Una implementación de alto rendimiento de agrupación espectral en plataformas CPU-GPU

INTRODUCCIÓN

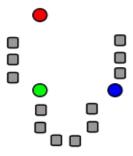
Presentamos una implementación híbrida del algoritmo de agrupamiento espectral que supera significativamente las implementaciones conocidas, la mayoría de las cuales son puramente basadas en CPUs multi-core.

- 1. Uso de la representación dispersa de los gráficos correspondientes y puede manejar extremadamente grandes tamaños de entrada y generar una gran cantidad de agrupaciones.
- 2. La implementación híbrida es altamente eficiente y es demostrado que hace un buen uso de los recursos disponibles. Nuestros resultados experimentales muestran un rendimiento superior relativa a la implementación de software científico común en CPUs multinúcleo.

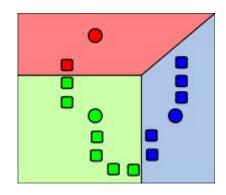
Algoritmo de Cluster

- Paso 1: Dado un conjunto de puntos de datos $x 1, x 2, ..., x n \in R$ y alguna medida de similitud s (x i, x j), construye un matriz de similitud dispersa W que captura similitudes entre los pares de puntos.
- Paso 2: Calcular el gráfico normalizado de la matrix Laplace como L n = D –1 L donde L es el gráfico no normalizado Matriz laplaciana definida como L = D W y P n D es el matriz diagonal con cada elemento D i, i = j = 1 W i, j.
- Paso 3: Calcular los k vectores propios de la gráfica de la matriz laplaciana L n correspondiente a la pequeña k valores propios distintos de cero.
- Paso 4: Aplicar el algoritmo de agrupamiento de k-means en las filas de la matriz cuyas columnas son las k; para obtener los clusters finales.

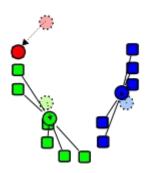
K-MEANS



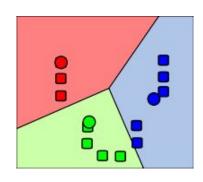
k centroides iniciales (en este caso k=3) son generados aleatoriamente dentro de un conjunto de datos (mostrados en color).



k grupos son generados asociándole el punto con la media más cercana. La partición aquí representa el diagrama de Voronoi generado por los centroides.



EL centroide de cada uno de los k grupos se recalcula.



Pasos 2 y 3 se repiten hasta que se logre la convergencia.

```
template<typename T>
int kmeans(int iterations,
          int n, int d, int k,
          thrust::device vector<T>& data,
          thrust::device vector<int>& labels,
          thrust::device vector<T>& centroids,
          thrust::device_vector<T>& distances,
          bool init from labels=true,
          double threshold=0.000001) {
   thrust::device vector<T> data dots(n);
  thrust::device vector<T> centroid dots(n);
   thrust::device vector<T> pairwise distances(n * k);
   detail::make_self_dots(n, d, data, data_dots);
   if (init from labels) {
       detail::find centroids(n, d, k, data, labels, centroids);
```

```
T prior distance sum = 0;
   int i = 0;
   for(; i < iterations; i++) {</pre>
       detail::calculate distances(n, d, k,
                                    data, centroids, data dots,
                                    centroid_dots, pairwise_distances);
       int changes = detail::relabel(n, k, pairwise distances, labels, distances);
       detail::find_centroids(n, d, k, data, labels, centroids);
       T distance sum = thrust::reduce(distances.begin(), distances.end());
       std::cout << "Iteration " << i << " produced " << changes</pre>
                 << " changes, and total distance is " << distance sum << std::endl;</pre>
       if (i > 0) {
           T delta = distance sum / prior distance sum;
           if (delta > 1 - threshold) {
               std::cout << "Threshold triggered, terminating iterations early" << std::endl;</pre>
               return i + 1;
       prior distance sum = distance sum;
   return i;
```

CONFIGURACIÓN

1. Instalación de Cuda.

Familia de procesador: Intel® Core™ i5-7xxx.

Diagonal de la pantalla: 15.6pulg.

Tarjeta de Video: NVIDIA GeForce GTX 1050

Memoria interna: 8 GB

Capacidad total de almacenaje: 1128 GB

Sistema operativo instalado: Windows 10 Home



- 1.`sudo dpkg -i cuda-repo-ubuntu1804-10-0-local-10.0.130-410.48_1.0-1_amd64.deb`
- 2. sudo apt-key add /var/cuda-repo-<version>/7fa2af80.pub
- 3. 'sudo apt-get update'
- 4. 'sudo apt-get install cuda'
- 5.sudo apt install nvidia-cuda-toolkit
- 6.nvcc --version



Instalación Arpackpp

git clone https://github.com/opencollab/arpack-ng

cd arpack.

Instalación Librerias.

- \$./install-openblas.sh
- \$./install-arpack-ng.sh
- \$./install-superlu.sh
- \$./install-suitesparse.sh

```
# Defining the machine.
PLAT
             = linux
# Defining the compiler.
CPP
             = g++
ARPACKPP DIR = $(HOME)/arpackpp -> Cambiar de direccion de acuerdo a su ubicación
ARPACKPP INC = $(ARPACKPP DIR)/include
#SUPERLU DIR = $(ARPACKPP INC)
SUPERLU DIR = $(ARPACKPP DIR)/external/SuperLU
UMFPACK DIR = $(ARPACKPP INC)
ARPACK LIB = $(ARPACKPP DIR)/external/libarpack.a
LAPACK LIB =
SUPERLU LIB = $(ARPACKPP DIR)/external/libsuperlu.a
BLAS LIB = $(ARPACKPP DIR)/external/libopenblas.a
FORTRAN LIBS = -lgfortran
SUITESPARSE DIR = $(ARPACKPP DIR)/external/SuiteSparse
UMFPACK LIB = $(SUITESPARSE DIR)/UMFPACK/Lib/libumfpack.a \
$(SUITESPARSE DIR)/CHOLMOD/Lib/libcholmod.a \
$(SUITESPARSE DIR)/COLAMD/Lib/libcolamd.a \
$(SUITESPARSE DIR)/CCOLAMD/Lib/libccolamd.a \
$(SUITESPARSE DIR)/metis-4.0/libmetis.a \
$(SUITESPARSE DIR)/CAMD/Lib/libcamd.a \
$(SUITESPARSE DIR)/AMD/Lib/libamd.a \
$(SUITESPARSE DIR)/SuiteSparse config/libsuitesparseconfig.a
CHOLMOD LIB = $(SUITESPARSE DIR)/CHOLMOD/Lib/libcholmod.a \
$(SUITESPARSE DIR)/COLAMD/Lib/libcolamd.a \
```

```
CUDA CPP = nvcc
CUDA ARCH ?= sm 35
include ../arpackpp/Makefile.inc
                                 -> Configuracion de direccion variable
CUDA FLAGS = -arch=$(CUDA ARCH) -Xptxas -v
CUDA LIBS = -lcublas -lcusparse
spectral_clustering: spectral_clustering.cu timer.o labels.o kmeans.h centroids.h
       $(CUDA_CPP) $(CPP_FLAGS) $(CUDA_FLAGS) -o spectral_clustering spectral_clustering.cu timer.o labels.o
$(ALL LIBS) $(CUDA LIBS)
labels.o: labels.cu labels.h
       $(CUDA_CPP) $(CPP_FLAGS) $(CUDA_FLAGS) -c -o labels.cu
timer.o: timer.cu timer.h
       $(CUDA_CPP) $(CPP_FLAGS) $(CUDA_FLAGS) -c -o timer.cu
```

CONFIGURACIÓN

Instalación FASTC

git clone https://github.com/yuj-umd/fastsc

cd fastsc

\$ make

\$./spectral_clustering input_file_name n k output_file_name

Para finalizar

\$./spectral_clustering input_file_name n k output_file_name

CONCLUSIONES

Combinando las interfaces del software tradicional basado en CPU.

Paquetes ARPACK y biblioteca CUDA basada en GPU.

Se logra una combinación logra buenos incrementos de velocidad en comparación con otros Software basado en CPU.

Implementamos una estrategia de siembra inteligente y utilizar las operaciones BLAS para implementar el rápido k-means de agrupamiento. Nuestra implementación se muestra a lograr una aceleración significativa en comparación con otros paquetes de software, especialmente para problemas a gran escala.

¡Gracias!

