0419_규민

Clustering_methods

scikit-learn 공식문서 참고할것

• https://scikit-learn.org/stable/modules/clustering.

클러스터링에는 넓게 두가지 접근법이 있다.

- 1. Compactness
 - o 서로 가까이 있는 대상끼리 묶고, 그 그룹의 중심으로 비슷한 대상끼리 밀집되어 분포 하도록 하는 방식
 - ㅇ 주로 두 대상간의 거리로 유사도 측정
 - o k-means
- 2. Connectivity
 - 서로 연결되어 있거나 바로 옆에 있는 대상이 같은 그룹으로 묶임
 - ㅇ 두 대상이 거리상 매우 가깝더라도 연결되어 있지 않다면 같은 그룹으로 묶이지 않음
 - o Spectral clustering (스펙트럼 군집화)

| Method name | Parameters | Scalability | Usecase | Geometry (metric used) |
|------------------------------------|---|---|--|--|
| K-Means | number of clusters | Very large n_samples, medium n_clusters with MiniBatch code | General- purpose, even cluster size, flat geometry, not too many clusters | Distances between points |
| Affinity propagation | damping, sample preference | Not scalable with n_samples | Many clusters, uneven cluster size, non-flat geometry | Graph distance (e.g. nearest- neighbor graph) |
| Mean-shift | bandwidth | Not scalable with n_samples | Many clusters, uneven cluster size, non-flat geometry | Distances between points |
| Spectral clustering | number of clusters | Medium n_samples, small n_clusters | Few clusters, even cluster size, non-flat geometry | Graph distance (e.g. nearest- neighbor graph) |
| Ward hierarchical clustering | number of clusters or distance threshold | Large n_samples and n_clusters | Many clusters, possibly connectivity constraints | Distances between points |
| Agglomerative clustering | number of clusters or distance threshold, linkage type, distance | Large n_samples and n_clusters | Many clusters, possibly connectivity constraints, non Euclidean distances | Any pairwise distance |
| DBSCAN | neighborhood size | Very large n_samples, medium n_clusters | Non-flat geometry, uneven cluster sizes | Distances between nearest points |
| OPTICS | minimum cluster membership | Very large n_samples, large n_clusters | Non-flat geometry, uneven cluster sizes, variable cluster density | Distances between points |
| Gaussian mixtures | many | Not scalable | Flat geometry, good for density estimation | Mahalanobis distances to centers |
| Birch | branching factor, threshold, optional global clusterer. | Large n_clusters and n_samples | Large dataset, outlier removal, data reduction. | Euclidean distance between points |

K-means

주어진 데이터를 K개의 클러스터로 묶는 알고리즘 각 클러스터와 거리 차이의 분산을 최소화화는 방식으로 동작

알고리즘

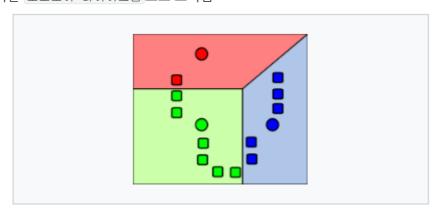
*표준알고리즘

- 입력값: K: 클러스터 수, D: n개의 데이터를 포함하는 집합
- 초기 k"평균값"(아래의 경우 k=3)은 데이터 중에 무작위 추출

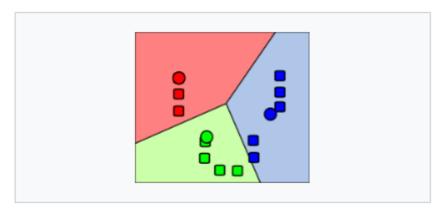
1.



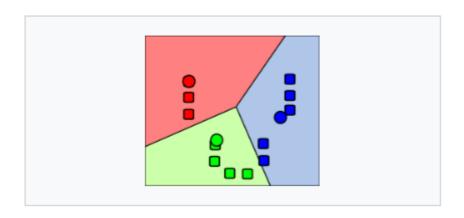
2. k 각 데이터는 가장 가까이 있는 평균값을 기준으로 묶임 분할된 영역은 보로노이 다이어그램으로 표시됨



3. K개 클러스터 중심점 을 기준으로 평균값 재조정



4. 위의 작업을 반복하면 점들이 소속된 집단을 바꾸지 않거나, 무게중심 이 변하지 않는 상태로 수렴



*무작위 분할

- 처음에 데이터를 임의의 클러스터에 배당한 후 각 클러스터에 배당된 점들의 평균값을 초기 평균으로 설정해서 시작한다.
- 데이터 순서에 대해 독립적이다
- 초기 클러스터의 무게중심 들이 데이터 집합의 중심에 가깝게 위치 하는 경향 -> 선호되는 이유

하계점

- 클러스터 개수 K 값을 입력 파라미터로 지정해주어야 한다.
- 알고리즘의 에러 수렴이 전역 최소가 아닌 지역 최솟값으로 수렴할 가능성이 있다.
- 이상값(outlier)에 민감하다.
- 구형이 아닌 클러스터를 찾는데 적절치 않다.

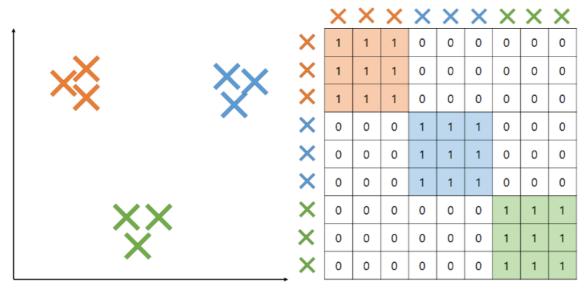
Spectral clustering (스펙트럼군집화 알고리즘)

- 데이터의 유사성 매트릭스의 스펙트럼(고유값)을 사용하여 차원축소를 해, 더 적은 차원으로 클러스터링 하는것
- K-means는 거리에 관심이 있는반면, 스펙트럼은 연결에 관심이 있다.
- 알고리즘 참조
 - https://brunch.co.kr/@mathpresso/11

알고리즘

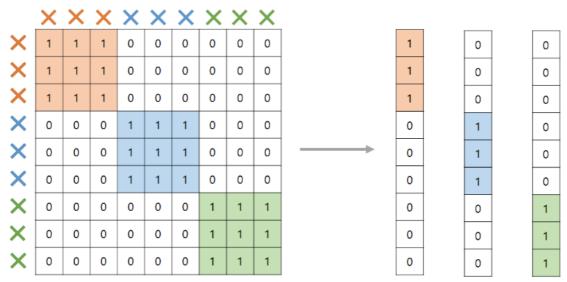
1. Compute a similarity graph

거리를 계산하여 유사도 행렬을 구한다.



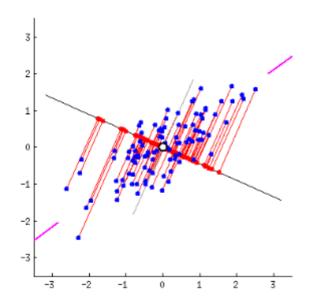
데이터로부터 유사도 행렬을 계산

주성분분석(PCA)을 통해 주성분 추출



주성분 분석(PCA) 을 통하여 주성분을 추출

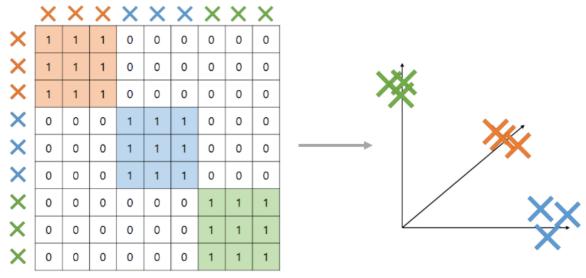
주성분 분석 수행



2. Project the data onto a lower-dimensional space & Create cluster

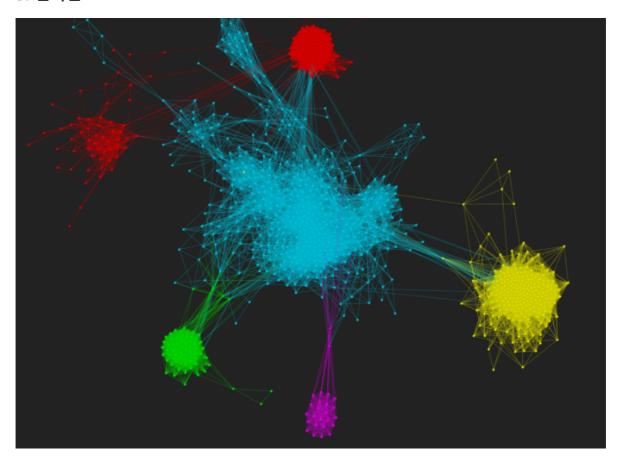
낮은 차원의 각 점으로 변환

그 후 K-means와 같은 알고리즘을 이용하여 클러스터 생성



낮은 차원으로 사영시킨 데이터 / 비슷한 그룹은 비슷한 위치로 사영된다

3. 결과물



장단점

Pros

• 데이터의 분포에 대한 강한 가정을 하지 않는다

- 구현이 쉽고 좋은 결과 나온다
- 몇 천개 수준의 Sparse(부족한)한 데이터에 대해 충분히 합리적인 속도로 계산할 수 있다.

Cons

- 마지막 단계에서 K-means와 같은 clustering 알고리즘 사용하는데, 항상 같은 결과를 보장하지 않는다
- 큰 데이터는 상당한 계산량 요구
- 몇 개의 그룹으로 쪼개어 지느냐에 따라 결과가 달라질 수 있다.
- 클러스터의 개수 지정해줘야한다.

아이디어 & 의문

- I) 스펙트럼군집화 알고리즘은 `많지않은데이터`에서 좋을거 같다
 - -> 우리데이터에 써보자!
- Q) 랜덤변수 설정으로 최적의 K값 찾을 수 있다면 좋을것 같다.
 - -> 근데 최적의 K를 무었을 기준으로 찾지? 그래프를 눈으로 볼 수 없는데?
- q) 6가지 기법 돌려보고 어떤 기준으로 모델 선정할까?