Uitleg hoe ik GitHub heb gebruikt.

Tijdens mijn transcriptomics-project heb ik GitHub gebruikt om mijn data en analyses overzichtelijk te beheren. Ik heb gezorgd voor een duidelijke mappenstructuur waarin de ruwe data, verwerkte data, scripts, resultaten en literatuur logisch zijn georganiseerd. De accession-nummers van de ruwe data staan vermeld op mijn GitHub pagina, zo kunnen anderen gemakkelijk dit terug vinden en downloaden.

Mijn analyses die ik heb gedaan zijn vastgelegd in scripts die te zien zijn op GitHub. Doordat ik gebruik heb gemaakt van links kunnen anderen gemakkelijk deze bestanden vinden en wordt de reproduceerbaarheid van het onderzoek vergroot. Doordat mijn GitHub pagina goed gestructueerd is zou iemand die mijn github pagina opent zonder mijn hulp aan de slag.