EA991 - Laboratório de Aprendizado de Máquina

Métodos tradicionais de classificação

Prof. Denis G. Fantinato Prof. Levy Boccato

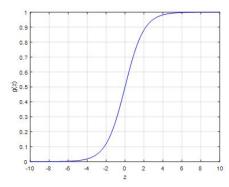


- Trata-se de uma abordagem de classificação que tenta promover a separação das classes com base em fronteiras de decisão lineares.
 - Originalmente é formulada para o caso de classificação binária, mas pode ser estendida para multi-classe.
- Caso binário: o modelo produz uma única saída por meio do seguinte mapeamento:

$$\hat{y}(\mathbf{x}) = \frac{e^{(w_0 + w_1 x_1 + \dots + w_K x_K)}}{1 + e^{(w_0 + w_1 x_1 + \dots + w_K x_K)}} = \frac{1}{1 + e^{-(w_0 + w_1 x_1 + \dots + w_K x_K)}}$$

Os coeficientes da combinação linear dos atributos de entrada são os parâmetros ajustáveis do modelo

• Função logística: $g(z) = \frac{1}{1 + e^{-z}}$

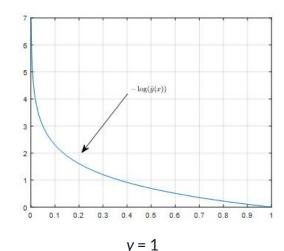


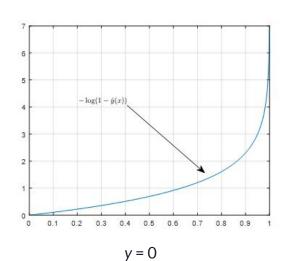
- A regressão logística aplica a função logística ao resultado da combinação linear dos atributos de entrada (mais um termo adicional). Como a saída gerada está sempre entre 0 e 1, ela é interpretada como a probabilidade de a entrada pertencer à classe positiva, para a qual a saída desejada é y = 1.
- A fronteira de decisão se manifesta quando há uma indeterminação, a saber, quando as probabilidades correspondentes às duas classes são iguais (ou seja, 0,5).

$$w_0 + w_1 x_1 + \dots + w_K x_K = 0$$
 Hiperplano

• Função de perda:

Para uma amostra
$$\rightarrow \text{Custo}(\hat{y}(\mathbf{x}); y) = \begin{cases} -\log \hat{y}(\mathbf{x}), & \text{se } y = 1 \\ -\log (1 - \hat{y}(\mathbf{x})), & \text{se } y = 0 \end{cases}$$





• Função de perda:

Reescrevendo a expressão: Custo
$$(\hat{y}(\mathbf{x}); y) = \underbrace{-y \log(\hat{y}(\mathbf{x}))}_{\text{Só exerce influência se } y=1} \underbrace{-(1-y) \log(1-\hat{y}(\mathbf{x}))}_{\text{Penaliza apenas se } y=0}$$

Entropia cruzada:

$$J_{CE}(\mathbf{w}) = -\frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N-1} y(i) \log \left(\hat{y}(\mathbf{x}(i)) \right) + (1 - y(i)) \log \left(1 - \hat{y}(\mathbf{x}(i)) \right)$$

• **Treinamento:** é feito com o auxílio de algoritmos iterativos que atualizam os parâmetros **w** à medida que os dados são apresentados ao modelo.

• Ideia base: gradiente descendente

$$\mathbf{w}_{i+1} = \mathbf{w}_i - \alpha \nabla J_e(\mathbf{w}_i)^T$$

• Cada iteração do algoritmo corresponde a uma atualização do vetor de parâmetros; uma *época* corresponde a uma apresentação completa do conjunto de amostras de treinamento.

Caso multi-classe:

A estratégia consiste em montar um modelo que produza Q saídas, tal que cada saída represente a probabilidade de cada padrão pertencer a uma classe específica. Isto pode ser feito a partir da função softmax.

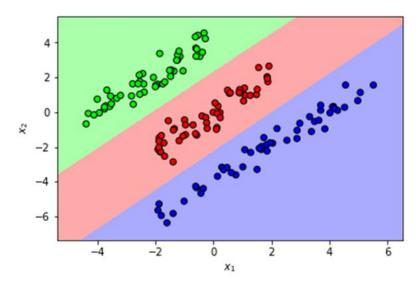
$$P(C_k|\mathbf{x}(i)) = \hat{y}_k(\mathbf{x}(i)) = \frac{e^{\left(\mathbf{\phi}(\mathbf{x}(i))^T \mathbf{w}_k\right)}}{\sum_i e^{\left(\mathbf{\phi}(\mathbf{x}(i))^T \mathbf{w}_i\right)}}$$

Propriedades:

$$\sum_{k=1}^{Q} \hat{y}_k(\mathbf{x}(i)) = 1$$

$$0 \le \hat{y}_k(\mathbf{x}(i)) \le 1$$
Preenche os requisitos de uma função probabilidade de massa

• Exemplo:



Fronteiras de decisão obtidas com a regressão logística para um problema com três classes linearmente separáveis

• **Regularização:** se refere a um conjunto de técnicas que buscam "frear" a flexibilidade do modelo a fim de reduzir as chances de ocorrer um sobreajuste aos dados de treinamento.

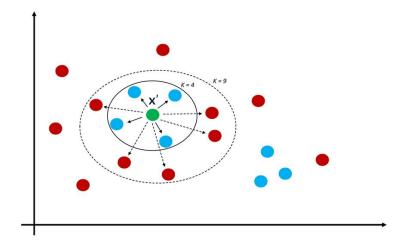
- Esquema típico: adição de um termo de penalização à função de perda que é proporcional à norma do vetor de parâmetros.
 - o Implementação no scikit-learn: https://scikit-learn.org/stable/modules/linear-model.html#logistic-regression

	penalty	r(w)
	None	0
$\min_{w} rac{1}{S} \sum_{i=1}^{n} s_i \left(-y_i \log(\hat{p}(X_i)) - (1-y_i) \log(1-\hat{p}(X_i)) ight) + rac{r(w)}{SC}$	ℓ_1	$\ w\ _1$
i=1	ℓ_2	$rac{1}{2}\ w\ _2^2 = rac{1}{2}w^Tw$
	ElasticNet	$rac{1- ho}{2}w^Tw+ ho\ w\ _1$

k-nearest neighbors

k-nearest neighbors (kNN)

- Trata-se de um dos métodos mais simples para abordar os problemas de classificação e regressão, sendo de natureza *não-paramétrica*, uma vez que não há parâmetros a aprender.
- **Ideia:** para cada nova amostra de entrada \mathbf{x} , a saída gerada pelo kNN depende das saídas associadas às k amostras de treinamento que estão mais próximas a \mathbf{x} no espaço de atributos.

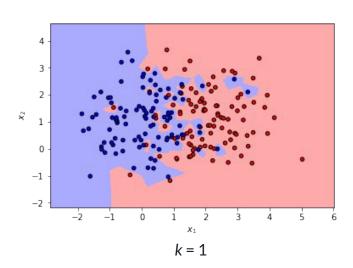


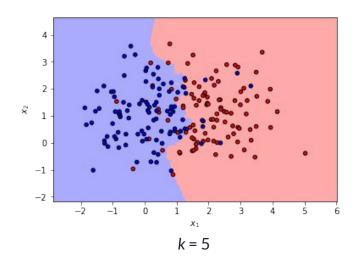
k-nearest neighbors (kNN)

- O uso do kNN envolve a definição de:
 - Uma métrica de distância a ser calculada no espaço dos atributos a fim de determinar os vizinhos mais próximos;
 - \circ Um valor para o parâmetro k, i.e., o número de vizinhos que são levados em consideração na geração da saída.
 - Uma estratégia de agregação das saídas (ou rótulos) dos k vizinhos mais próximos para determinar a resposta à nova entrada.
- No âmbito do problema de classificação, a saída do kNN pode ser simplesmente o voto majoritário dos *k* vizinhos mais próximos. Ou seja, um novo padrão x' é classificado como sendo pertencente à classe que contiver o maior número de vizinhos de x'.
 - É possível também atribuir pesos diferentes à contribuição de cada vizinho à decisão final; por exemplo, os pesos podem ser inversamente proporcionais às distâncias dos vizinhos ao padrão de entrada x'.

k-nearest neighbors (kNN)

• Exemplo:

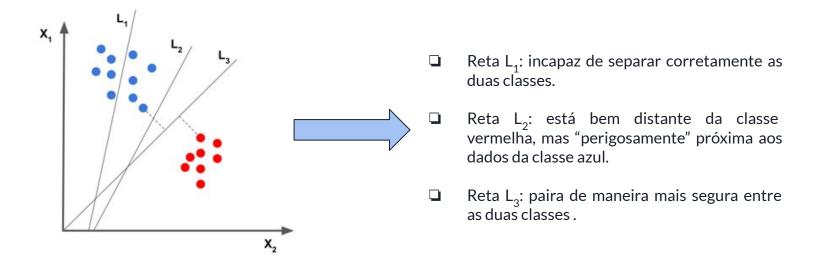




Fronteiras de decisão obtidas com o kNN para dois valores de k. À medida que k aumenta, a fronteira tende a ficar mais suave e menos regiões isoladas são criadas para cada classe.

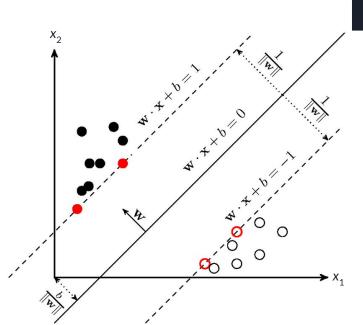
Máquinas de vetores-suporte

Problematização: considere um conjunto de amostras representadas por dois atributos, x_1 e x_2 , que pertencem a uma de duas classes que são linearmente separáveis.



- A preferência pela reta L₃ traz à tona a noção de que quanto maior for a folga entre a fronteira e as amostras conhecidas das duas classes, mais "protegido" estará o classificador para lidar com novas amostras de cada classe que eventualmente se aproximem da região correspondente à outra classe.
- Essa ideia está no cerne do projeto das SVMs e é formalmente conhecida como maximização da margem.
- Objetivo: projetar um classificador linear (i.e., um hiperplano de separação das classes) de máxima margem.





Maximizar a margem:

$$\min_{\mathbf{w},b} \frac{1}{2} \|\mathbf{w}\|^2 = \mathbf{w}^T \mathbf{w}$$

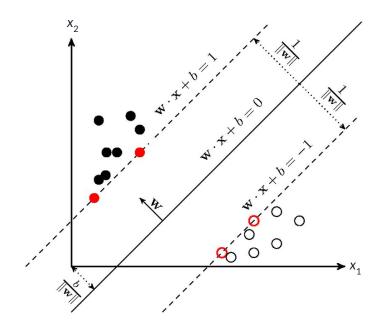
Restrição: separar corretamente as classes

- $\mathbf{w}^{\mathsf{T}} \mathbf{x}_{i} + b \ge 1$, se $y_{i} = 1$ $\mathbf{w}^{\mathsf{T}} \mathbf{x}_{i} + b \le -1$, se $y_{i} = -1$

Juntando as duas condições:

-
$$y_i(\mathbf{w}^T\mathbf{x}_i + b) \ge 1$$

• Formulação original:



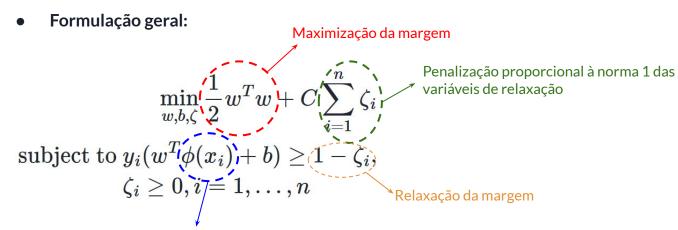
Problema dual

Maximizar
$$L(\boldsymbol{\alpha}) = \sum_{i=1}^{n} \alpha_i - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} \alpha_i \alpha_j y_i y_j \mathbf{x}_i^T \mathbf{x}_j$$

Sujeito a
$$\sum_{i} \alpha_{i} y_{i} = 0 \text{ e } \forall_{i=1}^{n} \alpha_{i} \geq 0$$

Extensões:

- Permitir a violação da margem e até mesmo erros de classificação nas amostras de treinamento.
 - Isto é realizado por meio da introdução de variáveis de relaxação, as quais devem ser minimizadas.
- Conceder ao modelo flexibilidade suficiente para gerar fronteiras não-lineares de separação das classes.
 - Isto é realizado através do uso de funções kernel para implicitamente mapear os dados para outro espaço de características no qual o problema de classificação se torne mais linear.



Problema primal

Dados mapeados para o espaço de características

Formulação geral:

Problema dual

$$\min_{lpha} rac{1}{2} lpha^T Q lpha - e^T lpha$$
 subject to $y^T lpha = 0$ $0 \leq lpha_i \leq C, i = 1, \ldots, n$

$$e = \left[\underbrace{1 \cdots 1}_{n \text{ vezes}}\right]$$

$$Q_{ij} \equiv y_i y_j K(x_i, x_j)$$

Truque do kernel

$$K(x_i, x_j) = \phi(x_i)^T \phi(x_j)$$



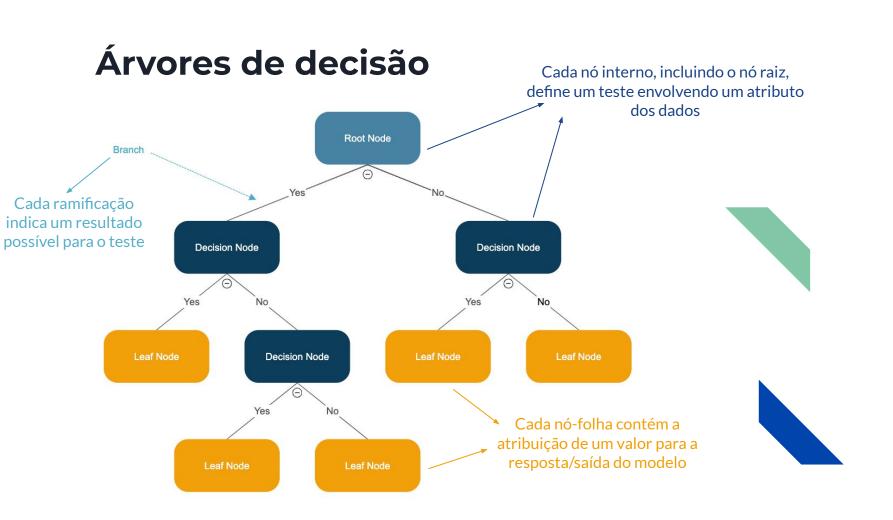
Trunfo: os produtos escalares no espaço de características podem ser diretamente obtidos, isto é, sem o uso explícito do mapeamento $\phi(\cdot)$, a partir do espaço original em que se encontram os dados.

• Uma vez resolvido o problema de otimização dual, a saída da SVM para uma nova amostra **x** é dada por:

$$\sum_{i \in SV} y_i lpha_i K(x_i,x) + b$$

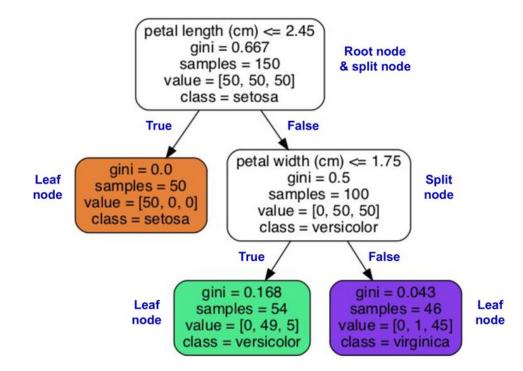
• Somente as amostras de treinamento para as quais $\alpha_i \neq 0$ realmente participam do modelo final. Essas amostras são chamadas de **vetores-suporte**.

Árvores de decisão e Random Forest



- As árvores de decisão são modelos não-paramétricos criados a partir de dados rotulados.
- Esse tipo de estrutura reflete uma forma intuitiva e bastante humana de analisar informações e tomar decisões, a qual se dá por meio de uma sequência de perguntas, em que a próxima pergunta é aplicada sobre um subconjunto diferente das amostras dependendo da resposta dada à pergunta anterior.
- O caminho percorrido desde a raiz até um nó-folha gera uma regra de decisão.

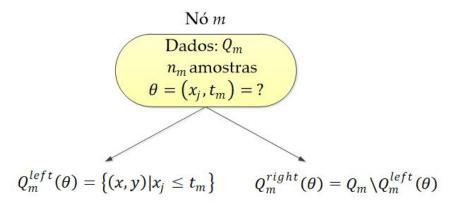
• Exemplo:



Como podemos derivar (induzir ou, como frequentemente mencionado na literatura, expandir (grow)) uma árvore de decisão a partir de um conjunto de amostras?

- Trata-se de um processo recursivo e guloso: em cada passo, há um subconjunto de amostras a considerar e é preciso escolher qual variável fará a divisão, bem como o valor do limiar para esse particionamento.
- Idealmente, estando em um determinado nó da árvore, gostaríamos de encontrar o teste isto é, o atributo e o valor (limiar) correspondente – que tornasse os subconjuntos de amostras para os dois nós subsequentes tão "puros" quanto possível.
- Impureza: expressa por uma métrica i(m) que deve ser nula quando todos os padrões que chegam ao nó m possuem o mesmo rótulo (i.e., pertencem à mesma classe), e deve assumir valores elevados se as classes estão igualmente representadas neste nó (o que significa que o teste não teve um bom poder de discriminação).

• Resumo do algoritmo CART:



Qualidade de um particionamento candidato no nó m: $G(Q_m, \theta) = \frac{n_m^{left}}{n_m} i \left(Q_m^{left}(\theta) \right) + \frac{n_m^{right}}{n_m} i \left(Q_m^{right}(\theta) \right)$

Problema: $\theta^* = \arg\min_{\theta} G(Q_m, \theta)$

• Medidas de impureza:

 \circ A proporção de amostras na região R_m , correspondente ao nó m, que pertencem à classe k é:

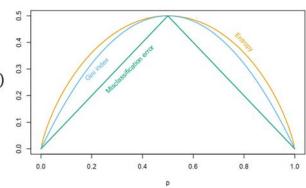
$$\hat{p}_{mk} = \frac{1}{n_m} \sum_{x_i \in R_m} I(y_i = k)$$

Índice de Gini:

$$i_{\mathrm{Gini}}(m) = \sum_{k \neq k'} \hat{p}_{mk} \hat{p}_{mk'} = \sum_{k=1}^{Q} \hat{p}_{mk} (1 - \hat{p}_{mk})$$

o Entropia:

$$i_{ ext{entropia}}(m) = -\sum_{k=1}^Q \hat{p}_{mk} \log \hat{p}_{mk}$$



Pontos pos	itivos
1	São fáceis de compreender e de interpretar - modelos "caixa-branca"
2	Quase não exigem preparação prévia dos dados, podendo lidar com atributos numéricos e categóricos, além de faltantes
3	A hierarquia dos atributos em uma árvore de decisão reflete a importância que cada um possui para a tarefa
4	O custo de inferência é logarítmico em relação ao número de amostras usadas para treinar a árvore

Pontos negativos

O processo de indução pode criar árvores excessivamente complexas que não generalizam bem

O processo de indução é suscetível ao desbalanceamento de classes, podendo criar árvores enviesadas caso haja uma classe dominante

O algoritmo de indução toma decisões localmente ótimas (isto é, para cada nó), mas não garante a obtenção da árvore ótima

Alta variância / Instabilidade: pequenas variações nos dados ou nos hiperparâmetros podem levar a grandes mudanças na estrutura da árvore obtida

Random Forest (RF)

 Trata-se de uma extensão que explora várias árvores de decisão combinadas em um comitê (ensemble).

Ideia:

- Cada árvore é induzida considerando um subconjunto de amostras do dataset escolhidas aleatoriamente com reposição (bootstrap).
- Em cada nó, o particionamento é definido por meio de uma busca exaustiva em um subconjunto aleatório de atributos.
- Essas duas fontes de aleatoriedade contribuem para reduzir a variância da floresta obtida.
 - Espera-se que os erros cometidos pelas diferentes árvores tenham baixo acoplamento.
 - Assim, ao considerar uma espécie de "média das predições", alguns erros são cancelados.

Random Forest (RF)

Training Data Sample size, N= 6, No. of features, F = 4)					
F1	F2	F3	F4	Υ	
2.1	0	400	-9	А	
3.0	1	890	-42	В	
2.2	1	929	0	В	
4.0	0	324	-23	А	
3.5	1	333	-15	А	
6.0	0	215	-9	А	

