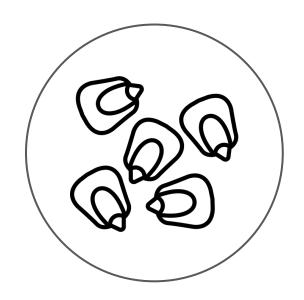




# Visión Computacional Presentación Final

Profesor: Analy Alfaro Alain Alejo



# **Integrantes**

**PUCP** 

Diego De Lama

Erika Tello

### Tema:

# Clasificación de Semillas de Maíz con Redes Neuronales Convolucionales

# Agenda



- 1. Problemática
- 2. Propuesta de Solución con Visión Computacional
  - 2.1. Tratamiento del dataset
  - 2.2. Clasificación de imágenes
  - 2.3.. Detección de objetos
- 3. Conclusiones y Recomendaciones

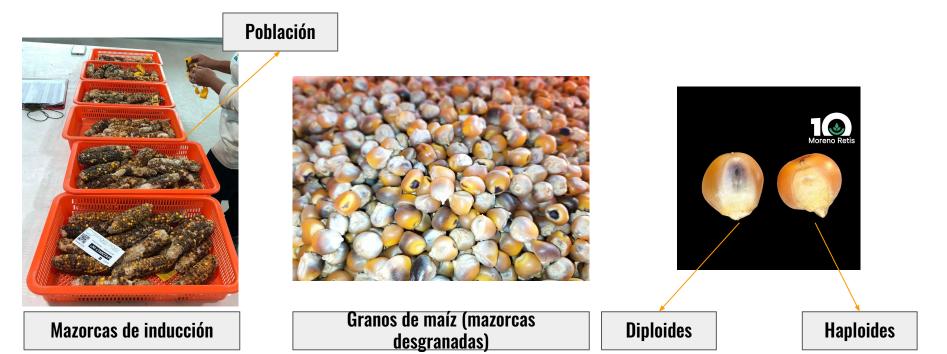


### 1. Problemática

## Contexto de la problemática



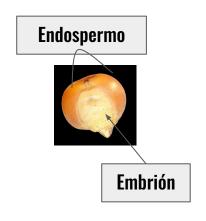
• Empresa dedicada a la producción de semillas de maíz y girasol.

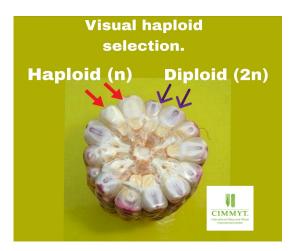


# ¿Cómo se diferencian los haploides de los diploides?



Diferencia en la marcación del embrión y el endospermo del grano de maíz. Un grano haploide (útil para los próximos procesos), debe tener una marcación en el endospermo y no debe tener marcación en el embrión.



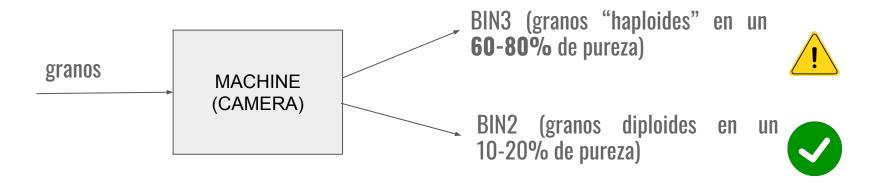




# ¿Cuál es el problema?



- Una población de 3 kilogramos puede tener cerca de 10,000 granos. De los cuales solo se desea seleccionar los granos haploides, ya que serán útiles para los próximos pasos del proceso.
- Los diploides son considerados descartes y están presentes en un 80%-88% del total de una población.



# ¿Cuál es el problema?



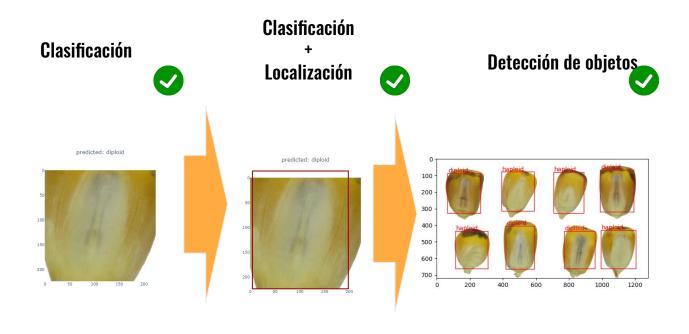
- Ese porcentaje de pureza del BIN3, ocasiona que en próximas etapas se siembre semilla que debe ser descartada, lo que ocasiona incremento de costos y desperdicios.
- ullet Las diferencias entre haploides y diploides son visuales ullet Se puede proponer un modelo de visión computacional.



# 2. Propuesta de Solución con Visión Computacional

# ¿Cómo procederemos?





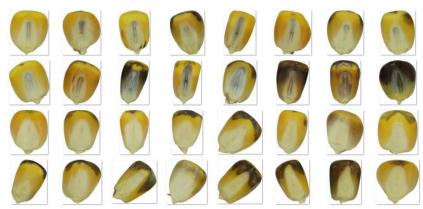


### 2.1. Tratamiento del Dataset

### Fuente de datos



- Haploid and Diploid Maize Seeds Dataset: incluye 3,000 imágenes etiquetadas.
  - 1,230 correspondientes a haploides
  - 1,770 correspondientes a diploides.



El dataset se dividió en train\_dataset (80%) y test\_dataset (20%).

# Transformaciones a las imágenes



Se aplicaron transformaciones a las imágenes del dataset.

- Resize  $\rightarrow$  255
- CenterCrop  $\rightarrow$  224
- Normalización



# 2.2. Clasificación de imágenes

### Redes neuronales evaluadas

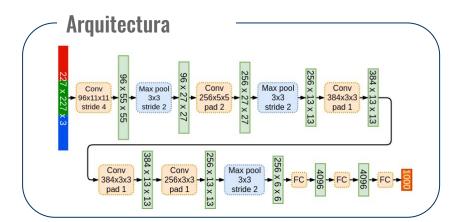


### **Técnica utilizada - Transfer learning**

- Se evalúa 5 modelos de clasificación preentrenados
- Se freezea los parámetros de 4 de los 5 modelos (no se realizan cambios en sus parámetros), excepto en la última capa.
- Se modifica la última capa
- Se entrenó 25 épocas



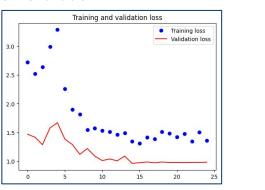
### **CNN con AlexNet**



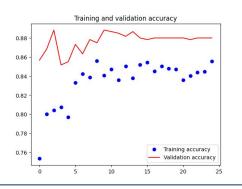
#### Cambios en el modelo

Modificación en la última capa, capa Linear de: in\_features=4096 out\_features=2 (correspondiente a las 2 categorías: haploide y diploide)



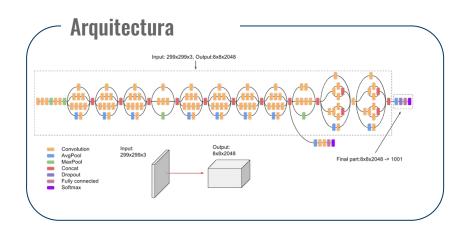


#### Gráfico de Precisión





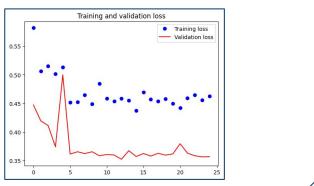
### **CNN** con Googlenet



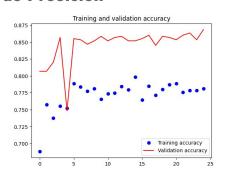
#### Cambios en el modelo

Modificación en la última capa, capa Linear de: in\_features=1024 out\_features=2 (correspondiente a las 2 categorías: haploide y diploide)



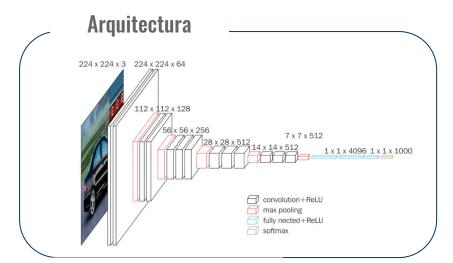


#### Gráfico de Precisión



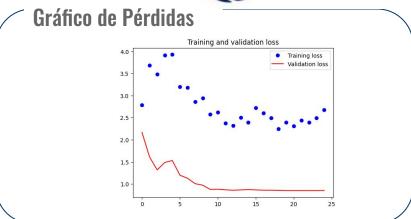


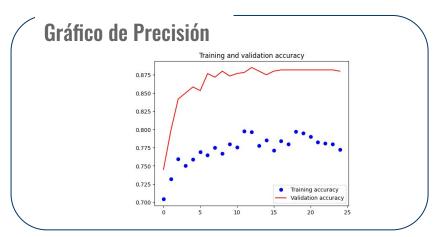
### **CNN con VGG Net**



#### Cambios en el modelo

Modificación en la última capa, capa Linear de: in\_features=4096 out\_features=2 (correspondiente a las 2 categorías: haploide y diploide)

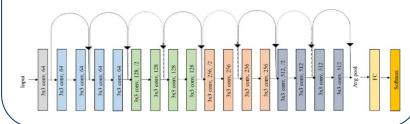






#### **Arquitectura**

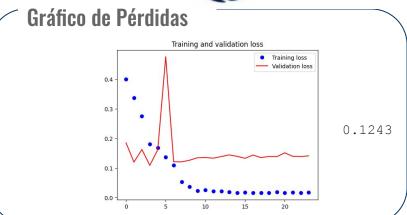
Variación de residual network, es una red neuronal convolucional con 18 capas densas.

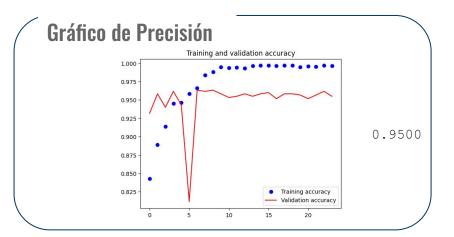


#### Cambios en el modelo

Modificación en la última capa, capa Linear de: in\_features=512 out\_features=2 (correspondiente a las 2 categorías: haploide y diploide)





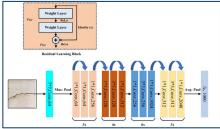




### **Transfer Learning con ResNet 50**

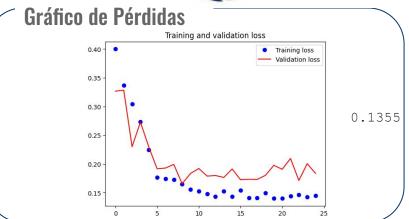
#### **Arquitectura**

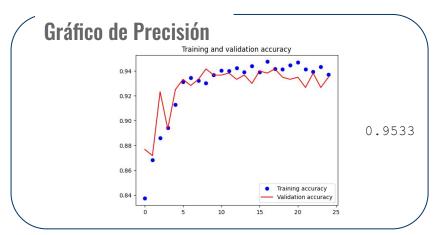
Variación de residual network, es una red neuronal convolucional con 50 capas densas.



#### Cambios en el modelo

Modificación en la última capa, capa linear de: in\_features=2048 out\_features=2 (correspondiente a las 2 categorías: haploide y diploide

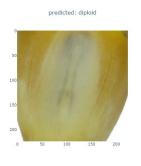


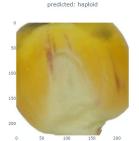


### Resumen



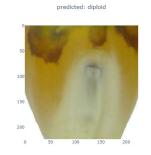
#### **Alexnet**

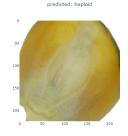




Best Val Accuracy: 88.8% Val Loss: 1.29

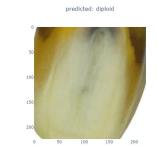
#### Googlenet

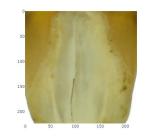




Best Val Accuracy: 85.2% Val Loss: 0.36

#### **VGGnet**

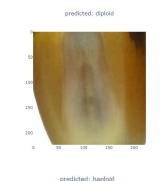


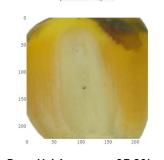


predicted: haploid

Best Val Accuracy: 87.52% Val Loss: 0.87

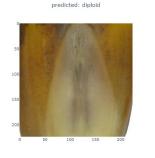
#### Resnet 18

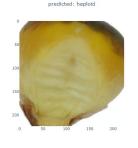




Best Val Accuracy: 95.0% Val Loss: 0.12

#### Resnet 50





Best Val Accuracy: 95.3%

Val Loss: 0.14



## 2.2. Detección de objetos

### Detección de semillas de maíz con Detecto



Colección de imágenes

Etiquetado de las clases

Instalación de paquetes

Aumentación de imágenes

Entrenamiento

Guardado y predicción del Modelo

gdown



**Train** (20)

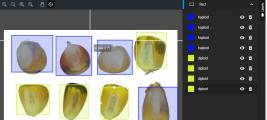
**Test (20)** 

Validación (20)



<object>

MAKESENSE AL







Faster R-CNN ResNet-50 FPN

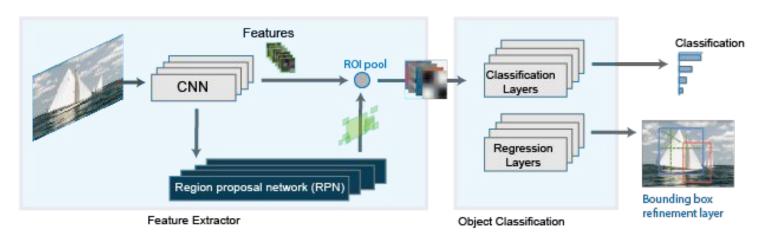
```
<name>haploid</name>
<pose>Unspecified</pose>
<truncated>0</truncated>
<difficult>0</difficult>
           <xmin>440</xmin>
           <ymin>431
           <xmax>608</xmax>
           <ymax>631</ymax>
</bndbox>
```

```
model=core.Model(['diploid', 'haploid'])
losses = model.fit(loader, Val dataset,
epochs=25, lr step size=5,
learning rate=0.001, verbose=True)
```

### **Arquitectura del Faster RCN Resnet 50 FPN**

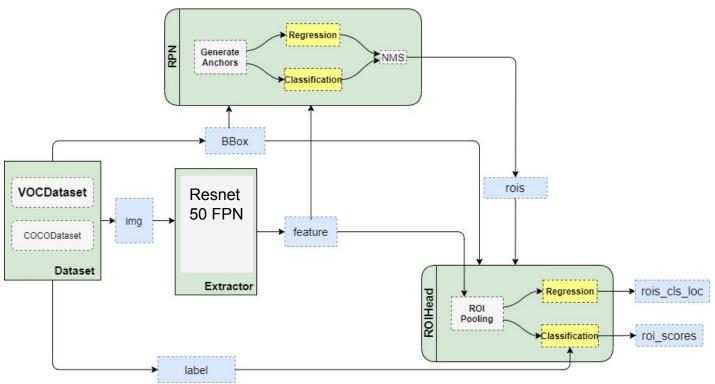


#### Faster RCN









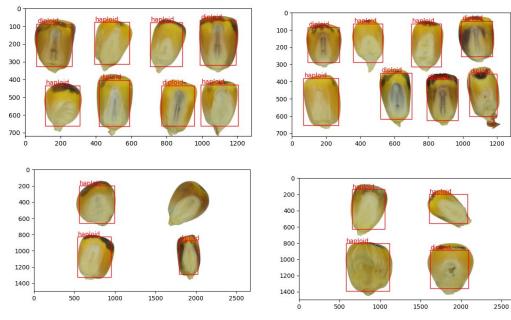
https://www.lablab.top/post/how-does-faster-r-cnn-work-part-i/



### **Resultados**



#### Definimos el Threshold=0.62 para los bounding boxes





### 3. Conclusiones y recomendaciones

# **Conclusiones y recomendaciones**



- Para mejorar el performance de los modelos preentrenados con redes convulocionales fue necesario 'freezear' las capas.
- En base a la experimentación con CNN y Transfer learning, podemos concluir que el mejor modelo, entre los cinco evaluados, es ResNet50, debido a que alcanza un mayor valor de accuracy (0.95) y un menor valor de pérdida.
- Como una solución al problema propuesto, se puede mejorar el algoritmo empleado por la máquina de selección de haploides. Este que permitirá una mejor clasificación de cada grano, siendo asignado a la categoría correcta: haploide o diploide.
- Para la detección de objetos usando el paquete *Detecto* es necesario tener el etiquetado de los objetos en formato XML cuidando el tamaño de los boxes.

### Referencias web



- https://subscription.packtpub.com/book/data/9781789956177/5/ch05lvl1sec13/introducing-alexnet
- https://towardsdatascience.com/review-fpn-feature-pyramid-network-object-detection-262fc7482610
- https://towardsdatascience.com/deep-learning-googlenet-explained-de8861c82765
- https://www.kaggle.com/code/blurredmachine/vggnet-16-architecture-a-complete-guide
- https://debuggercafe.com/object-detection-using-pytorch-faster-rcnn-resnet50-fpn-v2/
- https://deepsense.ai/region-of-interest-pooling-explained/
- https://blog.paperspace.com/faster-r-cnn-explained-object-detection/
- https://www.lablab.top/post/how-does-faster-r-cnn-work-part-ii/
- https://www.analyticsvidhya.com/blog/2021/06/simplest-way-to-do-object-detection-on-custom-datasets/

# ¡GRACIAS!