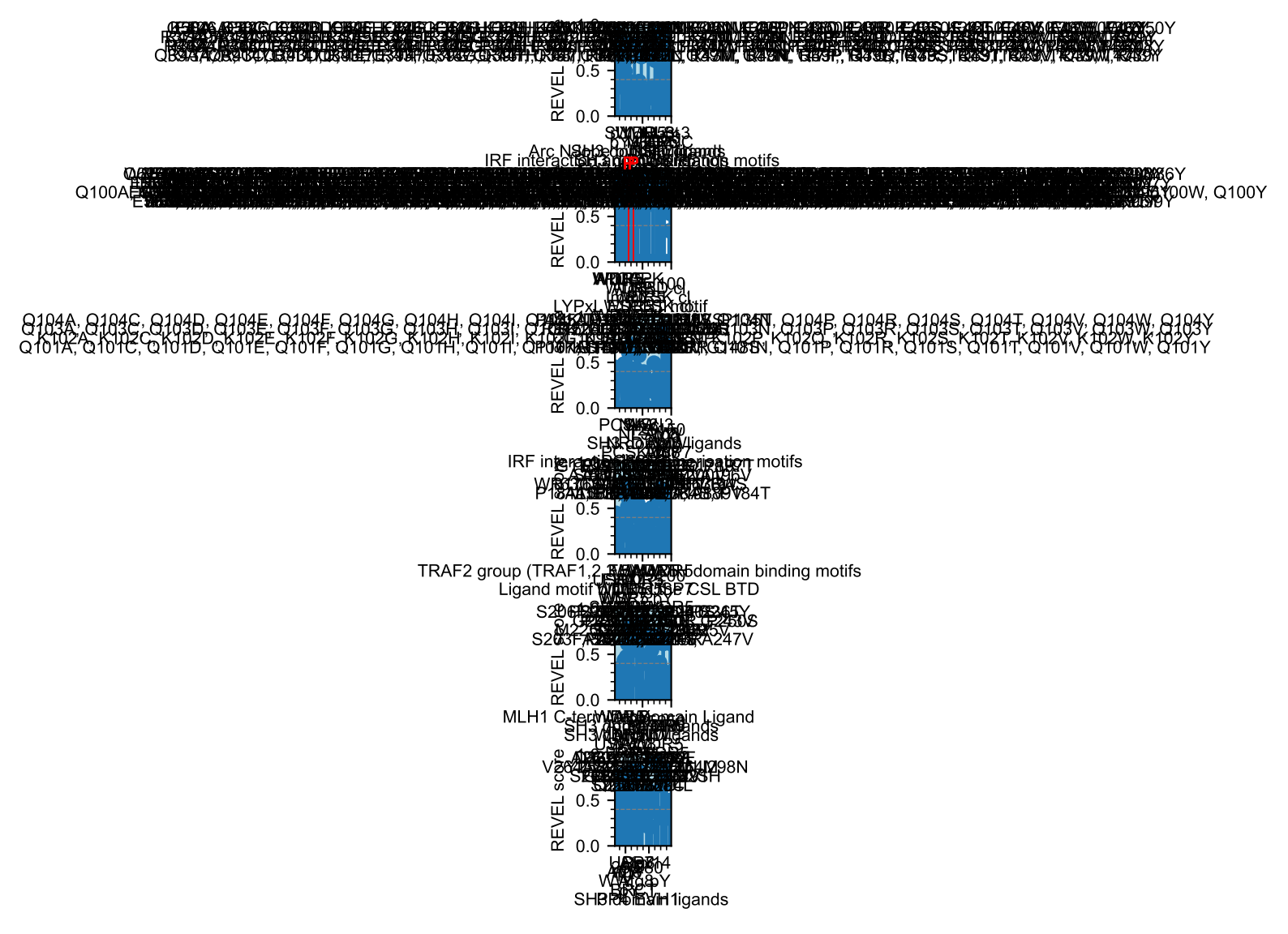
REVEL
0.5
0.0
Arc NSH2 domain binding motifs
IRF interaction Arg-rich motifs
Q100AE
Q100W, Q100Y
LYPxL motif
Q104A, Q104C, Q104D, Q104E, Q104F, Q104G, Q104H, Q104I,
Q104P, Q104R, Q104S, Q104T, Q104V, Q104W, Q104Y
Q101A, Q101C, Q101D, Q101E, Q101F, Q101G, Q101H, Q101I,
Q101P, Q101R, Q101S, Q101T, Q101V, Q101W, Q101Y
IRF interaction motifs
TRAF2 group (TRAF1,2,
domain binding motifs
Ligand motif
CSL BTD
MLH1 C-terminal domain Ligand
REVEL score