# 基于期望最大化 EM 算法估计混合高斯模型 GMM 参数

SY1906206 王阁元, SY1906407 罗薇, SY1906202 寄家豪

2020年4月24日

# 1 理论

EM 算法也称作期望最大化(Expectation-Maximization,简称 EM)算法,它是一种迭代算法,用于含有隐变量的概率模型**参数**的极大似然估计或极大后验概率估计。

# 1.1 极大似然估计

极大似然估计(Maximum likelihood estimation,简称 MLE)就是利用已知的样本结果(数据)信息,反推最**具有可能(最大概率)**导致这些样本结果(数据)出现的模型参数值。

考虑图 1,红色叉号表示数据点,这组数据上方有三个高斯分布。现在假设这组数据全部来自于同一个分布,那最有可能是哪一个分布呢?我们都知道,高斯分布的参数为  $\theta = \{\mu, \sigma\}$ ,那么问题其实可以表述为:图 1 中三个分布对应的三组参数里,哪组参数能够更好的解释数据?即哪组参数让这些数据样本出现的可能性最大?

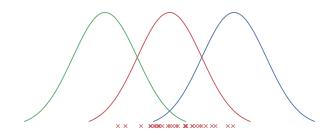


图 1: MLE 估计高斯分布参数

假设数据点表述为  $\mathcal{X} = \{x_1, x_2, \cdots, x_n\}$ ,且每个数据点之间都满足独立同分布条件,其概率密度函数为  $P(X = x | \theta)$ ,那么所有数据出现的概率就是

$$P(\mathcal{X}|\theta) = \prod_{i=1}^{n} P(x_i|\theta). \tag{1}$$

可以看到公式中数据  $\mathcal{X}$  是已知的,所以  $P(\mathcal{X}|\theta)$  是一个关于  $\theta$  的函数,通常被称作**似然函数**。

接下来就要寻找能够更好地解释这组数据的参数  $\theta$ , 即使得函数  $P(X|\theta)$  的值最大的  $\theta$ , 写作

$$\hat{\theta} = \arg\max_{\theta} \prod_{i=1}^{n} P(x_i|\theta). \tag{2}$$

要最大化一个函数的值,我们首先想到的一定是一阶导数为零。但是观察公式 (1),对于连乘的函数求导并不是一件容易的事情,于是考虑取对数简化运算。

这里有两点考虑:一方面,对数函数能够保持原函数的增减性,所以取对数前后函数的极值点保持一致;另一方面,对数函数能够变乘法为加法,大大降低了运算难度,也提高了数值的可识别性,比如概率累乘会出现数值非常小的情况(像 1e-30 这样的数值),很容易超出计算机的精度产生溢出错误,而取对数之后,计算机就很容易识别了(对 1e-30 取以 10 为底的对数得到-30)。于是对数似然函数便产生了,如公式(3),

$$\mathcal{L}(\theta|\mathcal{X}) = \log P(\mathcal{X}|\theta)$$

$$= \log \prod_{i=1}^{n} P(x_i|\theta)$$

$$= \sum_{i=1}^{n} \log P(x_i|\theta).$$
(3)

注意这里的对数似然函数写成  $\mathcal{L}(\theta|\mathcal{X})$  而不是  $\mathcal{L}(\theta)$ ,是因为待估计量(参数) $\theta$  是随着观测数据  $\mathcal{X}$  的变化而变化的。因此优化目标变为:

$$\hat{\theta} = \arg\max_{\theta} \sum_{i=1}^{n} \log P(x_i | \theta). \tag{4}$$

接下来便是对多维参数求偏导(若是一维参数则直接求导),然后令一阶导数为零,最后一一解出参数的估计值即可。

这里我们以高斯分布为例,进行参数的极大似然估计。

首先高斯分布的概率密度函数为

$$p(x) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} \exp\left(-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}\right),\tag{5}$$

假设数据为  $X=(x_1,x_2,\cdots,x_n)^T$ ,  $x_i\stackrel{\mathrm{iid}}{\sim}\mathcal{N}(\mu,\sigma^2)$ , 可以得到对数似然函数

$$\mathcal{L}(\mu, \sigma | X) = \sum_{i=1}^{n} \log P(x_i | \mu, \sigma)$$

$$= \sum_{i=1}^{n} \log \frac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} \exp\left(-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}\right)$$

$$= \sum_{i=1}^{n} \log \frac{1}{\sqrt{2\pi}} + \log \frac{1}{\sigma} - \frac{(x_i - \mu)^2}{2\sigma^2}.$$
(6)

然后用  $\mathcal{L}(\mu, \sigma|X)$  分别对参数  $\mu$  和  $\sigma$  求偏导并令其为零,因为比较容易,所以这里省略化简过程,最后可以得到参数的估计值:

$$\hat{\mu}_{MLE} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} x_i$$

$$\hat{\sigma}_{MLE}^2 = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (x_i - \mu_{MLE})^2.$$
(7)

不难发现,用极大似然估计的高斯分布  $\hat{\mu}$  为所有样本数据点的均值, $\hat{\sigma}^2$  为所有样本数据点方差。最后,简单总结一下极大似然估计参数的过程:

- i. 根据概率密度函数写出似然函数
- ii. 对似然函数取对数,整理表达式

- iii. 对表达式求一阶导, 令导数为零, 得到似然方程
- iv. 解似然方程,得到参数的估计值

# 1.2 隐变量

在 EM 算法的学习过程中,经常会看到一个词: **隐变量**(latent variable),它是相对于**观测变量**(obeservable variable)而言的,观测变量一般就指的是数据本身,那么隐变量到底是什么呢?其实就是未观测到的但是影响观测数据的变量。

下面我们举例进行解释。刚刚在极大似然估计的过程中存在一个假设: 所有的数据点来自于同一个分布。当然这个假设在直观上也是符合认知的,因为图 1 中的那组数据看起来确实像是从同一个高斯分布中抽取出来的。

但是并不是所有问题都符合这种假设,更多的是图 2 中的数据分布,如果我们依旧用单个高斯分布 去拟合,根据章节 1.1 中讨论过的极大似然估计的结果, $\hat{\mu}$ ( $\mu$  的估计值)为样本均值, $\hat{\sigma}^2$ ( $\sigma^2$  的估计值)为样本方差,因此就会出现图 2 中的情况。显然,这不是我们想要的。

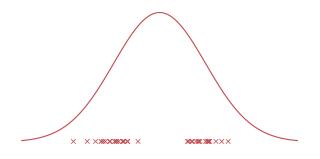


图 2: 单高斯拟合含有隐变量的数据

很容易想到:我们可以用两个高斯去拟合。这其实就是混合高斯模型的雏形,其模型思想很简单,如图 3 所示,当给出的样本是绿色的点时,就用绿色的高斯分布去拟合,当给出的样本是红色的点时,就用红色的高斯分布去拟合。

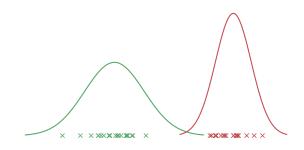


图 3: 混合高斯拟合含有隐变量的数据

于是,在这个模型中,每一个样本点的解释就分为两步:第一,这个样本来自于哪个高斯分布,第二,这个高斯分布的参数是什么。此时**隐变量**就出现了,它存在于第一步中,用于决定样本来自于哪个高斯分布。为了让模型更具一般性,假设有 K 个高斯分布,用  $z_k=1,2,\cdots,K$  来表示样本来自于哪个高斯

分布,参数  $\theta = \{\mu_1, \cdots, \mu_K; \sigma_1, \cdots, \sigma_K\}$  表示每个高斯分布的参数,那么模型就可以写作:

$$p(x|\theta) = \sum_{i=1}^{K} p(z_k) \mathcal{N}(\mu_k, \sigma_k)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{K} p(z_k) = 1,$$
(8)

即任意一个样本产生的概率既与决定该样本属于哪个分布的隐变量(此处为  $z_k$ )有关,也与产生该样本的分布(此处  $\mathcal{N}(\mu_k,\sigma_k)$ )有关。

如果将观测数据表示为  $X = (x_1, x_2, \dots, x_n)$ ,则观测数据的对数似然函数为:

$$\mathcal{L}(\theta|X) = \sum_{i=1}^{n} \log p(x|\theta)$$

$$= \sum_{i=1}^{n} \log \sum_{k=1}^{K} p(z_k) \mathcal{N}(\mu_k, \sigma_k).$$
(9)

考虑求模型参数  $\theta$  的极大似然估计,即

$$\hat{\theta} = \arg\max_{\theta} \mathcal{L}(\theta|X). \tag{10}$$

按照极大似然估计的步骤,我们应该给 $\mathcal{L}(\theta|X)$ 求偏导并令其为零,然后求解方程得到参数的估计值。

但是从公式 (9) 可以看到,由于**隐变量**的引入, $\mathcal{L}(\theta|X)$  的表达实里存在求和之后取对数的情况,这时想要求导并得到解析解几乎不可能,因此只有通过迭代的方法求解,而 EM 算法就是可以用于求解这个问题的一种迭代算法。

## 1.3 EM 算法

对于一个迭代算法而言,必须有一个迭代变量,同时也要建立起一个迭代关系,如公式 (11),从而 让计算机发挥运算速度快、适合做重复运算的优势来进行求解。

$$\theta^{(g+1)} = f\left(\theta^{(g)}\right). \tag{11}$$

既然 EM 算法是一种迭代算法,那么它的迭代变量和迭代关系分别是什么呢?通常会看到教科书或者网课上给出如公式 (12) 所示的迭代关系,其中,X 代表所有数据样本,Z 代表隐变量, $\theta$  是模型参数,其右上角的角标代表迭代轮数。

$$\theta^{(g+1)} = \arg\max_{\theta} \int_{Z} \log P(X, Z|\theta) P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ. \tag{12}$$

但是为什么是这样的迭代关系呢? 我们一步步来分析。

首先,假设迭代关系是对数似然函数,既然我们想要最大化它的值,那么就需要保证每一步迭代的 结果都比上一次更好,即证明

$$\mathcal{L}\left(\theta^{(g+1)}|X\right) \ge \mathcal{L}\left(\theta^{(g)}|X\right),\tag{13}$$

也可以将其展开,

$$\log P\left(X|\theta^{(g+1)}\right) \ge \log P\left(X|\theta^{(g)}\right). \tag{14}$$

可以看到,目前为止隐变量还没有出现,下面来看对数似然函数本身,我们结合贝叶斯公式引入隐变量 Z,试图简化计算,

$$\log P(X|\theta) = \log \left\{ \frac{P(X, Z|\theta)}{P(Z|X, \theta)} \right\}$$

$$= \log P(X, Z|\theta) - \log P(Z|X, \theta),$$
(15)

然后对其两边依照概率  $P(Z|X,\theta^{(g)})$  求期望,

$$\mathbb{E}_{P(Z|X,\theta^{(g)})}\left[\log P(X|\theta)\right] = \mathbb{E}_{P(Z|X,\theta^{(g)})}\left[\log P(X,Z|\theta)\right] - \mathbb{E}_{P(Z|X,\theta^{(g)})}\left[\log P(Z|X,\theta)\right],\tag{16}$$

将其写为积分的形式,由于  $\log P(X|\theta)$  中不含积分变量 Z,所以先将其提到积分运算之外,

$$\int_{Z} \log P(X|\theta) P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ = \int_{Z} \log P(X,Z|\theta) P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ - \int_{Z} \log P(Z|X,\theta) P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ 
\log P(X|\theta) \int_{Z} P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ = \int_{Z} \log P(X,Z|\theta) P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ - \int_{Z} \log P(Z|X,\theta) P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ,$$
(17)

因为变量空间中所有事件的概率和为 1, 即  $\int_Z P(Z|X,\theta^{(g)})dZ=1$ , 因此可以将上式化简为

$$\log P(X|\theta) = \underbrace{\int_{Z} \log P(X, Z|\theta) P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ}_{Q(\theta, \theta^{(g)})} - \underbrace{\int_{Z} \log P(Z|X, \theta) P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ}_{H(\theta, \theta^{(g)})}. \tag{18}$$

至此,我们有一个问题还没有考虑:为什么要依照概率  $P(Z|X,\theta^{(g)})$  求期望呢?  $P(Z|X,\theta^{(g)})$  代表了给定观测数据 X 和第 g 轮参数估计  $\theta^{(g)}$  下隐变量数据 Z 的条件概率分布,由于 Z 是未观测数据,是用于简化计算的辅助变量,所以必须保证它不能影响结果,也就是说在求第 g+1 轮的参数估计  $\theta^{(g+1)}$  时,必须保证在给定数据 X 的情况下, $\theta$  是唯一影响对数似然函数取值的因素,这就要求剔除 Z 的影响,因而对公式 (15) 依照概率  $P(Z|X,\theta^{(g)})$  求期望从而将 Z 消掉。

回到证明 EM 算法的收敛性上来,即证明公式 (14) 成立,结合公式 (18) 可将问题转化为证明下式成立:

$$Q\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) - H\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) \ge Q\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right) - H\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right). \tag{19}$$

不难发现,公式 (18) 中的  $Q\left(\theta,\theta^{(g)}\right)$  其实就是 EM 算法迭代函数中最大化的对象,结合它将公式 (12) 改写一下可以得到:

$$\forall \theta, Q\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) \ge Q\left(\theta, \theta^{(g)}\right). \tag{20}$$

也就是说,左边式子是个值,右边式子是个函数,而且不论右边式子中的变量  $\theta$  取任何值,都不会大于左边式子的值,因而左边式子的值是右边函数的最大值,所以当  $\theta = \theta^{(g)}$  时,上式依然成立,即

$$Q\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) \ge Q\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right). \tag{21}$$

接下来证明 H 项, 既然 Q 项已经满足公式 (21) 了, 那么如果 H 项能满足

$$H\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) \le H\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right). \tag{22}$$

我们就可以完成公式(19)证明了。要证明上式成立,我们也可以构造类似公式(20)的不等式,即

$$\forall \theta, H\left(\theta, \theta^{(g)}\right) \le H\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right). \tag{23}$$

如果这个式子成立,那么就可以同样的令  $\theta = \theta^{(g+1)}$  从而证明公式 (22) 成立。要证这个式子成立,需要 参考公式 (18) 和 Jensen 不等式,有

$$H\left(\theta, \theta^{(g)}\right) - H\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right)$$

$$= \int_{Z} \log P(Z|X, \theta) P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ - \int_{Z} \log P(Z|X, \theta^{(g)}) P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ$$

$$= \int_{Z} \log \frac{P(Z|X, \theta)}{P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right)} P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ$$

$$\leq \log \int_{Z} \frac{P(Z|X, \theta)}{P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right)} P\left(Z|X, \theta^{(g)}\right) dZ$$

$$= \log \int_{Z} P(Z|X, \theta) dZ$$

$$= \log 1$$

$$= 0$$

$$(24)$$

因而公式 (23) 是成立的,所以公式 (19) 得证。综上所述,EM 算法是会随着迭代的进行一步步收敛到极值的。

在公式 (24) 的证明中,出现不等式的那一步利用了所谓的 Jensen 不等式,简单来讲, Jensen 不等式描述了:在凸函数中(这里指下凸函数),函数的期望不小于期望的函数,或者说在凹函数中,函数的期望不大于期望的函数。

其实它很容易理解,如图 4 所示,可以看到,对于点 x1 和 x2,函数的期望为 p1\*f(x1)+p2\*f(x2),期望的函数为 f(p1\*x1+p2\*x2),显然,假设约束 p1+p2=1, p1>0, p2>0 一直满足,那么无论 p1 和 p2 如何变化, $p1*f(x1)+p2*f(x2) \leq f(p1*x1+p2*x2)$  总是成立,即函数的期望总是不大于期望的函数。

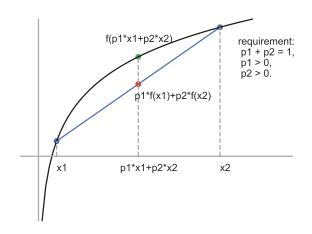


图 4: Jensen 不等式图示

结合公式 (24) 来说,这里的函数指的是  $\log(x)$ ,而对于连续的变量通常使用积分来替代期望,所以下式很容易成立,

$$\int_{Z} \log \frac{P(Z|X,\theta)}{P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right)} P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ \le \log \int_{Z} \frac{P(Z|X,\theta)}{P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right)} P\left(Z|X,\theta^{(g)}\right) dZ. \tag{25}$$

这样一来,公式(24)中后半部分的证明就顺利成章了。

其实,以上的推导也在一定程度上解答了另外一个问题:为什么不直接优化对数似然函数而是选择优化 Q 函数。因为在迭代时,要保证优化过程的收敛,就必须保证对数似然函数在逐步最大化,而对数似然函数由两部分组成,

$$\mathcal{L}(\theta|X) = Q\left(\theta, \theta^{(g)}\right) - H\left(\theta, \theta^{(g)}\right),\tag{26}$$

其中,可以证明 H 函数是逐步变小的,那么 -H 就是逐步变大的,所以要保证对数似然函数逐步变大,只要保证 Q 函数逐步变大即可,因此,既然可以通过优化形式相对简单的 Q 函数达到目的,那么就不必要在 EM 算法中优化整个对数似然函数了。

到这里,EM 算法的推导与收敛证明就告一段落了,下面给出 EM 算法的一般流程。

#### 算法 1 EM 算法

输入: 观测变量数据 X, 隐变量数据 Z, 联合分布  $P(X,Z|\theta)$ , 条件分布  $P(Z|X,\theta)$ ;

输出:模型参数  $\theta$ 。

1: 选择参数的初始值  $\theta^{(0)}$ , 开始迭代;

2: E 步: 记  $\theta^{(g)}$  为第 g 次迭代参数  $\theta$  的估计值,在第 g+1 次迭代的 E 步,计算

$$Q(\theta, \theta^{(g)}) = \mathbb{E}_{P(Z|X,\theta^{(g)})} \left[ \log P(X, Z|\theta) \right]$$

$$= \int_{Z} \log P(X, Z|\theta) P(Z|X, \theta^{(g)}) dZ.$$
(27)

这一步主要目的是计算  $P(Z|X,\theta^{(g)})$ ,它代表了给定观测数据 X 和第 g 轮参数估计  $\theta^{(g)}$  下隐变量数据 Z 的条件概率分布;

3: M 步: 求使  $Q(\theta, \theta^{(g)})$  极大化的  $\theta$ , 确定第 g+1 轮参数的估计值  $\theta^{(g+1)}$ 

$$\theta^{(g+1)} = \arg\max_{\theta} Q\left(\theta, \theta^{(g)}\right). \tag{28}$$

4: 重复第2步和第3步,直到收敛。

算法 1 中提到了收敛,那么到底什么时候才算收敛呢?通常会这么做,对于较小的正数  $\varepsilon_1, \varepsilon_2$ ,若满足

$$\left\|\theta^{(g+1)} - \theta^{(g)}\right\| \le \varepsilon_1 \quad or \quad \left\|Q\left(\theta^{(g+1)}, \theta^{(g)}\right) - Q\left(\theta^{(g)}, \theta^{(g)}\right)\right\| \le \varepsilon_2,\tag{29}$$

则迭代停止。

## 1.4 高斯混合模型

高斯混合模型(Guassian Mixture Model, 简称 GMM),为单一高斯概率密度函数的延伸,用多个高斯概率密度函数(正态分布曲线)精确地量化变量分布,是将变量分布分解为若干基于高斯概率密度函数(正态分布曲线)分布的统计模型。

以下分别用单高斯模型和混合高斯模型分析同一组样本点。图 5 使用单个二维高斯分布来描述数据,椭圆即为二倍标准差的正态分布椭圆。图 6 使用两个二维高斯分布来描述数据,分别记为  $\mathcal{N}(\mu_1, \Sigma_1)$  和  $\mathcal{N}(\mu_2, \Sigma_2)$ ,两个椭圆分别是这两个高斯分布的二倍标准差椭圆。

可以看到使用两个二维高斯分布来描述图中的数据显然更合理。实际上图中的两个聚类的中的点是通过两个不同的正态分布随机生成而来。如果将两个二维高斯分布为  $\mathcal{N}(\mu_1, \Sigma_1)$  和  $\mathcal{N}(\mu_2, \Sigma_2)$  合成一个

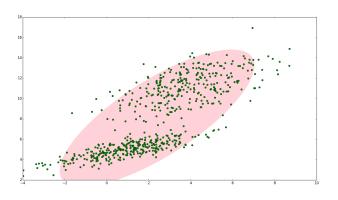


图 5: 单个二维高斯分布拟合数据

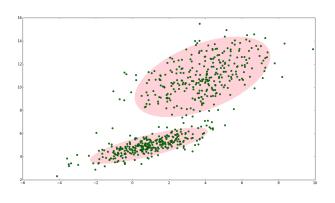


图 6: 两个二维高斯分布拟合数据

二维的分布,那么就可以用合成后的分布来描述图 6 中的所有点。最直观的方法就是对这两个二维高斯分布做线性组合,用线性组合后的分布来描述整个集合中的数据。

提出混合模型主要是为了能更好地近似一些较复杂的样本分布,通过不断增加单个分布的个数,可以任意地逼近任何连续的概率分布,所以我们认为任何样本分布都可以用混合模型来建模。为什么我们要假设数据是由若干个高斯分布组合而成的,而不假设是其他分布呢?实际上不管是什么分布,只要数量取得足够大,这个混合模型就会变得足够复杂,就可以用来逼近任意连续的概率密度分布。只是因为高斯函数具有良好的计算性能,所以 GMM 被广泛地应用。

GMM 与 k-means 类似,也是常见的聚类算法。不同的是,k-means 把每个样本点分配到其中某一个 cluster,而 GMM 是学习出一些概率密度函数,给出这些样本点分配到每个 cluster 的概率,每个单分布就是一个聚类中心,也称为软聚类。所以 GMM 不仅仅可以用于聚类,还可以用于概率密度的估计。

设有随机变量 X,则 GMM 的概率密度函数可以用下式表示:

$$p(x) = \sum_{k=1}^{K} p(k)p(x|k)$$

$$= \sum_{k=1}^{K} \pi_k \mathcal{N}(x|\mu_k, \Sigma_k).$$
(30)

其中  $\mathcal{N}(x|\mu_k, \Sigma_k)$  称为混合模型中的第 k 个组件 (component)。 $\pi_k$  是混合系数 (mixture coefficient),且满足  $\sum_{k=1}^K \pi_k = 1 (0 \le \pi_k \le 1)$ 。实际上,可以认为  $\pi_k$  就是每个分量  $\mathcal{N}(x|\mu_k, \Sigma_k)$  的权重。

根据式 (30) ,如果我们要从 GMM 分布中随机地取一个点,需要两步:第一,随机地在这 K 个组件之中选一个,每个组件被选中的概率实际上就是它的系数  $\pi_k$ ;第二,选中了组件之后,再单独地考虑

从这个组件的分布中选取一个点。

对一个样本集建立高斯混合模型的过程,就是根据已知样本集 X 反推高斯混合模型的参数  $(\mu, \sigma, \pi)$ ,这是一个参数估计问题。首先想到用最大似然的方法求解,也就是,要确定参数  $\mu, \sigma, \pi$  使得它所确定的概率分布生成这些样本点的概率最大,这个概率也就是似然函数,如下:

$$p(x) = \prod_{i=1}^{N} x_k. \tag{31}$$

而一般对于单个样本点其概率较小,多个相乘后更小,容易造成浮点数下溢,所以一般是对似然函数求对数,变成加和形式:  $\sum_{i=1}^{N} \ln p(x_i)$ 。这个叫做 log 似然函数,目标是要最大化它。用 log 似然函数对参数分别求偏导,令偏导等于 0,可求解得参数。然而,GMM 的 log 似然函数是如下形式:

$$\ln L(\mu, \sigma, \pi) = \sum_{i=1}^{N} \ln \sum_{k=1}^{K} \pi_k \mathcal{N}(y_n | \mu_k, \sigma_k).$$
(32)

可以看到对数中有求和,直接求导求解将导致一系列复杂的运算,无法求出这个对数似然函数的最大值,故考虑使用 EM 算法。

那么极大似然估计与 EM 算法分别适用于什么问题呢?如果我们已经清楚了某个变量服从的高斯分布,而且通过采样得到了这个变量的样本数据,想求高斯分布的参数,这时候极大似然估计可以胜任这个任务;而如果我们要求解的是一个混合模型,只知道混合模型中各个类的分布模型(譬如都是高斯分布)和对应的采样数据,而不知道这些采样数据分别来源于哪一类(隐变量),那这时候就可以借鉴 EM 算法。EM 算法可以用于解决数据缺失的参数估计问题(隐变量的存在实际上就是数据缺失问题,缺失了各个样本来源于哪一类的记录)。

EM 算法分两步,第一步先求出要估计参数的粗略值,第二步使用第一步的值最大化似然函数。因此要先求出 GMM 的似然函数。

考虑 GMM 生成一个样本点的过程,这里对每个  $\mathbf{x}_i$  引入隐变量  $\mathbf{z}$ ,  $\mathbf{z}$  是一个 K 维向量,如果生成  $\mathbf{x}_i$  时选择了第 k 个 component,则  $\mathbf{z}_k = 1$ ,其他元素都为 0, $\sum_{k=1}^K z_k = 1$ .

假设  $\mathbf{z}$  是已知的,则样本集变成了 X, Z,要求解的似然函数变成了:

$$p(X, Z | \mu, \sum, \pi) = \prod_{n=1}^{N} \prod_{k=1}^{K} \pi_k^{z_{nk}} \mathcal{N}(\mathbf{x}_n | \mu_k, \sum_k)^{z_{nk}}.$$
 (33)

log 似然函数为:

$$\ln p(X, Z | \mu, \sum, \pi) = \sum_{n=1}^{N} \sum_{k=1}^{K} \mathbf{z}_{nk} [\ln \pi_k + \ln \mathcal{N}(\mathbf{x}_n | \mu_k, \sum_k)].$$
(34)

可以看到,这次 ln 直接对 Gaussian 作用,求和在 ln 外面,所以可以直接求最大似然解了。

EM 算法估计 GMM 参数的过程如下:

1. 初始化一组参数  $\mu^0, \Sigma^0, \pi^0$ 

#### 2. E-step

然而,事实上 z 是不知道的,我们只是假设 z 已知。而 z 的值是通过后验概率观测,所以这里考虑用 z 值的期望在上述似然函数中代替 z。

对于一个样本点 x:

$$p(\mathbf{z}) = \prod_{k=1}^{K} \pi_k^{z_k}. \tag{35}$$

$$p(\mathbf{x}|\mathbf{z}_k = 1) = \mathcal{N}(x|\mu_k, \sum_k). \tag{36}$$

$$p(\mathbf{x}|\mathbf{z}) = \prod_{k=1}^{K} \mathcal{N}(\mathbf{x}|\mu_k, \sum_{k})^{z_k}.$$
 (37)

$$p(\mathbf{x}) = \sum_{z} p(\mathbf{z})p(\mathbf{x}|\mathbf{z})$$

$$= \sum_{k=1}^{K} \pi_k \mathcal{N}(\mathbf{x}|\mu_k, \sum_{k}).$$
(38)

后验概率 (固定  $\mu$ ,  $\Sigma$ ,  $\pi$ ):

$$p(\mathbf{z}|\mathbf{x}, \mu, \sum, \pi) = \frac{p(\mathbf{x}|\mathbf{z})p(\mathbf{z})}{p(\mathbf{x})} \mathbb{E} \mathbb{E} + \prod_{n=1}^{N} \prod_{k=1}^{K} [\pi_k \mathcal{N}(x_n|\mu_k, \sum_k)]^{z_{nk}}.$$
 (39)

因为  $\mathbf{z}_n$  之间是相互独立的。

计算  $\mathbf{z}$  期望  $\gamma(\mathbf{z}_{nk})$  ( $\mathbf{z}$  向量只有一个值取 1, 其余为 0):

$$\gamma(\mathbf{z}_{nk}) = E[\mathbf{z}_{nk}] 
= 0 * p(\mathbf{z}_{nk} = 0 | \mathbf{x}_n) + 1 * p(\mathbf{z}_{nk} = 1 | \mathbf{x}_n) 
= p(\mathbf{z}_{nk} = 1 | \mathbf{x}_n) 
= \frac{p(\mathbf{z}_{nk} = 1)p(\mathbf{x}_n | \mathbf{z}_{nk} = 1)}{p(\mathbf{x}_n)} 
= \frac{\pi_k \mathcal{N}(\mathbf{x} | \mu_k, \sum_k)}{\sum_{i=1}^{K} \pi_i \mathcal{N}(\mathbf{x} | \mu_i, \sum_i)}.$$
(40)

将 z 值用期望代替,则待求解的 log 似然函数 (34) 式变为:

$$E_z[\ln p(X, Z|\mu, \sum, \pi)] = \sum_{n=1}^{N} \sum_{k=1}^{K} \gamma(\mathbf{z}_{nk}) [\ln \pi_k + \ln \mathcal{N}(\mathbf{x}_n|\mu_k, \sum_{k})].$$

$$(41)$$

## 3. M-step

现在可以最大化似然函数求解参数了,首先对 $\mu$ 求偏导,令偏导等于0,可得:

$$\sum_{n=1}^{N} \sum_{k=1}^{K} \gamma(\mathbf{z}_{nk}) \sum_{k} (\mathbf{x}_{n} - \mu_{k}) = 0.$$
 (42)

$$\mu_k = \frac{1}{N_k} \sum_{n=1}^{N} \gamma(\mathbf{z}_{nk}) \mathbf{x}_n, \, \sharp \, \oplus N_k = \sum_{n=1}^{N} \gamma(\mathbf{z}_{nk}). \tag{43}$$

再对  $\sum_k$  求偏导,令偏导等于 0, 可得:

$$\sum_{k} = \frac{1}{N_k} \sum_{n=1}^{N} \gamma(\mathbf{z}_{nk}) (\mathbf{x}_n - \mu_k) (\mathbf{x}_n - \mu_k)^T.$$
(44)

接下来还需求解 $\pi$ ,注意到 $\pi$  需满足 $\sum_{k=1}^{K} \pi_k = 1$ ,所以这是一个带等式约束的最大值问题,使用拉格朗日乘数法。

构造拉格朗日函数:

$$L = \ln p(X|\pi, \mu, \sum) + \lambda (\sum_{k=1}^{K} \pi_k - 1).$$
 (45)

2 应用与实验 11

对  $\pi$  求导, 令导数为 0:

$$\sum_{n=1}^{N} \frac{\mathcal{N}(\mathbf{x}|\mu_k, \sum_k)}{\sum_{j=1}^{K} \pi_j \mathcal{N}(\mathbf{x}|\mu_j, \sum_j)} + \lambda = 0.$$
 (46)

两边同乘  $\pi_k$  得:

$$\sum_{n=1}^{N} \gamma(\mathbf{z}_{nk}) + \lambda \pi_k = 0. \tag{47}$$

$$N_k + \lambda \pi_k = 0. (48)$$

两边对 k 求和:

$$\sum_{k=1}^{K} N_k + \sum_{k=1}^{K} \lambda \pi_k = 0. (49)$$

$$N + \lambda = 0. (50)$$

可得:  $\lambda = -N$ 代入可得:  $\pi_k = \frac{N_k}{N}$ .

#### 4. 检查是否收敛

重复 E-step 和 M-step 两步, 直到收敛,即可求得一个局部最优解。

# 2 应用与实验

## 2.1 GMM 的应用场景

GMM 在实际应用中十分广泛,比如语音识别、图像生成、以及各种聚类。

在语音识别方面,早于 1995 年,Douglas A. Reynolds 和 R.C.Rose 就提出论文,基于 GMM 实现了独立于文本的语音识别。构成高斯混合的各个高斯分量用于对说话者的频谱从不同角度建模。他们在一个有 49 名讲话者的电话会议的语音上进行了测试,使用五秒的清晰语音即可获得 96.8% 的识别准确度,在 当时取得了极佳的效果。同年,Douglas A. Reynolds 将 GMM 在更大的测试集上进行了测试。在 TIMIT 和 NTIMIT 数据库上(630 位说话人)的闭集识别精度分别为 99.5%和 60.7%,在 Switchboard 数据集(113 位说话人)上的识别准确率为 82.8%。2000 年,Douglas A. Reynolds 和 Thomas F.Quatieri 以及 Robert B.Dunn 发表了论文。对已经在几个 NIST 语音识别评估(NIST Speaker Recognition Evaluations,SREs)中取得良好表现的语音识别模型的主要结构进行了描述,该模型由麻省理工学院林肯实验室开发,基于 GMM。

在计算机视觉方面,2004 年 Z. Zivkovic 提出了基于 GMM 的一种高效的自适应算法来进行背景提取,该模型可以不断更新参数,同时为每个像素选择适当数量的成分(component)。2005 年 Dar-Shyang Lee 试图提高自适应高斯混合的收敛速度而不影响模型的稳定性。他将全局静态保留因子(global static retention factor)替换为在每帧处为每个高斯分布计算的自适应学习速率。结果显示该方法在合成视频数据和真实视频数据上都有更好的表现。该方法还可以与背景提取的统计框架结合,得到更好的图像分割性能。

在聚类方面,在《基于高斯混合模型的层次聚类算法》一文中,作者提到计算高斯混合分布中每两个组成成分的重叠度,然后根据重叠的程度,即重叠率是否大于一个阈值,决定是否将两个分布合并。如果合并了,就重新更新均值和方差。再具体的生产应用中,GMM 算法可用于图像聚类以及文本聚类等任务。

2 应用与实验 12

# 2.2 实验创想

由于聚类任务是 GMM 算法的一大重要应用,在此我们选取图像聚类为导向,进行 GMM 算法的实验证。我们先计划使用比较简单的 MNIST 数据集,验证 GMM 算法在的聚类任务中的有效性。然后我们再选取一些彩色图像进行图像分割任务,从而让 GMM 的实用性得以体现。