Detección de enfermedades en cultivos de tomate

Integrantes:

Joseph Fabián Basto Cuadros Juan José Bayona Sepúlveda







Problema

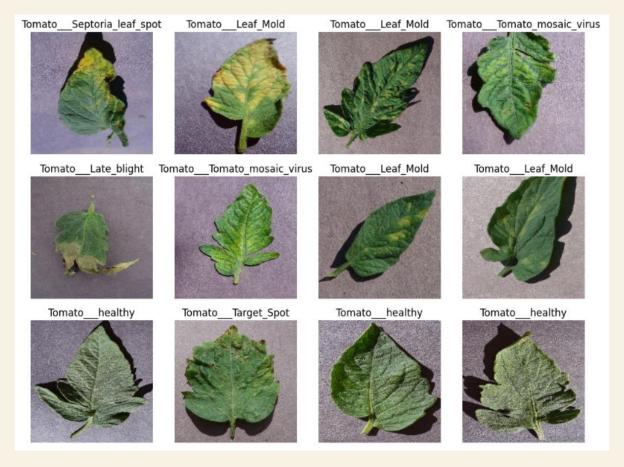
La producción de frutas, verduras, granos y otros son esenciales para el sostenimiento de la humanidad, pero la calidad de los alimentos que consumimos puede verse afectada por un mal manejo de los productos o por enfermedades en las plantas que los producen, por lo tanto, la detección de estas enfermedades es importante ya que nos permite tratar de manera adecuada a las plantas para asegurar la continua producción de alimentos y la salubridad en general. El objetivo es apoyar a los agricultores en garantizar la salud de los cultivos y detectar anomalías en estos.

Dataset

El dataset de PlantVillage es un conjunto de imágenes de hojas de plantas enfermas, recopiladas por David Hughes y su equipo de la Universidad Estatal de Pensilvania. El dataset contiene más de 54,000 imágenes de hojas de plantas enfermas, que representan 38 categorías de enfermedades de plantas diferentes, incluyendo manchas foliares, moho, tizón, marchitez y otras enfermedades. Las imágenes fueron tomadas en condiciones de iluminación y fondo variables, lo que las hace más desafiantes para la clasificación automática.

Del dataset se tomaron 10 clases para las hojas de tomate (1 de hojas sanas y 9 con enfermedades distintas) cada una con 1000 imágenes.

Dataset



Fuente: https://www.tensorflow.org/datasets/catalog/plant_village?hl=es-419

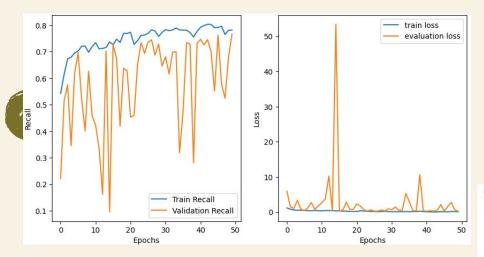
Tratamiento de datos y características generales

- Las imágenes contaban con una resolución de 256x256 pero fueron bajadas a 128x128.
- Se realizó una partición de datos de 70% para entrenamiento y 30% para el testeo.
- Se experimentó con tres redes distintas: una red convolucional proveniente del estado del arte, una red convolucional propia y un transfer learning a partir de una ResNet.
- Se optó por usar la métrica "recall" para cada una de las redes propuestas.
- Por último, se experimentó con la métrica "precision".

Estado del arte

```
2 model1 = tf.keras.Sequential([
      tf.keras.layers.Conv2D(32, (3, 3), activation='relu',padding="same", input shape=(Tam image, Tam image, 3)),
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
      tf.keras.layers.MaxPooling2D(3, 3),
      tf.keras.layers.Dropout(0.25),
      tf.keras.layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu',padding="same"),
 8
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
10
      tf.keras.layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu', padding="same"),
11
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
12
      tf.keras.layers.MaxPooling2D(2, 2),
13
14
      tf.keras.layers.Dropout(0.25),
15
16
      tf.keras.layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu', padding="same"),
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
17
18
19
      tf.keras.layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu',padding="same"),
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
20
21
      tf.keras.layers.MaxPooling2D(2, 2),
22
      tf.keras.layers.Dropout(0.25),
23
24
      tf.keras.layers.Flatten(),
      tf.keras.layers.Dense(1024, activation='relu'),
25
      tf.keras.layers.BatchNormalization(),
26
27
      tf.keras.layers.Dropout(0.5),
      tf.keras.layers.Dense(len(categorias), activation='softmax')
28
29])
31 model1.summary()
```

Resultados





0.9434629

```
Matriz de Confusión:

[[281 10 1 0 6 0 3 2 0 0]

[ 1 281 11 2 2 0 8 3 1 0]

[ 0 22 263 6 6 0 2 0 0 0]

[ 0 2 0297 2 2 0 0 2 1]

[ 0 3 2 9 303 0 2 0 1 0]

[ 0 0 0 1 0 267 15 0 0 0]

[ 0 0 1 1 2 16 272 0 3 1]

[ 3 1 0 0 1 3 0 297 0 0]

[ 0 1 0 0 2 0 0 0 280 0]

[ 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 280 0]

Precision: [0.98596491 0.878125 0.94604317 0.93987342 0.93518519 0.92708333 0.89768977 0.98344371 0.97560976 0.99326599]
```

Recall: [0.92739274 0.90938511 0.87959866 0.97058824 0.946875

0.91891892 0.97377049 0.98939929 0.99662162]

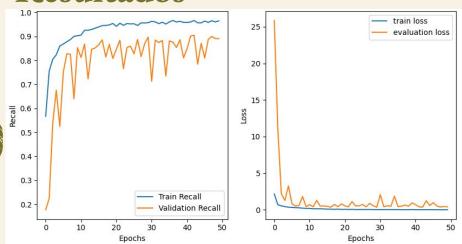
MeanRecall: 0.945601297320055



Modelo Planteado

```
model = tf.keras.Sequential([
    tf.keras.layers.Conv2D(filters=32, kernel_size=(3,3), activation='elu', kernel_initializer='glorot_uniform', bias_initializer='he_uniform', padding='same', input_shape=(Tam_image, Tam_image, 3)),
    tf.keras.layers.BatchNormalization(),
    tf.keras.layers.Conv2D(filters=32, kernel size=(3,3), activation='elu', kernel initializer='glorot uniform', bias initializer='he uniform', padding='same'),
    tf.keras.layers.BatchNormalization(),
    tf.keras.layers.MaxPooling2D(2),
    tf.keras.layers.Dropout(0.2),
    tf.keras.layers.Conv2D(filters=64, kernel_size=(3,3), activation='elu', kernel_initializer='glorot_uniform', bias_initializer='he_uniform', padding='same'),
   tf.keras.layers.BatchNormalization(),
   tf.keras.layers.Conv2D(filters=64, kernel size=(3,3), activation='elu', kernel initializer='glorot uniform', bias initializer='he uniform', padding='same'),
   tf.keras.layers.BatchNormalization(),
   tf.keras.layers.MaxPooling2D(2),
    tf.keras.layers.Dropout(0.2),
    tf.keras.layers.Conv2D(filters=128, kernel_size=(3,3), activation='elu', kernel_initializer='glorot_uniform', bias_initializer='he_uniform', padding='same'),
   tf.keras.layers.BatchNormalization(),
   tf.keras.layers.Dropout(0.2),
   tf.keras.layers.Conv2D(filters=128, kernel_size=(3,3), activation='elu', kernel_initializer='glorot_uniform', bias_initializer='he_uniform', padding='same'),
    tf.keras.layers.BatchNormalization(),
   tf.keras.lavers.MaxPooling2D(2),
   tf.keras.layers.Dropout(0.2),
   tf.keras.layers.Flatten(),
    tf.keras.lavers.Dense(128, activation='relu'),
    tf.keras.layers.Dense(len(categorias), activation='softmax')
model.summary()
```

Resultados





Matriz de Confusión:

[286 4 1 1 0 1 1 9 0 0]
[8 260 12 4 9 1 12 3 0 0]
[0 17 249 8 17 4 1 3 0 0]
[0 3 3 270 19 5 2 1 1 2]
[1 2 1 2 313 0 0 0 1 0]
[0 3 1 0 2 260 17 0 0 0]
[0 5 1 1 4 19 262 1 2 1]
[7 2 0 0 1 6 0 289 0 0]
[0 1 0 1 0 0 0 1 0 0 294]

Precision: [0.94701987 0.87542088 0.92565056 0.94076655 0.84594595 0.87542088 0.87333333 0.94444444 0.98545455 0.98989899]

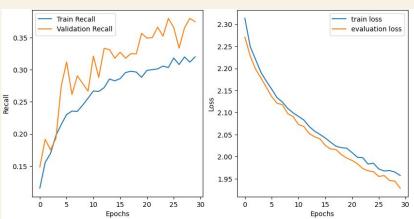
Recall: [0.94389439 0.84142395 0.83277592 0.88235294 0.978125 0.91872792 0.88513514 0.94754098 0.95759717 0.99324324]

MeanRecall: 0.918081664889208

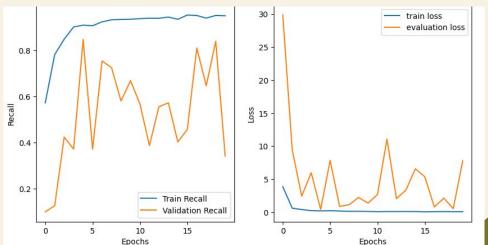


Transfer Learning

```
model_A = tf.keras.applications.ResNet50(input_shape=x_train[0].shape, weights='imagenet', include_top=False)
model A.trainable = False
model A.summary()
prediction layer = tf.keras.layers.Dense(len(categorias), activation='softmax')
flatten layer = tf.keras.layers.Flatten()
dropout layer = tf.keras.layers.Dropout(0.3)
global_average_layer = tf.keras.layers.GlobalAveragePooling2D()
model B on A = tf.keras.Sequential([
  model A,
  global average layer,
  dropout layer,
  prediction layer
learning rate= 0.001
opt = tf.keras.optimizers.Adam(learning rate=learning rate)
model B on A.compile(optimizer=opt, loss='categorical crossentropy',metrics=[mrecall metric.mean recall])
history = model B on A.fit(x train, y train, epochs=30,verbose=1, batch size=32,validation data=(x test, y test))
```



```
model A.trainable = True
print("Total layers of ResNet50:", len(model_A.layers))
for layer in model_A.layers[:int(len(model_A.layers) * 0.25)]:
    layer.trainable = False
print("Total trainable layers:", sum([1 for layer in model A.layers if layer.trainable]))
model B on A.summary()
len(model B on A.trainable variables)
opt = tf.keras.optimizers.Adam(learning rate=learning rate / 10)
model B on A.compile(optimizer=opt, loss='categorical crossentropy', metrics=[mrecall metric.mean recall])
# Entrenamiento descongelando el 75% restante
history = model B on A.fit(x train, y train, epochs=20, verbose=1, batch size=32, validation_data=(x test, y test))
                                                             30 -
                                                                                    train loss
                                                                                    evaluation loss
```



```
model A.trainable = True
print("Total layers of ResNet50:", len(model A.layers))
model B on A.summary()
len(model B on A.trainable variables)
opt = tf.keras.optimizers.Adam(learning rate=learning rate / 500)
model B on A.compile(optimizer=opt, loss='categorical_crossentropy', metrics=[mrecall_metric.mean_recall])
# Entrenamiento con todos los parámetros descongelados
history = model_B_on_A.fit(x_train, y_train, epochs=20, verbose=1, batch_size=32, validation_data=(x_test, y_test))
                      1.0
                                                                                          train loss
                                                               200
                                                                                          evaluation loss
                      0.8
                                                               150 -
                      0.6
                                                             S 100
                      0.4
                                                                50
                      0.2 -
                                               Train Recall
                                                Validation Recall
                                                                 0 -
                                   5
                                           10
                                                   15
                                                                            5
                                                                                    10
                                                                                            15
```

Epochs

Epochs

Resultados

```
Matriz de Confusión:
    4 272 14 3 4 5 7 0 0 0]
1 15 277 3 1 0 2 0 0 0]
1 2 2 295 3 0 1 2 0 0]
5 3 2 3 300 1 5 0 1 0]
0 3 0 0 0 272 8 0 0 0]
1 9 0 3 2 17 260 0 0 4]
                                             0 29211
Precision: [0.94237288 0.86624204 0.9295302 0.95469256 0.94637224 0.91582492
 0.89965398 0.98344371 0.99293286 0.98648649]
Recall: [0.91749175 0.8802589 0.9264214 0.96405229 0.9375 0.96113074
 0.87837838 0.97377049 0.99293286 0.98648649]
MeanRecall: 0.9418423302023692
```





Resultados usando la métrica "precision"

