## output: pdf\_document

```
library(shiny)
library(shinyWidgets)
library(DT)
library(plotly)
library(shinythemes)
shinyUI(
  navbarPage(
    # theme = shinytheme("slate"),
    title = "Evolution de la croissance des coraux", # Titre onglet 1
    tabPanel("Graphique", # Onglet principal 1
             # Sidebar : volet de gauche - Input
             sidebarPanel(
               uiOutput(outputId = "ID"),# Selection des ID a afficher
               uiOutput(outputId = "Ratio")
             ),
             # mainPanel : Volet de droite - Output
             mainPanel(
               tabsetPanel( # Sous-onglet
                 tabPanel("Sous-onglet 1 : Graphique",
                          plotlyOutput(outputId = "monplot"),
                          #sortie console
                          verbatimTextOutput(outputId = "boutures_mortes")),
                 tabPanel("Sous-onglet 2 : ")
               )
             )
    tabPanel("Tableau de donnee", # Onglet principal 2
             # sidebar : volet de qauche - Input
             sidebarPanel(
             ),
             # mainPanel : Volet de droite - Output
             mainPanel(
               tabsetPanel(
                 tabPanel("Beau tablo", DT::dataTableOutput("tableau"))
               )
             )
    )
  )
)
#
#
                                                                                 #
                 ,/.
#
#
                ,\//.
                                                                                 #
#
                 . V. `.
                                                                                 #
#
                                                                                 #
```

```
,'.: ;, `.
#
        10) | . . | (0|
        `._'; . :`_,' _,-.
#
                                                              #
       `-\ /,-===-.\ /-' --`
#
   #
#
#
# Application Shiny
# creer un graphique et un tableau a partir d'un fichier .csv
# les valeurs manquantes "NA" sont detecter comme etant des boutures mortes.
# Pour utiliser correctement l'application,
# il est important de respecter la syntaxe des noms des colonnes qui sont :
# | ID | weight | temp | salinity |
# Le format de la date doit etre de type :
# dd/mm/yyyy
# Il est equiement necessaire de commenter les lignes :
#cp_tablo[81:84, 2] <- "oublie"
#cp_tablo[16, 2] <- "a rejeter"
#botablo[81:84, 2] <- "oublie"
#botablo[16, 2] <- "a rejeter"
# Ces lignes sont specifiques a mon jeux de donnees
# Titre : Croissance des coraux
# Auteur : Jordan Benrezkallah
# Date debut : 04/03/2019
# Date fin : 06/05/2019
# Importation des librairies :
library(shiny)
library(ggplot2)
library(lubridate)
library(tidyverse)
library(dplyr)
library(plotly)
library(googlesheets)
SciViews::R
# library(scales)
# #Fonction de Raphael :
# source(file = "../R/fonctions.R")
# #Mes fonctions
# source(file = "../R/fonction.R")
```

```
# Importation de mes donnees (format csv)
#correction a faire : chemin relatif
\#tablo <- gdata::read.xls("~/shared/Github/coral\_growth001/data/raw/monBordel/tablo.xlsx")
tablo <- read.table("~/shared/Github/coral_growth001/data/my_data/tablogs.csv", header = TRUE, sep = ";
# GOOGLE SHEETS#
# tablo <- qs title("tablo")</pre>
# tablo <- gs_read(tablo)
# tablo
# Determination du nombre de ligne de tableau a utiliser
# /!\ Baser sur la premiere valeur NA rencontre dans la colonne "temp" /!\
# Fonction a ameliorer de facon a ne garder seulement les lignes completes (ID, weight, temp, salinity,
ma_derniere_ligne <- function(){</pre>
  a <- 0
  for (i in tablo$temp) {
   if (!is.na(i)) {
      a < -a + 1
    }
  }
  return(a)
}
# Extraction des 5 colonnes (id, weight, temp, salinity et date) jusqu'a la derniere
# ligne de la colonne "temp" du fichier .csv
tablo <- tablo[1:ma_derniere_ligne(), 1:5]
### Calcul du poids squelettique :
#a corriger : rho_aragonite
#P = Pression hydrostatique, elle vaut 0 a la surface
skeleton_weight <- function(S = tablo$salinity, T = tablo$temp, P = 0,</pre>
                             buoyant_weight = tablo$weight, rho_aragonite = 2930){
  rho_water <- seacarb::rho(S = S, T = T , P = P)</pre>
  skl_wgt <- buoyant_weight / (1 - (rho_water / rho_aragonite))</pre>
  skl_wgt <- round(skl_wgt, digits = 3)</pre>
  return(skl_wgt)
}
#Ajout de la colonne du poids squelettique
tablo <- mutate(tablo, skw = skeleton_weight())</pre>
# changer le type de l'ID de "int" a "factor"
tablo$ID <- factor(tablo$ID)</pre>
#changer le type (mode) de la date
tablo$date <- dmy_hm(tablo$date)
#parse_date_time(tablo$date, locale = locale("fr"), orders = "dmy HMS")
tablo$date <- as_datetime(tablo$date)</pre>
```

```
# arrondir la datetime a l'heure pres
# tablo$date <- round_date(tablo$date, "hour")</pre>
# Nombre de ID different
nbr_ID <- unique(tablo$ID)</pre>
#Je fais une copie pour pouvoir travailler dessus sans creer de probleme d'affichage
cp tablo <- tablo
botablo <- tablo
# affiche dans le tablo a presenter
botablo[81:84, 2] <- "oublie"
#la valeur de la bouture 16 est a rejeter
botablo[16, 2] <- "a rejeter"
#Remplace les valeurs manquantes par "Bouture morte"
botablo[is.na(botablo)] <- "Bouture morte"</pre>
#Tableau a afficher sur l'app Shiny :
botablo <- transmute(botablo,</pre>
                   ID = botablo$ID,
                   "Masse immerge (g)" = botablo$weight,
                   "Masse squelettique (g)" = skeleton_weight(),
                   "Temperature (c)" = botablo$temp,
                   "Salinite (g/L)" = botablo$salinity,
                   Date = botablo$date)
# Taux de croissance
tablo %>.%
 group_by(., ID) %>.%
 arrange(., date) %>.%
 mutate(., delta_date = difftime(date, date[1], units = "days" ),
        ratio = (skw - skw[1]) / skw[1] / as.double(delta_date)) -> tablo1
# a cause du group_by je ne peux pas modifier directement "tablo"
tablo <- mutate(tablo, ratio = tablo1$ratio)</pre>
#tablo$ratio[is.nan(tablo$ratio)] <- "HOHOH"</pre>
###-----###
### ----- Partie logique du serveur ------ ###
shinyServer(function(input, output, session) {
# -----Selection des ID------
# Recuperation de l'ID du fichier ui.R
 output$ID <- renderUI({</pre>
#Menu deroulant
   dropdown(
     checkboxGroupInput(inputId = "choix_id", label = NULL,
                       choices = c("All", "None", nbr_ID), selected = c("All")),
     width = "200px", size = "default", label = "ID",
```

```
tooltip = tooltipOptions(placement = "right", title = "Choix des ID")
  )
})
#-----Choix taux de croissance-----
output$Ratio <- renderUI({</pre>
    radioButtons(inputId = "choix_ratio", label = NULL,
                       choices = c("Masse squelettique", "Taux de croissance"),
                       selected = "Taux de croissance")
})
-----Output de mon graphique-----
output$monplot <- renderPlotly({</pre>
  #Filtrer les lignes par rapport a ce qui a ete selectionne
  if ("All" %in% input$choix_id) {
    updateCheckboxGroupInput(session, inputId = "choix_id", label = "select All",
                       choices = c("All", "None", nbr_ID), selected = c("All", nbr_ID)
  }
  if ("None" %in% input$choix id) {
    updateCheckboxGroupInput(session, inputId = "choix_id", label = "select All",
                            choices = c("All", nbr ID), selected = NULL
    )
  }
  else {
   tablo <- filter(tablo, tablo$ID %in% input$choix_id)</pre>
    yvar = tablo$skw
   y_nom_axe <- "Masse squelettique (g)"</pre>
  # Choix du taux de croissance
  if ("Taux de croissance" %in% input$choix_ratio) {
    #tutu <- filter(tutu, tutu$ID %in% input$choix_id)</pre>
   vvar = tablo$ratio
   y_nom_axe <- "Taux de croissance"</pre>
  # Tableau
  p <- ggplot(tablo, aes(x = tablo$date, y = yvar, colour = tablo$ID)) +</pre>
    geom_point(size = 2, show.legend = FALSE) + geom_line(show.legend = F) +
    xlab("Date") + ylab(y_nom_axe)
  #+ theme( axis.line = element_line(color = "darkgray", size = 2, linetype = "solid"))
  \#p + scale_x_date(labels = date_format("\%d-\%m-\%y"))
  #Pour remettre plotly, il faut changer : renderPlotly (server.R), plotlyOutput (ui.R) et decommente
  p <- ggplotly(p)</pre>
  ### Legende qui ne fonctionne pas, probleme d'attribution...
```

```
# Legende lorsque l'on passe son curseur :
   \# ma_legende <- paste("ID :", factor_ID, "\n", "Poids :", tablo$weight, "\n", "Date :", madate)
   # pp <- ggplotly(p)</pre>
   # pp <- style(pp, text = ma_legende, hoverinfo = "text")</pre>
 })
  #-----#
 output$boutures_mortes <- renderPrint({</pre>
   ### Cette partie sert a compter les boutures mortes
   #remplacer les weight de valeur NA des id 81 a 84 par "oublie"
   #cela va servir pour ne pas les compter dans les boutures mortes
   cp_tablo[81:84, 2] <- "oublie"</pre>
   #la valeur de la bouture 16 est a rejeter
   cp_tablo[16, 2] <- "a rejeter"</pre>
   #les 2 liques ci-dessous empeche la visualisation du graphique si je ne met pas cp_tablo
   ID_NA <- subset(cp_tablo, is.na(weight) == TRUE, ID)</pre>
   ID_NA <- unique(ID_NA)</pre>
   ID_NA <- ID_NA$ID</pre>
   #nombre de boutures mortes :
   nbr_bouture_morte <- length(ID_NA)</pre>
   #Taux de mortalite :
   Taux_mort <- round((nbr_bouture_morte / length(as.numeric(unique(cp_tablo$ID)))) * 100, digits = 1)</pre>
   cat("Nombre de bouture morte : ", nbr_bouture_morte, "\nma_derniere_ligne() :",
       ma_derniere_ligne(), "\n","\n", "\nTaux de mortalite : ",
       Taux_mort, "%", "\nID bouture morte : ", paste(ID_NA, collapse = ", "))
 })
  # -----Tableau-----Tableau-----
 output$tableau <- DT::renderDataTable({DT::datatable(tablo)</pre>
 })
})
```