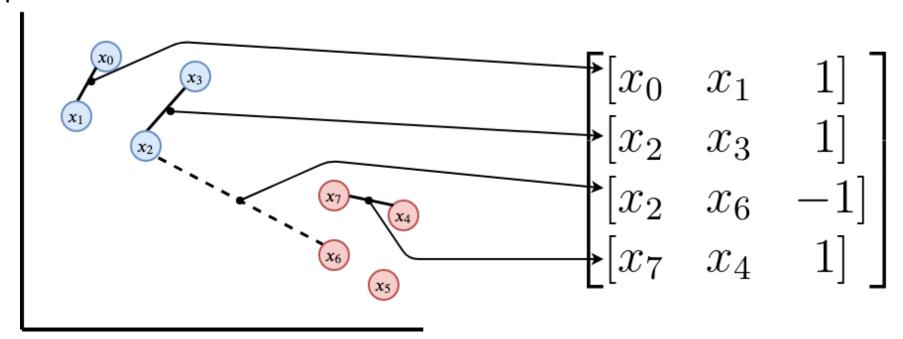
#### Definición del Problema: Matriz de restricciones

Las restricciones vienen dadas en forma de una matriz MR de  $n^2$  entradas. Utilizamos un 1 para indicar restricción de tipo ML, un -1 para indicar CL y 0 para indicar que no hay restricción. La matriz es siempre simétrica y su diagonal contiene 1s.



#### Definición del Problema: Lista de restricciones

En formato lista, LR, las restricciones consiste en tripletas en las que las dos primeras posiciones contienen los identificadores de las instancias implicadas y el tercero contiene el tipo de restricción. Utilizamos un 1 para indicar una restricción ML y un -1 para indicar una CL:



#### Definición del Problema: CC

■ Bajo Restricciones Fuertes: Minimizar  $\overline{C}$  sujeto a que infeasibility = 0

■ Bajo Restricciones Débiles: Minimizar una agregación de  $\overline{C}$  e *infeasibility*, permitiendo *infeasibility* > 0

- Dado que disponemos de estructuras para almacenar las restricciones, podemos calcular el valor para infeasibility de manera sencilla y eficiente
- Definimos  $V(\overrightarrow{x_i}, \overrightarrow{x_j})$  como la función que, dada una pareja de instancias, devuelve 1 si la asignación de dichas instancias viola una restricción y 0 en otro caso
- Podemos calcular infeasibility como el número de restricciones incumplidas por una partición C del conjunto de datos X dada una matriz de restricciones MR o una lista de restricciones LR:

$$infeasibility = \sum_{i=0}^{n} \sum_{j=0}^{n} V(\overrightarrow{x_i}, \overrightarrow{x_j})$$

## Análisis del Problema

- El problema del agrupamiento simple es NP-Duro. Al añadirle restricciones de tipo ML y CL pasa a ser NP-Completo
- Resolverlo de forma óptima es intratable, debemos buscar soluciones aproximadas
- La representación de las restricciones en forma de lista es más eficiente cuando es necesario recorrer las restricciones para realizar operaciones sobre ellas, ya que solo es necesario recorrer una lista de longitud |R| en lugar de recorrer una matriz de  $n^2$  posiciones
- La representación en forma de matriz es más eficiente cuando se sabe que restricción se quiere comprobar, ya que las matrices implementan acceso aleatorio

## Análisis del Problema

#### COMENTARIOS:

- √ k debe ser fijo y conocido a priori. El aprendizaje del número óptimo de clusters para un conjunto de datos concreto es un problema complejo
- ✓ La función minimizar  $\{\bar{C}\}$  puede presentar muchos mínimos locales
- Para diseñar un método de resolución del PAR es necesario disponer de dos componentes:
- a) Una medida de la bondad con la que la configuración de clusters actual representa la muestra original de instancias (habitualmente el valor  $\bar{c}$  combinado con infeasibility)
- b) Un algoritmo que busque la configuración de clusters que optimice dichas medidas

## La Solución Greedy

La solución Greedy para el PAR consiste en modificar el algoritmo k-medias para tener en cuenta dichas restricciones. Para la solución greedy haremos una interpretación fuerte de las restricciones. De esta forma, una instancia se asignará a un cluster si y solo si dicha asignación no viola ninguna restricción

El algoritmo k-medias clásico minimiza la desviación general  $\bar{c}$ . Al modificarlo para tener en cuenta las restricciones puede suceder que el algoritmo no devuelva una solución factible

## La Solución Greedy: El Algoritmo COPKM

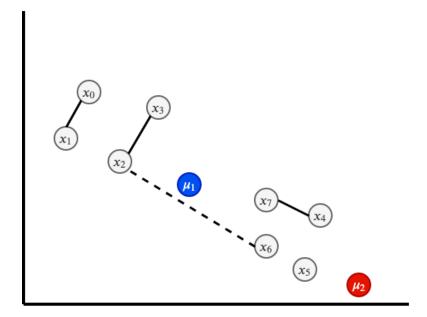
#### Algorithm 1: COPKM

```
Input: Conjunto de datos X, conjunto de restricciones R, número de
             clusters k, centroides iniciales \{\mu_1, \dots, \mu_k\}.
    /st Barajamos los indices para recorrer X de forma aleatoria
        sin repeticion
                                                                                */
 [1] RSI \leftarrow \texttt{RandomShuffle}(\{1, \cdots, n\})
 [2] do
        for i \in RSI do
 [3]
            Asignar x_i a su cluster mas cercano c_j sin violar ninguna
 [4]
             restricción. Si dicho cluster no existe devolver la partición vacía
             (return ∅)
        end
 [5]
        for i \in \{1, \dots, k\} do
 [6]
            Actualizar el centroide \mu_i promediando las instancias de su
 [7]
             cluster asociado c_i.
        end
 [8]
 [9] while Se produzca cambio en C;
[10] return C = \{c_1, \dots, c_k\}
```

Supongamos que las instancias de X se exploran en el siguiente orden:

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

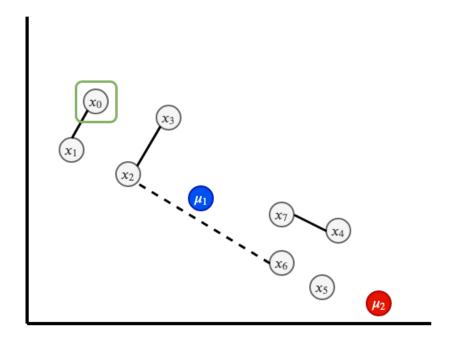
Y supongamos k=2 y la siguiente especificación de restricciones e inicialización de centroides:

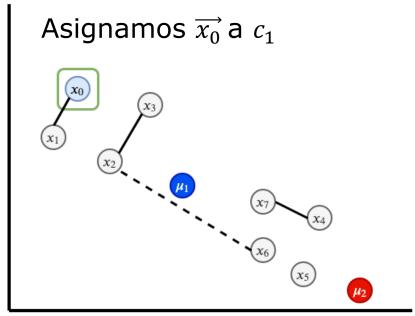


$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_0}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_1}$ 

 $\overrightarrow{c}$ Asignar  $\overrightarrow{x_0}$  a  $c_1$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  NO



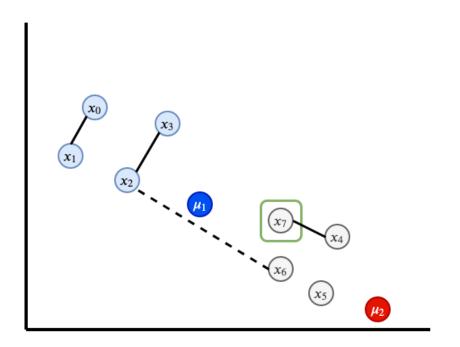


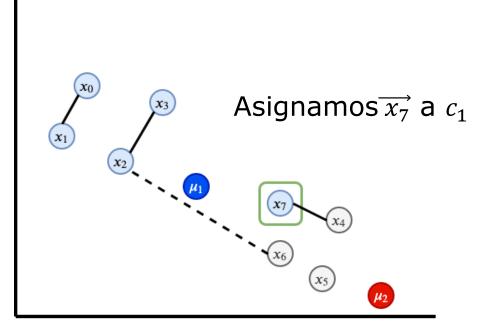
$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

Repetimos hasta que llegamos a explorar  $\vec{x_7}$ 

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_7}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_1}$ 

 $\overrightarrow{c}$ Asignar  $\overrightarrow{x_7}$  a  $c_1$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  NO

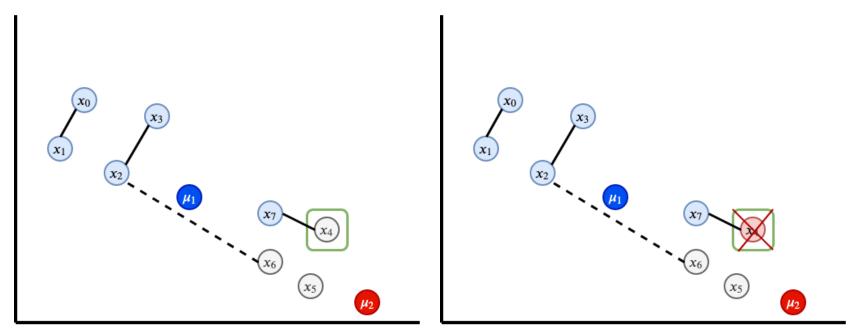




$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_4}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_2}$ 

 $\overrightarrow{c}$ Asignar  $\overrightarrow{x_4}$  a  $c_2$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  SI

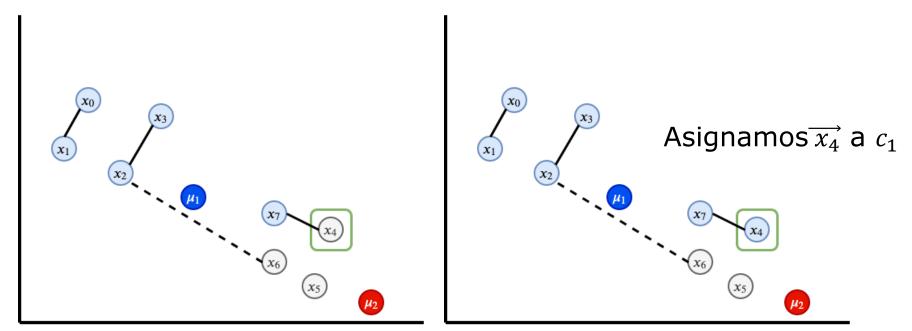


iNo podemos hacer esta asignación porque viola una restricción!

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el **segundo** centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_4}$ ?  $\longrightarrow$   $\overrightarrow{\mu_1}$ 

¿Asignar  $\overrightarrow{x_4}$  a  $c_1$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  NO

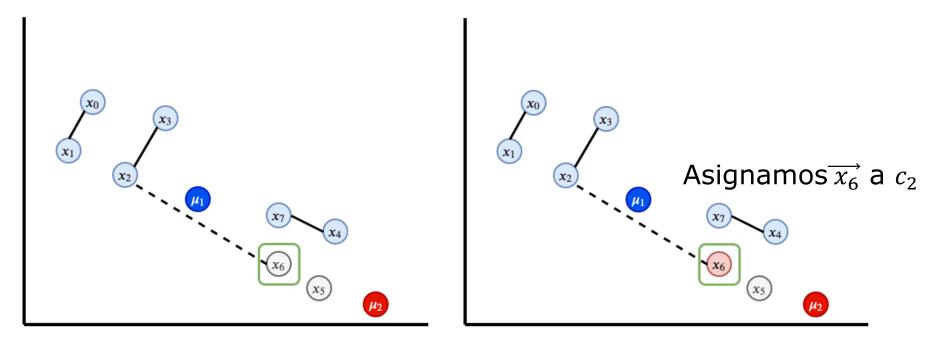


## La Solución Greedy: Ejemplo

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_6}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_2}$ 

 $\overrightarrow{a}$  Asignar  $\overrightarrow{x_6}$  a  $c_2$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  NO



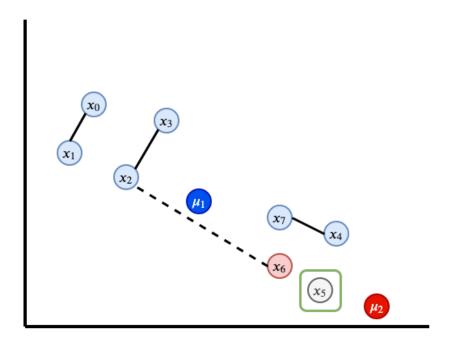
Pregunta: ¿Qué pasaría si el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_6}$  fuera  $\overrightarrow{\mu_1}$ ?

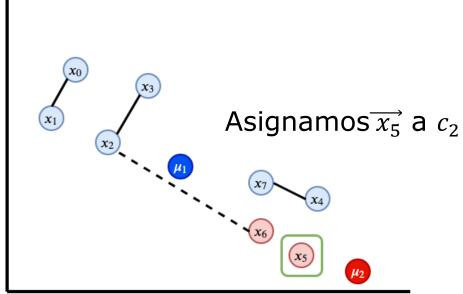
## La Solución Greedy: Ejemplo

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_5}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_2}$ 

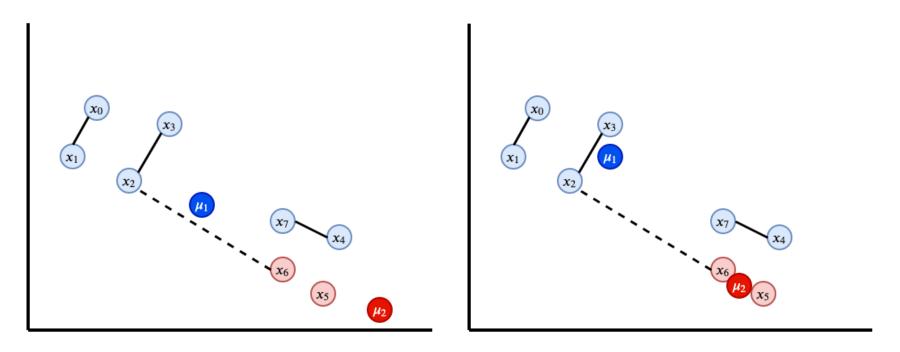
¿Asignar  $\overrightarrow{x_5}$  a  $c_2$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  NO





## La Solución Greedy: Ejemplo

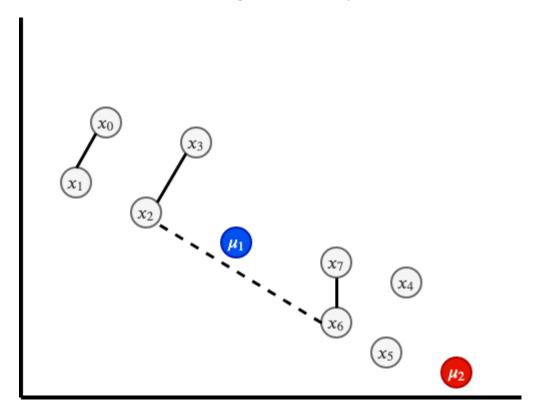
Ya se han explorado todas las instancias. Hay que actualizar los centroides:



Como se ha producido cambio significativo en la posición de los centroides el proceso de agrupamiento continúa

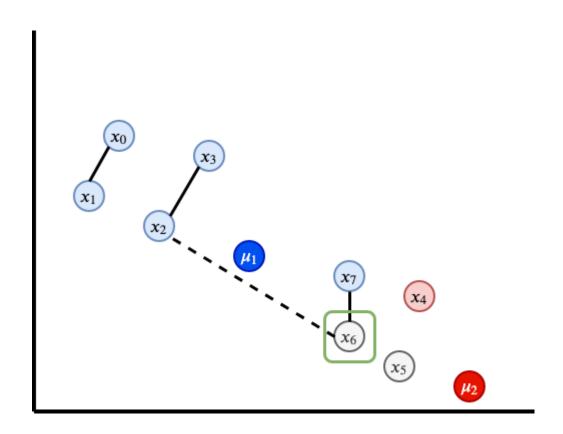
¿Cómo puede fallar el algoritmo COPKM? Supongamos el mismo conjunto de datos pero modificando una restricción y manteniendo el orden en el que se exploran las instancias:

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$



$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

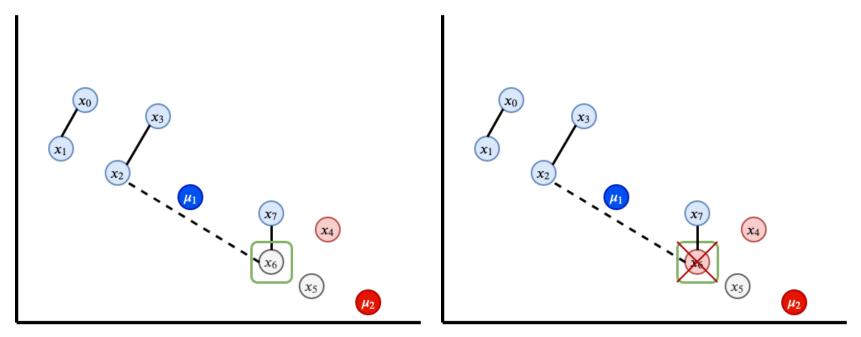
El proceso de agrupamiento se desarrolla normalmente hasta llegar a  $\overrightarrow{x_6}$ :



$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

¿Cuál es el centroide mas cercano a  $\vec{x_6}$ ?  $\rightarrow \vec{\mu_2}$ 

¿Asignar  $\overrightarrow{x_6}$  a  $c_2$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  SI

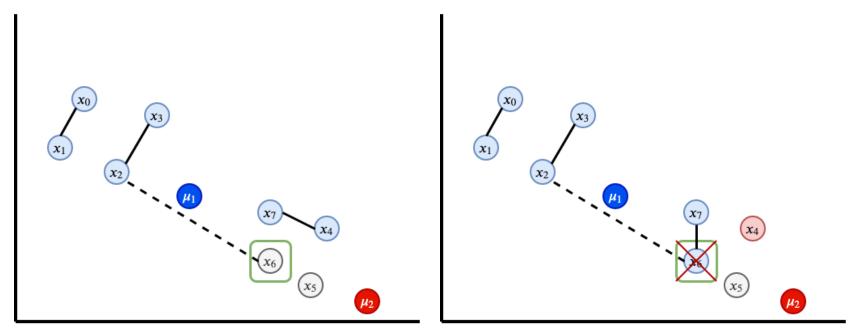


iNo podemos hacer esta asignación porque viola una restricción!

$$\overrightarrow{x_0} \rightarrow \overrightarrow{x_1} \rightarrow \overrightarrow{x_2} \rightarrow \overrightarrow{x_3} \rightarrow \overrightarrow{x_7} \rightarrow \overrightarrow{x_4} \rightarrow \overrightarrow{x_6} \rightarrow \overrightarrow{x_5}$$

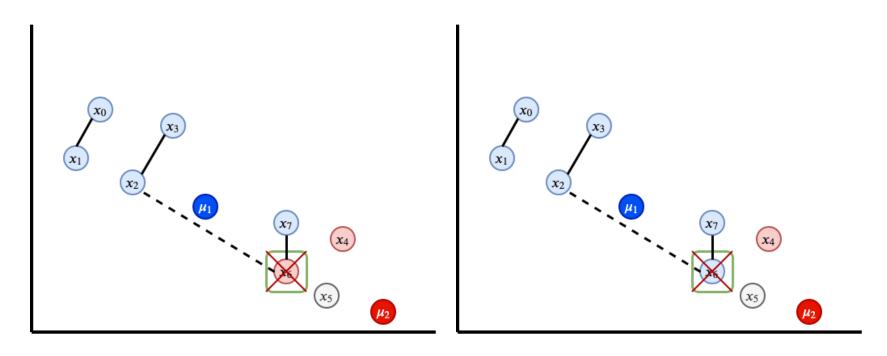
¿Cuál es el **segundo** centroide mas cercano a  $\overrightarrow{x_6}$ ?  $\longrightarrow \overrightarrow{\mu_1}$ 

¿Asignar  $\overrightarrow{x_6}$  a  $c_1$  viola alguna restricción?  $\longrightarrow$  SI



iNo podemos hacer esta asignación porque viola una restricción!

No existe una asignación factible para  $\overrightarrow{x_6}$ , por lo tanto el algoritmo devuelve la partición vacía:



Por este motivo decimos que COPKM es muy dependiente del orden en el que se exploran las instancias del X. Para este mismo conjunto de restricciones, si se explora  $\overrightarrow{x_6}$  antes que  $\overrightarrow{x_7}$  el algoritmo no llegaría a un punto muerto

# La Solución Greedy: El Algoritmo COPKM

Por este motivo aceptamos que COPKM puede no dar solución al problema en algunas ocasiones

Si lo razonamos nos damos cuenta de que es normal, ya que el algoritmo k-medias está diseñado para resolver un problema NP-Duro y el CC es un problema NP-Completo. Por tanto estamos aplicando un algoritmo diseñado para resolver un problema NP-Duro a un problema NP-Completo

# Búsqueda por Trayectorias Simples

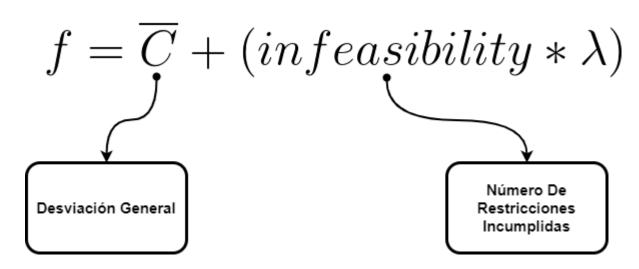
El método de búsqueda por trayectorias simples que usaremos para aplicar al PAR es la **Búsqueda Local** 

En este caso haremos una interpretación débil de las restricciones

Para construir un esquema de optimización por búsqueda local tenemos que definir la **función objetivo y el operador de vecino**, así como el esquema de representación del problema

### Búsqueda por Trayectorias Simples: Función Objetivo

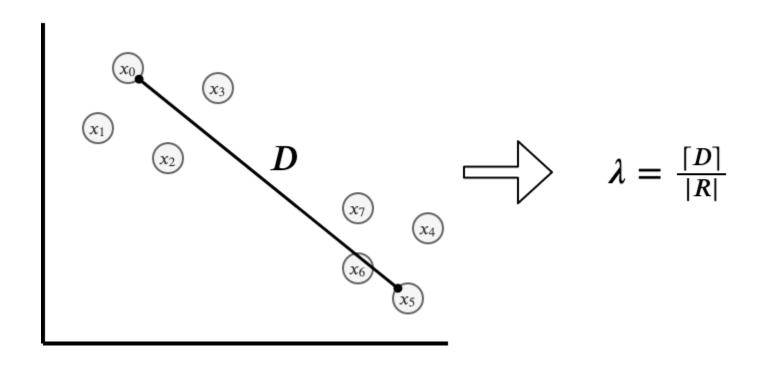
Al utilizar restricciones débiles tenemos que plantear una función objetivo que optimice a la vez la desviación general y el número de restricciones incumplidas (minimización):



La función propuesta utiliza el parámetro  $\lambda$  como parámetro de escalado para dar relevancia al término infeasibility. Si se establece correctamente, la búsqueda local optimiza primero el número de restricciones incumplidas y luego la desviación general

### Búsqueda por Trayectorias Simples: Función Objetivo

Para asegurar que el factor infeasibility tiene la suficiente relevancia establecemos  $\lambda$  siempre como el cociente entre un valor mayor a la distancia máxima existente en el conjunto de datos y el número de restricciones del problema:



#### Búsqueda por Trayectorias Simples: Representación

Para representar la solución al problema emplearemos un vector de n posiciones en correspondencia con las n instancias del conjunto de datos X. En cada posición se almacena la etiqueta de la instancia asociada a dicha posición:

### Búsqueda por Trayectorias Simples: Operador de Vecino

El operador de vecino considerado es el **cambio de asignación de cluster de una instancia (** $Cambio_Cluster(S, i, l)$ **).** Dada una solución (configuración de clusters) S se escoge un índice i (instancia  $\overrightarrow{x_i}$ ) y se cambia su asignación a otro cluster distinto l:

$$S = \{s_0, ..., s_i, ..., s_n\} \Rightarrow S' = \{s_1, ..., l, ..., s_n\}$$

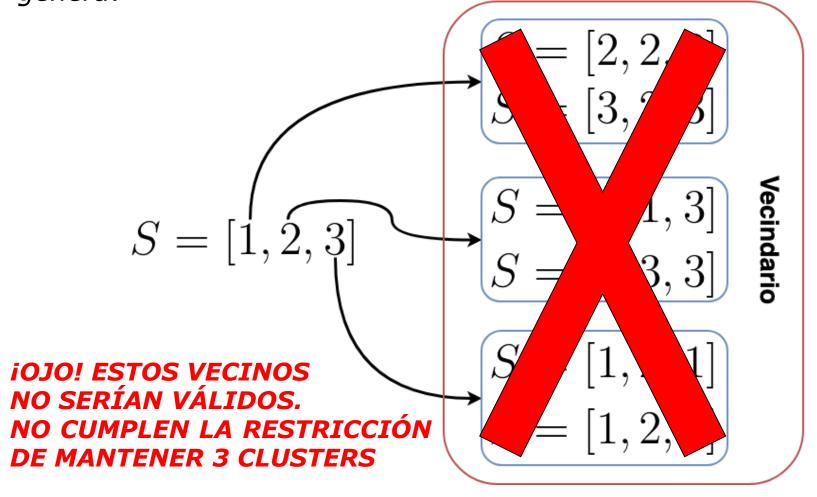
Es necesario chequear que el cambio no deja ningún cluster vacío, ya que no verificaría las restricciones del problema del clustering

El entorno de una solución S está formado por las soluciones accesibles desde ella a través de la aplicación de dicho operador sobre todos los índices de S,  $i \in \{1, ..., n\}$ , estudiando todos los posibles valores alternativos de  $S_i$  de  $S_i$ 

Por tanto, el tamaño del entorno de una solución es  $n \cdot (k-1)$ 

### Búsqueda por Trayectorias Simples: Operador de Vecino

Por ejemplo, para n=3 y k=3 (tres clusters:  $l_i \in \{1,2,3\} \forall i \in \{1,...,n\}$ ), y dada una solución inicial S, el operador de vecino genera:



### Búsqueda por Trayectorias Simples: El Algoritmo

El algoritmo propuesto utiliza una estrategia tipo "el primer mejor" para explorar el entorno de una solución. Esto es, se acepta el primer vecino que mejore a la solución actual como nueva solución

La exploración del entorno no se hace en un orden determinístico sino en un orden aleatorio para dar diversidad

Para evaluar la calidad de las soluciones utilizamos la función objetivo f, que hay que minimizar. De esta forma se acepta como nueva solución el primer vecino S' que cumpla f(S') < f(S)

El proceso termina cuando se alcanza el número máximo de evaluaciones de la función objetivo o cuando no se produce mejoría al explorar un vecindario concreto  $(\nexists S't.q.f(S') < f(S))$ 

La solución inicial se genera de manera aleatoria, comprobando que cada cluster tiene al menos una instancia

### Búsqueda por Trayectorias Simples: El Algoritmo

No es necesario generar el entorno completo para explorarlo. En su lugar generamos un vecindario virtual que consiste en parejas índice-valor

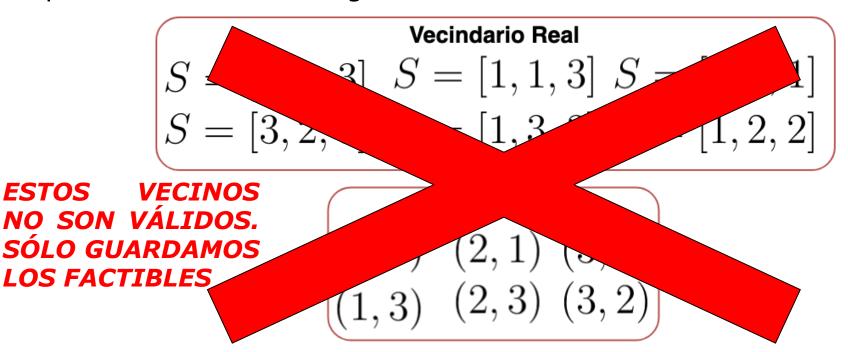
Esto es, generamos los cambios posibles sobre la solución actual, no las nuevas soluciones en sí. Al momento de evaluar un vecino de la solución actual se aplica el cambio correspondiente y se evalúa. Gracias a este mecanismo la memoria ocupada por el vecindario es mucho menor

Otra ventaja de este mecanismo es que el proceso de aleatorización es más simple. En lugar de barajar el vecindario real para determinar el orden de exploración, barajamos el vecindario virtual (parejas de tamaño invariable)

iCuidado! Barajar el entorno no es lo mismo que generarlo de forma aleatoria. Si se barajan los individuos no se repiten, si se selecciona aleatoriamente sí se podrían repetir

#### Búsqueda por Trayectorias Simples: Ejemplo vecindarios

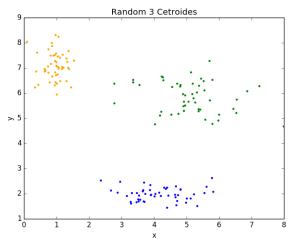
Un ejemplo de vecindario virtual para n=3 y k=3 (tres clusters:  $l_i \in \{1,2,3\} \ \forall \ i \in \{1,...,n\}$  ), y dada una solución inicial S=[1,2,3], el operador de vecindario genera:



El formato de los individuos del vecindario virtual es:  $(indice, nuevo\ valor) = (i, l_i')$ 

#### Casos del problema: Conjuntos de Datos

- Iris: Clásico en ciencia de datos. Contiene información sobre las características de tres tipos de flor Iris. Tiene 3 clases en su definición original, por lo que k=3
- Ecoli: Contiene medidas sobre ciertas características de diferentes tipos de células que pueden ser empleadas para predecir la localización de ciertas proteínas. Tiene 8 clases en su definición original, por lo que k=8
- Rand: Conjunto de datos artificial. Formado por tres clusters bien diferenciados generados en base a distribuciones normales. k = 3



#### Casos del problema: Conjuntos de Restricciones

Para cada conjunto de datos se generan aleatoriamente 2 conjuntos de restricciones, correspondientes al 10% y 20% del total de restricciones posibles

Los llamaremos  $CS_{10}$  y  $CS_{20}$ , respectivamente

Con esto tenemos que, si para cada conjunto de datos generamos tres conjuntos de restricciones, el total de casos de estudio es 6

Dataset	Instancias	Clases	Características	$CS_{10}$		$CS_{20}$	
				ML	$\operatorname{CL}$	ML	CL
Ecoli	336	8	7	1507	4121	2974	8282
Iris	150	3	4	377	740	729	1506
Rand	150	3	2	377	740	733	1502

#### Casos del problema: Formato

Los ficheros .dat corresponden a los conjuntos de datos. Los ficheros .const corresponden a los conjuntos de restricciones. Por ejemplo: iris\_set.dat es el fichero de datos de Iris y los conjuntos de restricciones son iris\_const\_set\_10.const e iris\_set\_const\_20.const

Los ficheros de datos contienen en cada fila una instancia del conjunto en cuestión con sus características separadas por comas (sin espacios)

Los ficheros de restricciones almacenan una matriz de restricciones con el formato descrito anteriormente, de nuevo con sus valores separados por comas y sin espacios

#### Algunos consejos

- Las restricciones se dan en forma de matriz pero es recomendable construir la lista de restricciones y tener ambas disponibles para usar la más eficiente en cada caso
- Estamos trabajando con números reales así que hay que tener cuidado con las comparaciones de igualdad
- Un manera de saber si la implementación es correcta es comprobar que la calidad de la solución escala con el tamaño del conjunto de restricciones y con la infactibilidad conseguida (en el caso medio). Si no es así es posible que haya algún fallo

#### Agradecimientos

- Para la preparación de las transparencias de presentación del PAR se han usado materiales del estudiante de doctorado Germán González Almagro
- Agradecemos también a Germán la preparación de las instancias del problemas, ficheros y las pruebas previas realizadas