МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА)

Кафедра Математического обеспечения и применения ЭВМ

ОТЧЕТ

по лабораторной работе №5
по дисциплине «Искусственные нейронные сети»
Тема: Распознавание объектов на фотографии

Студент гр. 7383	Рудоман В.А
Преподаватель	Жукова Н.А.

Санкт-Петербург 2020

Цель работы.

Распознавание объектов на фотографиях (Object Recognition in Photographs) CIFAR-10 (классификация небольших изображений по десяти классам: самолет, птица, кошка, олень, собака, лягушка, лошадь, корабль и грузовик).

Порядок выполнения работы.

- 1. Ознакомиться со сверточными нейронными сетями
- 2. Изучить построение модели в Keras
- 3. Изучить работу слоя разреживания (Dropout)

Требования.

- 1. Построить и обучить сверточную нейронную сеть
- 2. Исследовать работу сети без слоя Dropout
- 3. Исследовать работу сети при разных размерах ядра свертки

Ход работы.

Для исследования была разработана и использована программа. Код программы приведен в приложении А.

Были рассмотрены модели со слоями Dropout и без них при размере ядра свертки 2x2. На рисунках 1-2 представлены результаты.

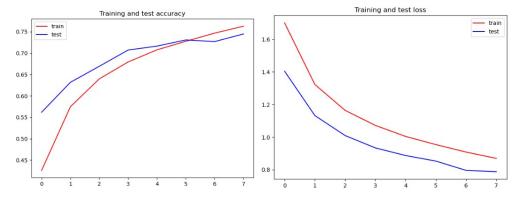


Рисунок 1 – Графики точности и потерь без Dropout и с размером ядра 2x2

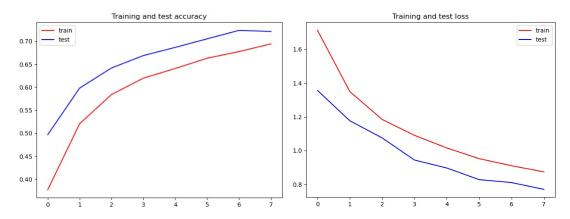


Рисунок 2 – Графики точности и потерь с Dropout и с размером ядра 2x2

На графиках видно, что после 5 эпох в модели без Dropout слоев начинается переобучение.

Рассмотрим как будет вести себя модель с размерами ядра 3x3 и 5x5. Результаты работы показаны на рисунках 3-4.

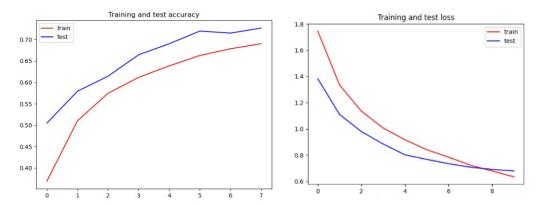


Рисунок 3 – Графики точности и потерь с размером ядра 3х3

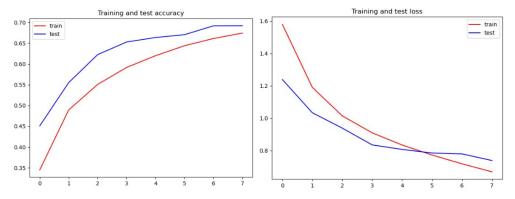


Рисунок 3 – Графики точности и потерь с размером ядра 5х5

Выводы.

В ходе выполнения данной работы была создана сеть, которая может распознавать объекты на фотографиях. Было исследовано влияние наличия Dropout слоев в нейронной сети и зависимость от размера ядра свертки. Было выявлено, что при большем размере ядра свертки, процесс обучения проходит дольше.

ПРИЛОЖЕНИЕ А

ИСХОДНЫЙ КОД ПРОГРАММЫ

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from keras.datasets import cifar10
from keras.layers import Input, Convolution2D, MaxPooling2D,
Dense, Dropout, Flatten
from keras.models import Model
from keras.utils import np utils
# Setting hyper-parameters:
batch size = 300
num epochs = 10
kernel size = 5
pool size = 2
conv depth 1 = 32
conv depth 2 = 64
hidden size = 512
with dropout = True
if with dropout:
    drop prob 1 = 0.25
    drop prob 2 = 0.5
# Loading data:
(X_train, y_train), (X_test, y_test) = cifar10.load_data()
num_train, \overline{depth}, height, width = X_train.shape
num test = X test.shape[0]
num classes = np.unique(y train).shape[0]
# Normalizing data:
X train = X train.astype('float32')
X_test = X_test.astype('float32')
X train /= np.max(X train)
X test /= np.max(X train)
# Converting labels:
Y train = np utils.to categorical(y train, num classes)
Y test = np utils.to categorical(y test, num classes)
# Building model:
inp = Input(shape=(depth, height, width))
conv 1 = Convolution2D(conv depth 1, kernel size, kernel size,
border_mode='same', activation='relu')(inp)
conv_2 = Convolution2D(conv_depth_1, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu')(conv 1)
pool 1 = MaxPooling2D(pool size=(pool size, pool size))(conv 2)
if with dropout:
    drop 1 = Dropout(drop prob 1)(pool 1)
```

```
conv 3 = Convolution2D(conv depth 2, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu')(drop 1 if with dropout
else pool 1)
conv 4 = Convolution2D(conv depth 2, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu')(conv 3)
pool 2 = MaxPooling2D(pool size=(pool size, pool size))(conv 4)
if with dropout:
    drop 2 = Dropout(drop prob 1)(pool 2)
flat = Flatten()(drop 2 if with dropout else pool 2)
hidden = Dense(hidden size, activation='relu')(flat)
if with dropout:
    drop 3 = Dropout(drop prob_2)(hidden)
out = Dense(num classes, activation='softmax')(drop 3 if
with dropout else hidden)
model = Model(input=inp, output=out)
model.compile(loss='categorical crossentropy', optimizer='adam',
metrics=['accuracy'])
# Fitting model:
h = model.fit(X train, Y train, batch size=batch size,
nb epoch=num epochs, verbose=1, validation split=0.1)
print(model.evaluate(X test, Y test, verbose=1))
# Plotting:
loss = h.history['loss']
val loss = h.history['val loss']
acc = h.history['accuracy']
val acc = h.history['val accuracy']
epochs = range(1, len(loss) + 1)
plt.plot(range(1, num epochs + 1), loss, 'b', label='Training
loss')
plt.plot(range(1, num epochs + 1), val loss, 'r',
label='Validation loss')
plt.title('Training and validation loss')
plt.xlabel('Epochs')
plt.ylabel('Loss')
plt.legend()
plt.show()
plt.clf()
plt.plot(range(1, num epochs + 1), acc, 'b', label='Training
plt.plot(range(1, num epochs + 1), val acc, 'r',
label='Validation acc')
plt.title('Training and validation accuracy')
plt.xlabel('Epochs')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.legend()
plt.show()
```