

Logo de la Facultad

Logo del Centro de Docencia

Título del trabajo

Nombre de la Asignatura

Nombres de los integrantes y grupos a los que pertenecen

2016

Introducción

Capítulo 1 Planteamiento del Problema de Valor de Frontera

Capítulo 2 Solución Analítica del PVF

Capítulo 3 Método de Diferencias Finitas

Capítulo 4 Resolución del PVF mediante el Método de Diferencias Finitas

Capítulo 5 Método del Elemento Finito

Capítulo 6 Resolución del PVF mediante el Método del Elemento Finito

Capítulo 7 Comparación de los métodos

Capítulo 8 Resultados y discusión

Capítulo 9 Conclusión

Bibliografía

El informe debe seguir el siguiente formato general:

iii

- a) Texto debe estar escrito en hoja tamaño carta y en letra Times New Roman 12.
- b) Los títulos y subtítulos en letra Times New Roman 16.
- c) El texto debe estar justificado y con interlineado 1,5.
- d) El informe debe contar con a lo más 20 páginas sin incluir portada y bibliografía.

Capítulo 5

Método del Elemento Finito

Las figuras pueden estar blanco y negro o a color. Si se usa color, debe asegurarse que la figura tenga sentido si se imprime a blanco y negro. En la figura 1 se muestran algunas formas.

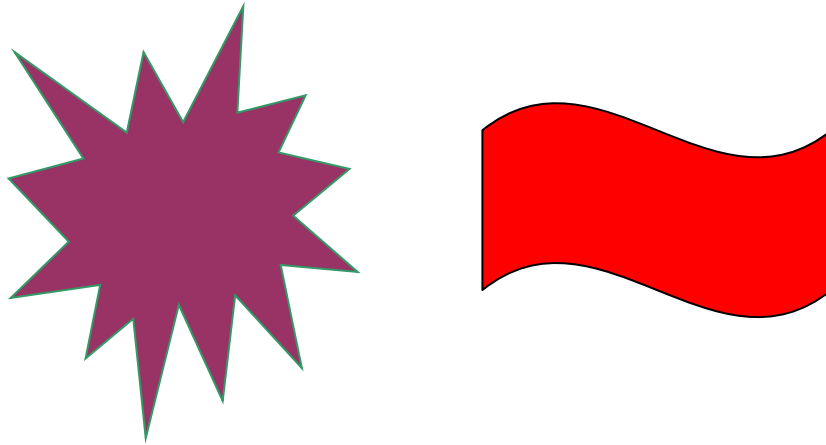


Figura 1. Formas y descripción de las formas.

Bibliografía

- [1] Andrews, S. Fastqc, (2010). A quality control tool for high throughput sequence data.
- [2] Augen, J. (2004). Bioinformatics in the post-genomic era: Genome, transcriptome, proteome, and information-based medicine. Addison-Wesley Professional.
- [3] Blankenberg, D., Kuster, G. V., Coraor, N., Ananda, G., Lazarus, R., Mangan, M., & Taylor, J. (2010). Galaxy: a web-based genome analysis tool for experimentalists. Current protocols in molecular biology, 19-10.
- [4] Bolger, A., & Giorgi, F. Trimmomatic: A Flexible Read Trimming Tool for Illumina NGS Data. URL <http://www.usadellab.org/cms/index.php>.
- [5] Giardine, B., Riemer, C., Hardison, R. C., Burhans, R., Elnitski, L., Shah, P., & Nekrutenko, A. (2005). Galaxy: a platform for interactive large-scale genome analysis. Genome research, 15(10), 1451-1455.