

基于K-means的鸢尾花分类

主讲人: 王利猛 王瑾





01 | 数据集介绍

02 | 数据集可视化

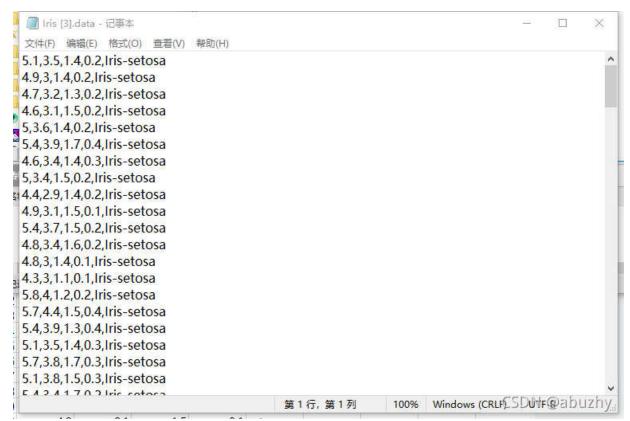
03 | 基于SK_learn的实现

04 | 自编程实现



数据集介绍

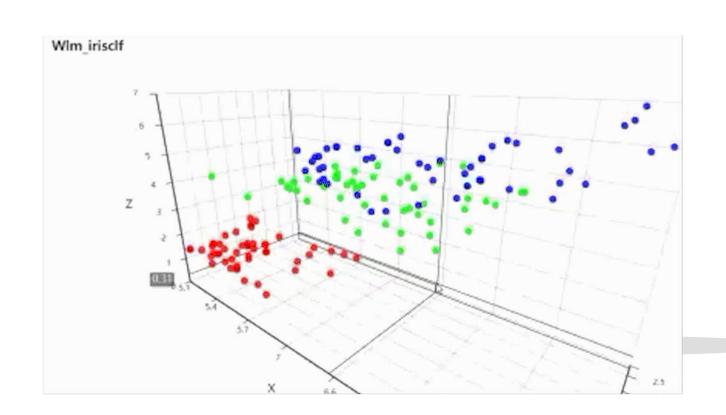
Iris 鸢尾花数据集是一个经典数据集,在统计学习和机器学习领域都经常被用作示例。数据集内包含 3 类共 150 条记录,每类各 50 个数据,每条记录都有 4 项特征:花萼长度、花萼宽度、花瓣长度、花瓣宽度,可以通过这4个特征预测鸢尾花卉属于(iris-setosa, iris-versicolour, iris-virginica)中的哪一品种。下图给出数据集前20条数据。





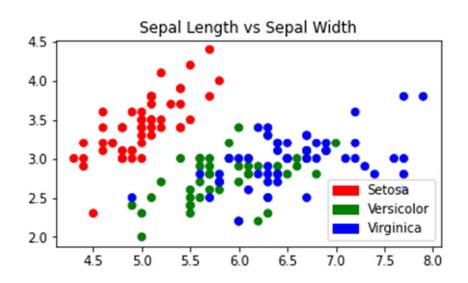
数据集可视化

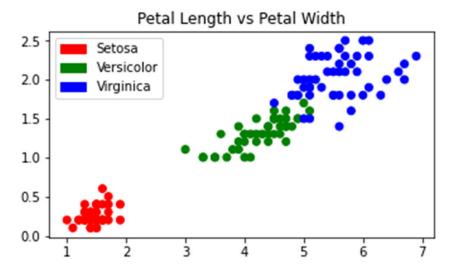
本项目使用的是pyecharts对sklearn中的鸢尾花数据进行可视化展示。用数据集前三个参数作为xyz坐标,可以大致看出这些数据点在空间中的分布。在下图的gif中,使用鼠标点击每个特征向量,即可显示出所属类别(红绿蓝代表三种鸢尾花)和前三个特征值(xyz坐标)。



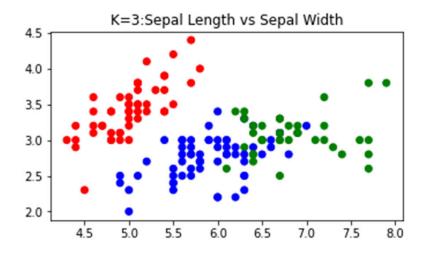


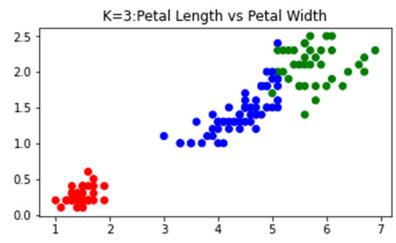
数据集前二维特征分布图,后二维特征分布图左图以花萼长,花萼宽为横纵坐标,绘制150个样本的特征分布 右图以花瓣长,花瓣宽为横纵坐标,绘制150个样本的特征分布





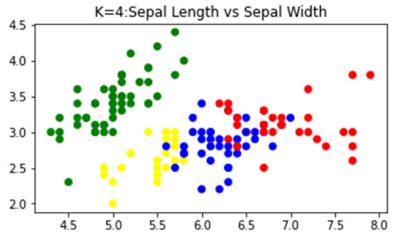
- 令K=3进行分类
- 0 1 2代表聚类标号,不代表原数据集样本label。每次运行代码都会变化。但是标号分布不变
- 给出3个最终聚类中心
- 聚类后前两维数后两维散点分布

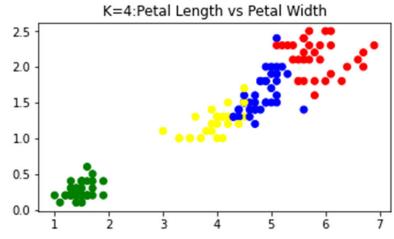




- 令K=4进行分类
- 0123代表聚类标号,不代表原数据集样本label。每次运行代码都会变化。但是标号分布不变
- 给出4个最终聚类中心
- 聚类后前两维数后两维散点分布

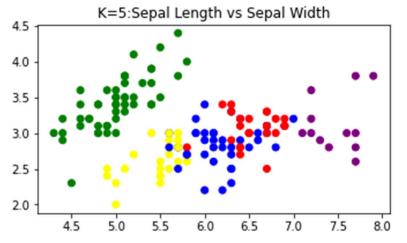
```
2022000020202002200000220002000200022
0 21
cluster_centers:
[[6.9125
        3.1
                5.846875 2.13125
[5.006
        3.428
                1.462
                        0.246
        2.855
                4.815
 [6.2525
                        1.625
 [5.53214286 2.63571429 3.96071429 1.22857143]]
Text(0.5, 1.0, 'K=4:Petal Length vs Petal Width'
```

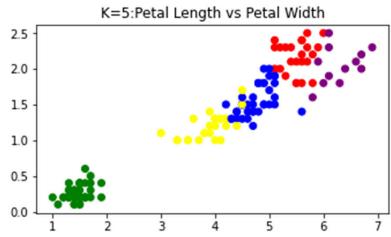




- 令K=5进行分类
- 01234代表聚类标号,不代表原数据集样本label。每次运行代码都会变化。但是标号分布不变
- 给出5个最终聚类中心
- 聚类后前两维数后两维散点分布

```
cluster_labels:
0020004420242042204440224002000200020
0 2]
cluster_centers:
[[6.52916667 3.05833333 5.50833333 2.1625
                               0.246
[5.006]
           3.428
                     1.462
[6.20769231 2.85384615 4.74615385 1.56410256]
[5.508
                     3.908
                               1.204
           2.6
[7.475
           3.125
                     6.3
                               2.05
Text(0.5, 1.0, 'K=5:Petal Length vs Petal Width')
```







自编程实现

例题:

$$\boldsymbol{X}_1 = \begin{bmatrix} 0,0 \end{bmatrix}^{\mathrm{T}} \quad \boldsymbol{X}_2 = \begin{bmatrix} 1,0 \end{bmatrix}^{\mathrm{T}} \quad \boldsymbol{X}_3 = \begin{bmatrix} 0,1 \end{bmatrix}^{\mathrm{T}} \quad \boldsymbol{X}_4 = \begin{bmatrix} 1,1 \end{bmatrix}^{\mathrm{T}}$$

Step1:

① 取K=2,并选: $Z_1(1) = X_1 = [0,0]^T$ $Z_2(1) = X_2 = [1,0]^T$

Step2:

② 计算距离,聚类:

$$X_{1:} \xrightarrow{D_{1} = ||X_{1} - Z_{1}(1)|| = 0} D_{2} = ||X_{1} - Z_{2}(1)|| = \sqrt{(0 - 1)^{2} + (0 - 0)^{2}} = \sqrt{1}$$
 $\Rightarrow D_{1} < D_{2} \Rightarrow X_{1} \in S_{1}(1)$

$$X_{2}: D_{1} = ||X_{2} - Z_{1}(1)|| = \sqrt{1}$$
 $D_{2} = ||X_{2} - Z_{2}(1)|| = 0$
 $\Rightarrow D_{2} < D_{1} \Rightarrow X_{2} \in S_{2}(1)$

$$X_{3}: D_{1} = ||X_{3} - Z_{1}(1)|| = \sqrt{(0-0)^{2} + (1-0)^{2}} = \sqrt{1}$$

$$D_{2} = ||X_{3} - Z_{2}(1)|| = \sqrt{(0-1)^{2} + (1-0)^{2}} = \sqrt{2}$$

$$\Rightarrow D_{1} < D_{2} \Rightarrow X_{3} \in S_{1}(1)$$

$$X_{4}: D_{1} = ||X_{4} - Z_{1}(1)|| = \sqrt{(1-0)^{2} + (1-0)^{2}} = \sqrt{2}$$

$$D_{2} = ||X_{4} - Z_{2}(1)|| = \sqrt{(1-1)^{2} + (1-0)^{2}} = \sqrt{1}$$

$$\Rightarrow D_{2} < D_{1} \Rightarrow X_{4} \in S_{2}(1)$$

$$S_1(1) = \{X_1, X_3\}$$
 $S_2(1) = \{X_2, X_4\}$

自编程实现

例题:

Step3: 初始clusterAssment

-1	Inf
-1	Inf
-1	Inf
-1	inf

本次clusterAssment

1	D1=0
2	D2=0
1	D1=1
2	D2=1

样本聚类号都发生了改变,继续迭代

Step4: 计算新的聚类中心

$$Z_1(2) = \frac{1}{N_1} \sum_{X \in S_1(1)} X = \frac{1}{2} (X_1 + X_3) = \frac{1}{2} \left[\begin{bmatrix} 0 \\ 0 \end{bmatrix} + \begin{bmatrix} 0 \\ 1 \end{bmatrix} \right] = \begin{bmatrix} 0 \\ 0.5 \end{bmatrix}$$

Z₂(2)类似

自编程实现

原PPT算法计算量大,迭代基线条件难以达到(需两轮聚类中心相等),在此基础加以改进:

算法简介(设样本数m,聚类数k)

Step1:初始化聚类中心

方法: 随机从m个样本中取出不重复的k个样本, 作为初始样本中心 c1,c2,...,ck

Step2: 聚类

方法: 计算第j个样本Yj对k个样本中心的距离dj1,dj2,...,djk, 取出最小值dji=min{dj1,dj2,...,djk}。那么Yj的聚类号就是i。将所有样本全部聚类。结果存储到一格m*2的表clusterAssment中。此表第一列代表第一个样本的聚类号,第二列代表第一个样本到聚类中心的距离。

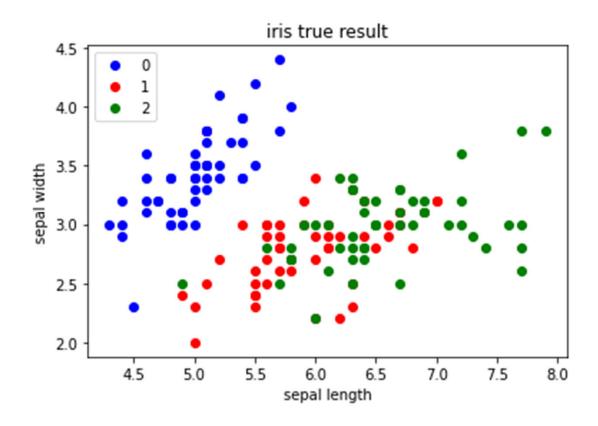
Step3: 判断基线条件

方法:逐个样本判断聚类号是不是同上一轮迭代的聚类号发生了改变,若全部样本都没改变,则迭代结束。若存在样本聚类号发生变化,则继续迭代。

Step4:更新聚类中心

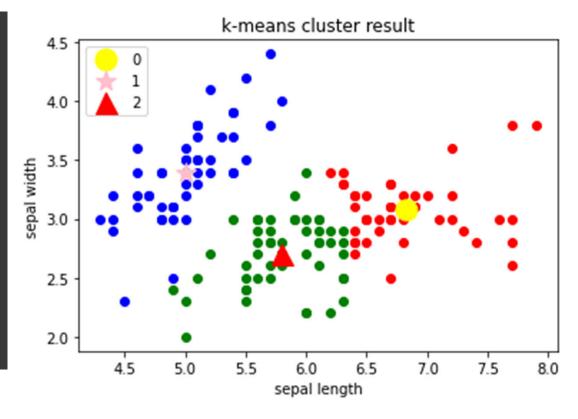
方法: 新的聚类中心是此类所有样本的均值

- 自编程实现:
- 原数据集分布

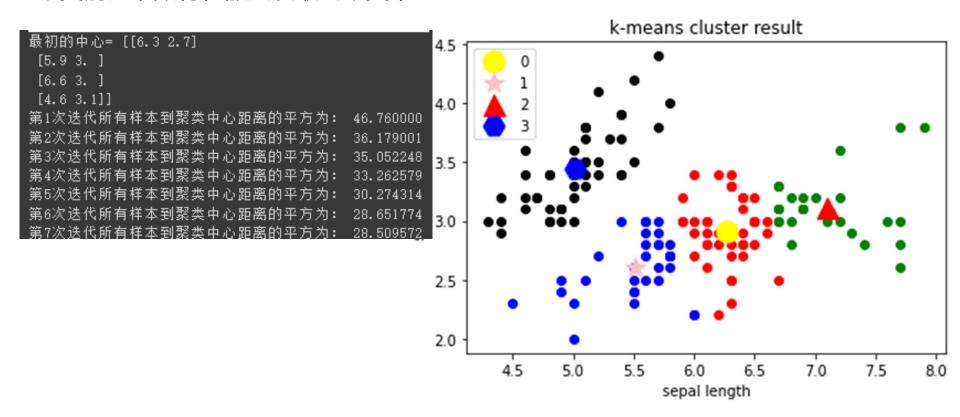


- 自编程实现:
- 令K=3进行分类
- 初始中心,迭代次数,最终距离趋于最小稳定。因为聚类不再变化
- 聚类前两维数特征散点及最终聚类中心

```
最初的中心= [[7.6 3.]
[5.4 3.]
[5.93.]]
第1次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 60.570000
第2次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 42.281045
第3次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 38.863737
第4次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 38.291968
第5次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 38.135644
第6次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 38.055060
第7次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.980634
第8次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.859100
第9次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.783402
第10次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.694864
  次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.636365
     代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.535779
第13次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.454640
     代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.355678
第15次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.290519
   欠迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.229337
第17次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.201302
第18次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.155048
第19次迭代所有样本到聚类中心距离的平方为: 37.141172
```



- 自编程实现:
- 令K=4进行分类
- 初始中心,迭代次数,最终距离趋于最小稳定。因为聚类不再变化
- 聚类前两维数特征散点及最终聚类中心



- 自编程实现:
- 令K=5进行分类
- 初始中心,迭代次数,最终距离趋于最小稳定。因为聚类不再变化
- 聚类前两维数特征散点及最终聚类中心

