Rapport : Analyse sémantique des images sur les maladies du manioc

Auteur : SABIDANI YENTEM ELISEE

May 16, 2024

Contents

1	Cha	hapitre 1: Etat de l'art			
	1.1	Définitions	3		
		1.1.1 L'analyse sémantique des images	3		
		1.1.2 Détection d'objets	3		
		1.1.3 Classification	3		
		1.1.4 Annotations d'images	3		
		1.1.5 Méthode d'apprentissage	3		
		1.1.6 Segmentation sémantique	3		
		1.1.7 Reconnaissance de scènes	3		
		1.1.8 Relation entre objets	3		
		1.1.9 Le Web sémantique	4		
		1.1.10 Rapport entre L'analyse sémantique des images et le Le Web sémantique	4		
	1.2	Annotation de Données	4		
		1.2.1 Definition	4		
		1.2.2 Méthode d'annotation	5		
		1.2.3 Outils d'annotation	5		
	1.3	Une ontologie	7		
		1.3.1 Rapport entre une ontologie et le web sémantique	7		
	1.4	Outils	7		
		1.4.1 Outils de modélisation ontologique	7		
2	Cha	apitre 2 : CONCEPTION	8		
	2.1	Introduction	8		
	2.2	Annotation	8		
	2.3	Mise en place de l'ontologie	8		
		2.3.1 Collecte d'information (Le Dataset)	9		
		2.3.2 Conceptualisation	14		
	2.4	Extraction des caractéristiques	16		
		2.4.1 Les descripteurs de couleur	16		
		2.4.2 Descripteur de Contour	17		
		2.4.3 Descripteur de Texture	17		
		2.4.4 Descripteurs des Symptômes des Feuilles	19		
		2.4.5 Analyse des Symptômes des Racines de Manioc	20		
		2.4.6 Analyse des Symptômes des Tiges de Manioc	21		
	2.5	Extension de l'Ontologie	22		
3	Imp	plementation	24		
4	Bib	oliographies	25		

1 Chapitre 1 : Etat de l'art

1.1 Définitions

1.1.1 L'analyse sémantique des images

L'analyse sémantique des images est un domaine de l'intelligence artificielle qui vise à comprendre le contenu visuel des images en leur attribuant des significations sémantiques. Contrairement à l'analyse basée uniquement sur des caractéristiques visuelles telles que la couleur, la texture ou la forme, l'analyse sémantique cherche à interpréter le contenu des images de manière similaire à la façon dont les humains le font.

1.1.2 Détection d'objets

L'analyse sémantique des images comprend la détection et la reconnaissance d'objets, tels que des personnes, des animaux, des véhicules, des bâtiments, des meubles, etc. Cela implique souvent l'utilisation de réseaux de neurones convolutionnels (CNN) et de modèles d'apprentissage profond pour localiser et identifier les objets dans une image.

1.1.3 Classification

Il s'agit d'attribuer des étiquettes ou des catégories sémantiques aux images en fonction de leur contenu. Par exemple, une image pourrait être classée comme "paysage", "portrait", "nourriture", "sport", etc. Les techniques de classification utilisent généralement des modèles de machine learning supervisés pour prédire la classe ou la catégorie d'une image.

1.1.4 Annotations d'images

Les annotations d'images consistent à ajouter des métadonnées ou des informations supplémentaires à une image. Ces informations peuvent inclure des balises, des descriptions, des régions d'intérêt, des catégories, des étiquettes, etc

1.1.5 Méthode d'apprentissage

Une méthode d'apprentissage pour la détection d'images fait référence à l'approche utilisée pour entraîner un modèle d'intelligence artificielle à reconnaître et localiser des objets dans des images.

1.1.6 Segmentation sémantique

Au-delà de la simple détection d'objets, la segmentation sémantique vise à attribuer des étiquettes sémantiques à chaque pixel de l'image, en les regroupant en régions correspondant à des objets ou des parties d'objets spécifiques. Cela permet une compréhension fine du contenu des images et est souvent utilisé dans des domaines tels que la vision par ordinateur médicale, la conduite autonome et la réalité augmentée.

1.1.7 Reconnaissance de scènes

Cette tâche consiste à identifier le contexte général ou la scène représentée dans une image. Par exemple, une image pourrait être reconnue comme une "feuille", une "arbre", un "forêt", etc. La reconnaissance de scènes nécessite une compréhension plus holistique du contenu de l'image et peut être réalisée à l'aide de modèles d'apprentissage automatique ou de réseaux de neurones.

1.1.8 Relation entre objets

En plus de détecter des objets individuels, l'analyse sémantique des images peut également viser à comprendre les relations spatiales et sémantiques entre ces objets. Par exemple, une image pourrait être analysée pour déterminer si deux personnes se tiennent la main, si un objet est sur un autre, etc. Cette capacité à comprendre les relations entre objets contribue à une compréhension plus profonde du contenu visuel.

En résumé, l'analyse sémantique des images vise à extraire des informations riches et significatives à partir du contenu visuel des images, ce qui permet de mieux comprendre et d'exploiter les données visuelles dans une variété d'applications, notamment la recherche d'images, la surveillance vidéo, la médecine, l'industrie, etc.

1.1.9 Le Web sémantique

Le Web sémantique est une extension du World Wide Web dans laquelle l'information est structurée de manière à être interprétable par les machines, permettant ainsi aux ordinateurs de comprendre le sens des données et des relations entre elles. Conçu pour rendre les contenus du Web plus intelligibles et exploitables par les machines, le Web sémantique repose sur l'utilisation de formats standardisés (comme RDF, OWL et SPARQL) pour représenter les connaissances de manière formelle et expressive. En utilisant ces standards, le Web sémantique vise à faciliter la recherche d'information avancée, l'intégration de données provenant de sources diverses, le raisonnement automatique et le développement d'applications intelligentes. En résumé, le Web sémantique vise à transformer le Web en une vaste base de connaissances interconnectée, où les données sont organisées et structurées de manière à être accessibles, compréhensibles et utilisables par les machines.

1.1.10 Rapport entre L'analyse sémantique des images et le Le Web sémantique

Le rapport entre le Web sémantique et l'analyse sémantique des images réside dans leur objectif commun de donner un sens aux données de manière structurée et interprétable par les machines.

— Représentation des connaissances :

- Le Web sémantique utilise des langages comme RDF et OWL pour représenter les connaissances de manière formelle et structurée.
- Dans l'analyse sémantique des images, les données visuelles extraites des images sont représentées de manière sémantique en utilisant des structures telles que des ontologies ou des modèles de données.

— Le Web sémantique :

- Le Web sémantique vise à donner un sens aux données sur le World Wide Web en utilisant des standards et des technologies pour définir des relations sémantiques entre les données.
- l permet l'interopérabilité des données et facilite leur partage et leur intégration entre différentes sources.

— L'analyse sémantique des images :

- L'analyse sémantique des images consiste à attribuer des significations sémantiques aux données visuelles, comme les objets, les scènes et les relations entre eux.
- Elle utilise les principes du Web sémantique pour interpréter le contenu des images de manière automatique et significative, permettant des applications avancées telles que la recherche d'images sémantique et la génération automatique de descriptions d'images.

1.2 Annotation de Données

1.2.1 Definition

L'annotation de données est le processus consistant à ajouter des métadonnées, des balises ou des étiquettes à des données, telles que des images, des vidéos, des textes, etc., afin de les rendre compréhensibles et utilisables par des systèmes informatiques, notamment des modèles d'apprentissage automatique. Ces métadonnées ajoutées fournissent des informations supplémentaires sur les données, telles que la classe d'un objet dans une image, la catégorie d'un texte, la séquence temporelle dans une vidéo, etc.



Figure 1: Illustration d'une annotation de donnée

1.2.2 Méthode d'annotation

Une méthode d'annotation se réfère à l'approche ou à la technique utilisée pour ajouter des informations ou des métadonnées à une image ou à un ensemble de données d'images. Ces informations peuvent inclure des balises, des étiquettes, des régions d'intérêt, des catégories, des contours, des points clés, etc., en fonction de la tâche spécifique à accomplir.

- Annotation manuelle : Les annotateurs humains ajoutent manuellement des balises ou dessinent des régions autour des objets d'intérêt dans les images à l'aide d'outils logiciels spécifiques.
- Annotation par points clés :Les annotateurs marquent des points clés ou des points caractéristiques sur des objets dans les images, ce qui est souvent utilisé pour la détection et la reconnaissance d'objets.
- Annotation par segmentation :Les annotateurs créent des masques ou des contours autour des objets dans les images pour délimiter les régions d'intérêt, ce qui est couramment utilisé pour la segmentation sémantique.
- Annotation par classification : Les annotateurs attribuent des étiquettes ou des catégories à des images entières ou à des parties spécifiques des images en fonction de leur contenu ou de leur classe.
- Annotation par localisation : Les annotateurs définissent des boîtes englobantes autour des objets d'intérêt pour indiquer leur emplacement et leur taille dans l'image, ce qui est utilisé pour la détection d'objets.

Ces méthodes peuvent être utilisées individuellement ou combinées en fonction des besoins de la tâche d'annotation spécifique.

1.2.3 Outils d'annotation

Les outils d'annotation sont des logiciels ou des plateformes utilisés pour marquer, identifier ou étiqueter des éléments spécifiques dans des données telles que des images, des vidéos ou des documents. Ces annotations comprennent généralement des informations telles que la localisation des objets, les contours, les classes d'objets, etc. L'annotation peut être effectuée manuellement par des opérateurs humains ou automatiquement à l'aide d'algorithmes d'apprentissage automatique. Les données annotées sont essentielles pour entraîner des modèles d'apprentissage automatique supervisés, car elles fournissent des exemples étiquetés sur lesquels le modèle peut apprendre à reconnaître et à interpréter des motifs. Voyons ensemble 10 solutions d'annotation automatique:

• LabelImg: LabelImg est un outil open-source qui permet d'annoter des images pour la détection d'objets. Il est simple à utiliser et offre la possibilité de définir des boîtes englobantes autour des objets à annoter. Il supporte plusieurs formats d'exportation, tels que XML pour le format Pascal VOC.

Exemple : Un chercheur en vision par ordinateur utilise LabelImg pour annoter des images de voitures afin de créer un ensemble de données pour entraîner un modèle de détection de voitures.

• LabelMe : LabelMe est une plateforme en ligne pour l'annotation d'images qui prend en charge la segmentation sémantique, la détection d'objets et d'autres tâches. Il permet également de générer des ensembles de données annotées pour l'apprentissage en profondeur.

Exemple: Une équipe de recherche utilise LabelMe pour annoter des images médicales afin de segmenter les tissus malins dans des scans de tomographie par ordinateur (CT) pour l'analyse de cancer.

• CVAT (Computer Vision Annotation Tool) : CVAT est une plateforme open-source pour l'annotation d'images et de vidéos. Il offre une interface utilisateur conviviale et prend en charge une variété de tâches d'annotation, y compris la détection d'objets, la classification d'images et la segmentation sémantique.

Exemple : Une entreprise utilise CVAT pour annoter des vidéos de surveillance afin de détecter et suivre automatiquement les mouvements suspects dans les environnements urbains.

• VGG Image Annotator (VIA): VIA est un outil open-source d'annotation d'images qui prend en charge divers types d'annotations, y compris les polygones, les boîtes englobantes et les points. Il est léger et facile à utiliser.

Exemple : Un chercheur en écologie utilise VIA pour annoter des images de caméras pièges afin de compter et d'identifier automatiquement les espèces animales dans différentes régions forestières.

• Labelbox : Labelbox est une plateforme d'annotation d'images qui offre des fonctionnalités avancées telles que la collaboration en temps réel, la gestion de projet et l'intégration avec des pipelines d'apprentissage automatique.

Exemple : Une start-up utilise Labelbox pour annoter des images satellites afin de cartographier et surveiller les cultures agricoles à grande échelle pour optimiser les rendements.

• COCO Annotator : COCO Annotator est un outil open-source conçu spécifiquement pour l'annotation d'images dans le format COCO (Common Objects in Context). Il est simple à utiliser et prend en charge la détection d'objets, la segmentation sémantique et la clé d'annotation.

Exemple : Une équipe de recherche utilise COCO Annotator pour annoter des images de rue afin de détecter automatiquement les panneaux de signalisation pour un projet de conduite autonome.

• Amazon SageMaker Ground Truth : Amazon SageMaker Ground Truth est un service cloud entièrement géré qui facilite l'annotation d'images à grande échelle grâce à l'utilisation de l'apprentissage automatique. Il permet également de valider et de contrôler la qualité des annotations.

Exemple : Une entreprise utilise Amazon SageMaker Ground Truth pour annoter des images médicales afin d'entraîner un modèle d'intelligence artificielle pour la détection automatique des anomalies dans les scans d'IRM.

• Supervisely : Supervisely est une plateforme d'annotation d'images qui offre des fonctionnalités avancées telles que la segmentation interactive, l'augmentation de données et l'intégration avec des outils d'apprentissage automatique.

Exemple : Une équipe de recherche utilise Supervisely pour annoter des images de drones afin de surveiller et de cartographier les changements environnementaux dans des zones forestières sensibles.

• OpenLabeling : OpenLabeling est un outil open-source d'annotation d'images qui permet de créer des ensembles de données pour l'apprentissage en profondeur. Il offre une flexibilité en termes de formats d'annotation et de types d'annotations pris en charge.

Exemple : Un groupe de passionnés utilise OpenLabeling pour annoter des images de poissons afin de développer un système de reconnaissance automatique des espèces de poissons pour la préservation marine.

• Microsoft VoTT (Visual Object Tagging Tool) : VoTT est un outil open-source développé par Microsoft pour l'annotation d'images et de vidéos. Il est extensible et peut être intégré à des pipelines d'apprentissage automatique.

Exemple: Une entreprise utilise Microsoft VoTT pour annoter des images de produits dans des catalogues en ligne afin d'automatiser le processus de recherche visuelle pour les clients.

1.3 Une ontologie

Une ontologie OWL (Web Ontology Language) est une représentation formelle et structurée de connaissances dans un domaine spécifique. OWL est un language de représentation des connaissances basé sur le Web, utilisé pour décrire les relations entre les concepts dans un domaine donné. Il est principalement utilisé dans le domaine de la gestion des connaissances, de la sémantique web et de l'intelligence artificielle.

Les ontologies OWL sont construites à l'aide de classes, de propriétés et d'individus. Les classes représentent des ensembles de choses ayant des caractéristiques similaires, les propriétés définissent les relations entre les classes et les individus, et les individus représentent des instances spécifiques de classes.

Les ontologies OWL permettent de formaliser les connaissances de manière à ce qu'elles puissent être interprétées par des machines, facilitant ainsi la recherche, la récupération et l'analyse des informations dans divers domaines d'application. Elles sont largement utilisées dans des domaines tels que la bioinformatique, l'ingénierie des connaissances, la gestion des ressources et bien d'autres encore.

1.3.1 Rapport entre une ontologie et le web sémantique

- Représentation des connaissances: Les ontologies sont des structures formelles qui définissent des concepts, des relations et des propriétés dans un domaine particulier. Elles permettent de représenter la connaissance d'un domaine de manière précise et structurée. Le Web sémantique fournit un ensemble de standards et de technologies (comme RDF, OWL et SPARQL) pour représenter et échanger ces ontologies sur le Web, permettant ainsi aux machines de comprendre et d'interpréter les données de manière plus intelligente.
- Interopérabilité des données : En utilisant des ontologies compatibles avec les standards du Web sémantique, il est possible de créer des données interopérables qui peuvent être partagées et intégrées entre différents systèmes et applications. Cela facilite l'échange de données entre les organisations, les domaines de connaissances et les communautés d'utilisateurs.
- Raisonnement automatique : Les ontologies permettent de définir des axiomes, des règles et des restrictions sur les données et les concepts d'un domaine. Le Web sémantique fournit des langages et des outils pour réaliser du raisonnement automatique sur ces ontologies, permettant ainsi de déduire de nouvelles connaissances à partir des informations existantes.
- Recherche d'information avancée : En utilisant les ontologies et les technologies du Web sémantique, il est possible d'améliorer la recherche d'information en permettant aux moteurs de recherche de comprendre le sens des données et des requêtes, plutôt que de se contenter de mots-clés. Cela ouvre la voie à des fonctionnalités de recherche plus avancées et plus précises.
- Applications intelligentes : La combinaison des ontologies et du Web sémantique permet de développer des applications intelligentes qui exploitent les connaissances formelles pour prendre des décisions, recommander des actions et fournir des services personnalisés. Par exemple, les assistants virtuels, les systèmes d'analyse de données et les systèmes d'aide à la décision peuvent bénéficier de cette approche.

1.4 Outils

1.4.1 Outils de modélisation ontologique

Il existe plusieurs outils permettant de créer une ontologie:

- TopBraid Composer: Un outil de modélisation des ontologies et de développement d'applications Web sémantiques, offrant des fonctionnalités avancées pour la création et la
- Semantic MediaWiki: Une extension de MediaWiki qui permet d'ajouter des annotations sémantiques aux pages Wiki, facilitant la création de bases de connaissances sémantiques collaboratives.
- **PoolParty:** Une plateforme de gestion des connaissances sémantiques qui permet la création, l'organisation et la publication d'ontologies et de bases de connaissances sémantiques.
- RDFLib Une bibliothèque Python pour travailler avec des données RDF, offrant des fonctionnalités pour la création, la manipulation et le stockage de graphes RDF dans des applications Python.
- Semantic Web Rule Language (SWRL):
- **GraphDB:** Une base de données de graphes RDF conçue pour stocker et interroger des données RDF à grande échelle, offrant des fonctionnalités avancées pour la gestion des données sémantiques.
- Protégé: Protégé est une plateforme de développement open source qui offre des fonctionnalités de modélisation et de gestion des ontologies. Il est largement utilisé dans le domaine de l'intelligence artificielle et du Web sémantique pour créer, éditer et visualiser des ontologies.

2 Chapitre 2 : CONCEPTION

2.1 Introduction

Dans cette section, nous nous pencherons sur la conception de notre outil d'annotation, en accordant une attention particulière au développement de l'ontologie. L'ontologie revêt une importance fondamentale au sein de notre système, car elle fournit une structure conceptuelle qui nous permet de représenter et de modéliser les connaissances spécifiques à notre domaine d'étude. Nous détaillerons le processus de création de l'ontologie en décrivant les différentes classes, propriétés et relations utilisées pour dépeindre les entités et les concepts clés. En outre, nous présenterons un processus d'annotation qui tire parti de l'ontologie pour guider et faciliter l'annotation des données en leur attribuant une signification sémantique.

2.2 Annotation

Le processus d'annotation est segmenté en plusieurs phases :

- Acquisition d'images de maniocs : Cette étape implique la collecte d'images illustrant les différentes affections et la santé des plants de manioc.
- **Prétraitement des images :** Avant d'entamer l'extraction des caractéristiques, il est généralement requis de prétraiter les images afin d'en améliorer la qualité. Cette phase comprend plusieurs opérations visant à optimiser les données visuelles.
- Extraction des caractéristiques : À ce stade, des algorithmes spécialisés sont employés pour extraire des informations pertinentes des images, en se fondant sur les divers symptômes associés aux maladies affectant le manioc.
- Annotation sémantique : Cette étape implique l'utilisation d'une ontologie pour annoter les caractéristiques extraites. Elle vise à enrichir le processus de détection des maladies et à appliquer des inférences basées sur l'ontologie pour accroître la précision de la détection.

2.3 Mise en place de l'ontologie

Dans le cadre de l'annotation sémantique, la mise en place d'une ontologie vise principalement à fournir une structure conceptuelle formelle pour représenter et organiser les connaissances spécifiques à un domaine donné. Voici quelques objectifs clés de l'utilisation d'une ontologie dans ce contexte :

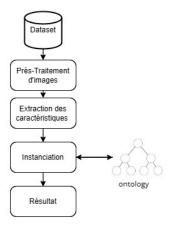


Figure 2: Illustration d'un processus annotation

- Structurer les connaissances: L'ontologie permet de définir des concepts, des classes, des propriétés et des relations qui représentent les entités et les concepts clés du domaine. Cela offre une structure organisée pour les données annotées, facilitant ainsi la recherche, l'analyse et la compréhension des informations.
- Normalisation et standardisation : En établissant des termes normalisés et des relations standardisées, une ontologie favorise la cohérence et l'interopérabilité des données annotées. Cela permet aux différents utilisateurs et systèmes de partager et d'échanger efficacement des informations.
- Enrichir la sémantique : L'ontologie attribue une signification explicite aux annotations en définissant des termes et des relations avec précision. Cela permet une compréhension plus approfondie des données et des processus, en offrant un contexte sémantique qui facilite l'interprétation et l'analyse.
- Guider le processus d'annotation : L'ontologie fournit un cadre de référence pour guider le processus d'annotation en spécifiant les concepts à annoter, les relations à établir et les contraintes à respecter. Cela contribue à assurer la cohérence et la qualité des annotations réalisées par les annotateurs.
- Faciliter l'inférence et l'analyse: En utilisant une ontologie, il est possible d'effectuer des raisonnements basés sur les relations définies entre les concepts. Cela permet d'inférer de nouvelles informations à partir des données annotées, d'identifier des corrélations et des tendances, et d'effectuer des analyses avancées sur les données.

En résumé, l'objectif principal de la mise en place d'une ontologie dans le cadre de l'annotation sémantique est de fournir un cadre formel et structuré pour représenter, organiser et interpréter les connaissances, ce qui contribue à améliorer la qualité, la cohérence et la valeur des données annotées.

2.3.1 Collecte d'information (Le Dataset)

Pour obtenir des informations sur les maladies du manioc, nous avons exploité diverses sources pour recueillir des données précises et fiables. Nous avons examiné des articles scientifiques spécialisés dans le domaine de l'agriculture ainsi que des rapports de recherche [*], [*], [*]. Ces ressources nous ont fourni des détails sur les différentes maladies que trouvons sur chez le manioc, ainsi que sur les symptômes, les causes et les traitements associés à chacune d'entre elles.

Dans cette étude, nous examinons comment utiliser des techniques spéciales pour comprendre et détecter les maladies du manioc à partir d'images des feuilles, des tiges ou des racines infectées.

La culture du manioc est confrontée à diverses menaces, notamment des maladies qui peuvent avoir un impact significatif sur la production et la qualité des récoltes. Parmi les maladies les plus préoccupantes[1], on trouve :

- Maladie de la Mosaïque du Manioc,
- Maladie de la Tache Brune du Manioc,
- Flétrissement Bactérien du Manioc,
- Acarien Vert du Manioc,
- Pourriture des Racines du Manioc,
- Anthracnose du ManiocAnthracnose du Manioc,
- Flétrissement Bactérien du Manioc,
- Maladie Rose du Manioc,
- Nanisme du Manioc
- Tache Foliaire du Manioc
- Nématode à Nœuds Radiculaires du Manioc
- Moucheron Blanc du Manioc
- Etc

Dans cette étude, nous nous concentrerons sur l'analyse sémantique des images pour détecter et comprendre ces maladies spécifiques du manioc. En s'inspirant des images données par notre enseignant, nous mettrons donc l'accent sur :

- Brûlure bactérienne (Bacterial Blight (CBB)),
- Maladie des stries brunes (Brown Streak Disease (CBSD)),
- Marbrure verte (Green Mottle (CGM)),
- Maladie de la mosaïque (Mosaic Disease (CMD)), Et les plantes en bonnes santés.

Grâce aux images de maladies fournies par notre enseignant, soit plus de 4 000 images, ainsi qu'à nos recherches sur [*], nous avons réussi à rassembler plus de 20 000 images.

Voyons en détail les maladies sur lesquelles nous avons décidé de baser notre étude.

2.3.1.1 Brûlure bactérienne (Bacterial Blight (CBB))

• Images:







(a) Bactérienne 1

(b) Bactérienne 2

(c) Bactérienne 3

Figure 3: Images de la brûlure bactérienne

• **Définition:** La brûlure bactérienne est caractérisée par l'apparition de taches nécrotiques, humides et brunes sur les feuilles du manioc.

- Cause: La brûlure bactérienne est une maladie causée par des bactéries qui affectent les plantes, provoquant l'apparition de taches nécrosées sur les feuilles, entraînant souvent le flétrissement, la mort des feuilles et une diminution de la vigueur de la plante.
- Symptôme: La bactériose du manioc se présente d'abord sous forme de petites taches humides sur les feuilles, qui deviennent ensuite de plus en plus grandes et brunissent le limbe. Les feuilles touchées finissent par flétrir, mourir et tomber. Ce problème est plus grave pendant la saison des pluies et affecte principalement les jeunes plants.
- Traitement: Le traitement de la bactériose du manioc peut impliquer l'utilisation de cultivars résistants, des pratiques culturales appropriées et, parfois, l'application de produits chimiques comme des pesticides.

2.3.1.2 Maladie des stries brunes (Brown Streak Disease (CBSD))

• Images:

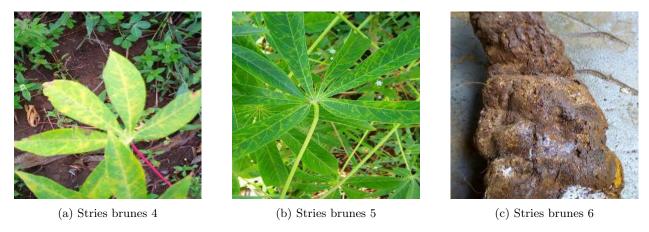


Figure 4: Images de la maladie des stries brunes

- **Définition:** Elle se caractérise par l'apparition de stries brunes sur les racines et les tubercules du manioc infecté, ce qui entraı̂ne une réduction de la qualité et de la quantité des récoltes.
- Cause: La Maladie des stries brunes, ou Brown Streak Disease (CBSD), est principalement causée par deux virus du groupe des potyvirus : le virus de la maladie des stries brunes de l'est (BSeMV) et le virus de la maladie des stries brunes de l'ouest (BScMV).
- Symptôme: La maladie des stries brunes se manifeste par des symptômes observables sur les feuilles, les tiges et les tubercules du manioc. Sur les feuilles, elle se caractérise par l'apparition de taches jaune-vert, plus prononcées sur les feuilles développées. Contrairement à la mosaïque, les feuilles touchées ne se déforment pas. Sur les tiges, des stries brun foncé ainsi que des lésions nécrotiques peuvent apparaître, principalement sur la partie supérieure verte. Les tubercules peuvent également être déformés, présenter des craquelures et une décoloration.
- **Traitement:** Le traitement de la maladie des stries brunes du manioc peut être difficile car il n'existe pas de méthode curative complètement efficace une fois que la plante est infectée. Cependant, plusieurs approches de gestion peuvent être utilisées pour réduire la propagation de la maladie et limiter ses effets sur les cultures :
 - —Utilisation de cultivars résistants : Sélectionner et cultiver des variétés de manioc qui sont résistantes ou tolérantes à la maladie peut aider à réduire la propagation de la maladie dans les cultures.
 - —Contrôle des vecteurs : La gestion des insectes vecteurs, tels que les pucerons, peut réduire la transmission des virus responsables de la maladie.

- —Pratiques culturales appropriées : Adopter des pratiques culturales telles que la rotation des cultures, la gestion de l'irrigation et la suppression des plantes infectées peut contribuer à réduire la propagation de la maladie dans les champs.
- —Utilisation de matériel de plantation sain : Utiliser des boutures de manioc exemptes de maladie pour la plantation peut aider à réduire la propagation de la maladie lors de la multiplication des cultures.

2.3.1.3 Marbrure verte (Green Mottle (CGM))

• Images:







(b) Marbrure verte 8



(c) Marbrure verte 9

Figure 5: Images de la marbrure verte

- **Définition:** La Marbrure verte (Green Mottle ou CGM) du manioc se caractérise par l'apparition de marbrures vert clair ou jaune-vert sur les feuilles infectées. Ces marbrures peuvent être irrégulières et s'étendre sur toute la surface des feuilles. Les symptômes sont généralement plus visibles sur la face supérieure des feuilles et peuvent varier en intensité selon le degré d'infection et les conditions environnementales.
- Cause: La Marbrure verte (Green Mottle ou CGM) du manioc est principalement causée par une infection virale. Le virus responsable de cette maladie est transmis par des insectes vecteurs, tels que les aleurodes (mouches blanches), qui se nourrissent de la sève des plantes infectées et propagent ainsi le virus à d'autres plantes saines.
- Symptôme: Les symptômes de la Marbrure verte (Green Mottle ou CGM) sur les feuilles du manioc se manifestent généralement par l'apparition de marbrures vert clair ou jaune-vert. Ces marbrures peuvent être irrégulières et se propager sur toute la surface des feuilles. Les feuilles affectées peuvent également présenter des déformations et un rabougrissement. Les symptômes peuvent varier en fonction de la gravité de l'infection et des conditions environnementales.
- Traitement: Le traitement de la Marbrure verte du manioc (Green Mottle ou CGM) est principalement axé sur la gestion des populations d'insectes vecteurs responsables de la transmission du virus. Voici quelques mesures de gestion qui peuvent être adoptées :
 - —Contrôle des insectes vecteurs : Utilisation de méthodes de lutte intégrée telles que l'utilisation de pièges, de filets anti-insectes et de produits phytosanitaires pour réduire les populations d'insectes vecteurs, comme les aleurodes.
 - —Cultivars résistants : Sélection et plantation de variétés de manioc résistantes ou tolérantes à la maladie, si disponibles.
 - —Rotation des cultures : Pratique consistant à alterner les cultures de manioc avec d'autres cultures non sensibles à la maladie pour réduire la pression des vecteurs et la propagation du virus.

—Élimination des plantes infectées : Enlever et détruire les plantes infectées dès l'apparition des symptômes pour réduire la source de l'inoculum viral dans les champs.

2.3.1.4 Maladie de la mosaïque (Mosaic Disease (CMD))

• Images:



Figure 6: Images de la maladie de la mosaïque

- Définition: La Maladie de la mosaïque du manioc se caractérise par l'apparition de motifs de mosaïque sur les feuilles des plants infectés. Ces motifs se présentent sous forme de zones de couleur verte et jaune irrégulières et distinctes.
- Cause: La mosaïque du manioc est causée par un virus qui s'introduit dans les feuilles et les tiges du manioc.
- Symptôme: La Maladie de la mosaïque du manioc est principalement causée par des virus, tels que le virus de la mosaïque du manioc (Cassava Mosaic Virus, CMV) et d'autres virus apparentés du groupe des begomovirus. Ces virus sont transmis par des pucerons vecteurs lorsqu'ils se nourrissent de la sève des plantes infectées.
- Traitement: Il n'existe pas de traitement curatif pour la Maladie de la mosaïque du manioc une fois que les plantes sont infectées par le virus. Cependant, plusieurs mesures peuvent être prises pour réduire les risques d'infection et limiter les dommages causés par la maladie :
 - —Utilisation de cultivars résistants : Planter des variétés de manioc qui sont génétiquement résistantes ou tolérantes à la Maladie de la mosaïque du manioc peut aider à réduire la propagation de la maladie dans les cultures.
 - —Contrôle des vecteurs : Mettre en place des mesures de contrôle des pucerons vecteurs, tels que l'utilisation de pièges, de filets anti-insectes et de produits phytosanitaires, peut aider à réduire la transmission du virus.
 - —Pratiques culturales appropriées : Adopter des pratiques culturales telles que la rotation des cultures, la gestion de l'irrigation et l'élimination des mauvaises herbes peut contribuer à réduire la pression des vecteurs et la propagation du virus.

Quand nous examinons une image de manioc affecté par une maladie, nous remarquons que cette image présente les aspects suivants : la forme, la teinte, la texture et des perforations. Explorons de manière approfondie ces caractéristiques :

• Couleur : Il s'agit de la teinte ou de la couleur dominante présente dans l'image. La couleur peut fournir des informations sur l'état de santé de la plante, par exemple des taches jaunes ou brunes indiquant une maladie.

- Contour : Les contours se réfèrent aux limites et aux formes des objets présents dans l'image. Cela inclut des caractéristiques telles que la surface, le périmètre, la largeur et la hauteur. Les contours peuvent aider à identifier les formes et les structures des feuilles, des racines ou d'autres parties de la plante, permettant ainsi de détecter des anomalies comme des déformations ou des excroissances.
- Texture : La texture se réfère aux variations dans la structure de surface de l'image. Cela peut inclure des motifs ou des arrangements de pixels qui indiquent des caractéristiques spécifiques, comme la rugosité ou la douceur des feuilles. Les caractéristiques de texture peuvent aider à diagnostiquer des maladies ou des conditions en analysant des paramètres tels que le contraste, la dissimilarité, l'énergie, l'homogénéité et la corrélation.
- Symptômes des tiges: Les symptômes des tiges incluent des signes visibles de maladies ou de stress sur les tiges des plantes. Cela peut inclure la présence de lésions, des déformations, des décolorations ou des changements de texture. Les symptômes peuvent être quantifiés par des mesures telles que la longueur et la largeur des lésions, ainsi que des paramètres de couleur comme la teinte moyenne, la saturation moyenne et la valeur moyenne.
- Symptômes des feuilles: Les symptômes des feuilles comprennent les anomalies visibles sur les feuilles, telles que des taches, des décolorations, des trous ou des changements de texture. Ces symptômes peuvent indiquer la présence de maladies, de carences nutritionnelles ou de dommages causés par des ravageurs. Les caractéristiques spécifiques à observer incluent le nombre de taches, la surface des taches, la couleur des taches et la texture des taches.
- Symptômes des racines : Les symptômes des racines se manifestent par des changements visibles ou mesurables sur les racines des plantes. Cela peut inclure des déformations, des décolorations, des pourritures ou d'autres anomalies. Les caractéristiques spécifiques à surveiller sont la déformation des racines et la décoloration des racines, qui peuvent indiquer des infections, des carences en nutriments ou d'autres problèmes de santé des plantes.

2.3.2 Conceptualisation

Dans cette partie, nous explorerons les éléments fondamentaux de la création de l'ontologie, ce qui inclut la clarification des concepts, la détermination des attributs, et la configuration des relations. Clarification des concepts : cette phase implique d'établir une liste des concepts identifiés durant la collecte d'informations.

Établir les propriétés : Cette phase implique la définition des propriétés associées à chaque concept, décrivant ainsi leurs caractéristiques spécifiques.

Établir les relations : Cette étape consiste à établir des liens logiques entre les concepts et les propriétés pour refléter les interrelations entre les différentes entités.

2.3.2.1 Les propriétés

Dataset

Propriété	Domain	Range
hasCreationDate	Dataset	str
hasUrl	Dataset	str
hasSize	Dataset	str
hasAuthor	Dataset	str

Table 1: Liste des propriétés de Dataset

Image

Propriété	Domain	Range
hasCreationDate	Image	str
hasSize	Image	str

Table 2: Liste des propriétés de l'Image

Contour

Propriété	Domain	Range
hasArea	Contour	float
hasPerimeter	Contour	float
hasWidth	Contour	float
hasHeight	Contour	float
hasNormalizedArea	Contour	float
hasNormalizedPerimeter	Contour	float
hasAspectRatio	Contour	float

Table 3: Liste des propriétés des contours

Color

Propriété	Domain	Range
hasHueMean	Contour	float
hasHueStd	Contour	float
hasSaturationMean	Contour	float
hasSaturationStd	Contour	float
hasValueMean	Contour	float
hasValueStd	Contour	float

Table 4: Liste des propriétés de la couleur

Texture

Propriété	Domain	Range
hasContrast	Texture	float
hasDissimilarity	Texture	float
hasEnergy	Texture	float
hasHomogeneity	Texture	float
hasCorrelation	Texture	float

Table 5: Liste des propriétés de la texture

${\bf Root Symptoms}$

Propriété	Domain	Range	
hasRootDeformation	RootSymptoms	float	
hasRootDiscoloration	RootSymptoms	float	
hasContrast	RootSymptoms	float	
hasDissimilarity	RootSymptoms	float	
hasEnergy	RootSymptoms	float	
hasHomogeneity	RootSymptoms	float	
hasCorrelation	RootSymptoms	float	

Table 6: Liste des propriétés des symptômes de la racine

LeafSymptoms

Propriété	Domain	Range
hasSpotCount	LeafSymptoms	float
hasSpotArea	LeafSymptoms	float
hasSpotColor	LeafSymptoms	float
hasSpotTexture	LeafSymptoms	float

Table 7: Liste des propriétés des symptômes de la feuille

StemSymptoms

Propriété	Domain	Range
hasLesionPresence	StemSymptoms	float
hasLesionLength	StemSymptoms	float
hasLesionWidth	StemSymptoms	float
hasMeanHue	StemSymptoms	float
hasMeanSaturation	StemSymptoms	float
hasMeanValue	StemSymptoms	float

Table 8: Liste des propriétés des symptômes de la tige

2.3.2.2 Les propriétés

Relations

Relation	Domain	Range
hasImage	Dataset	Image
hasContour	Image	Contour
hasTexture	Image	Texture
hasRootSymptoms	Image	RootSymptoms
hasLeafSymptoms	Image	LeafSymptoms
hasStemSymptoms	Image	StemSymptoms

Table 9: Liste des relations

2.4 Extraction des caractéristiques

Dans notre contexte nous allons baser sur les descripteurs suivants :

2.4.1 Les descripteurs de couleur

Dans le contexte de l'analyse sémantique des maladies du manioc, les descripteurs de couleur jouent un rôle crucial. Ils permettent une évaluation précise et objective des variations de couleur des feuilles de manioc, facilitant ainsi la détection précoce des maladies et la prise de décisions appropriées pour la gestion des cultures.

Pour simplifier cette analyse, les images des feuilles de manioc sont converties dans l'espace de couleur HSV (Teinte, Saturation, Valeur). Cette transformation offre une représentation significative des informations colorimétriques, permettant la réalisation d'opérations de seuillage et de filtrage précises, ainsi que la détection d'anomalies basée sur la teinte.

Dans l'espace de couleur HSV, chaque pixel est caractérisé par trois composantes : la teinte, la saturation et la valeur. La teinte représente la couleur dominante de chaque pixel, la saturation indique son intensité, tandis que la valeur correspond à sa luminosité ou sa brillance. Cette représentation facilite grandement

l'analyse des symptômes des maladies, tels que les taches, les décolorations ou les anomalies de pigmentation, sur les feuilles de manioc.

Le processus d'extraction des caractéristiques de couleur peut être réalisé à l'aide d'outils informatiques tels que OpenCV, qui permettent de calculer des statistiques telles que la moyenne et l'écart type de la teinte, de la saturation et de la valeur des pixels dans les images. Ces caractéristiques fournissent des informations essentielles pour évaluer l'état de santé des plantes et détecter la présence de maladies.

Voici les formules mathématiques pour la moyenne et l'écart type :

La formule de la moyenne :

$$\mu = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} x_i$$

Où μ représente la moyenne, N est le nombre d'échantillons et x_i est la valeur de l'échantillon i. La formule de l'écart type :

$$\sigma = \sqrt{\frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (x_i - \mu)^2}$$

Où σ représente l'écart type, N est le nombre d'échantillons, x_i est la valeur de l'échantillon i, et μ est la moyenne.

2.4.2 Descripteur de Contour

Le descripteur de contour est un outil essentiel dans l'analyse d'images pour caractériser la forme des objets identifiés. Il permet de quantifier les propriétés géométriques des contours des objets présents dans une image.

Le processus de calcul des caractéristiques de contour implique plusieurs étapes :

- 1. Conversion en Niveaux de Gris : L'image originale est convertie en niveaux de gris pour simplifier le traitement et l'analyse ultérieure.
- 2. **Seuillage** : Une technique de seuillage est appliquée pour binariser l'image et segmenter les objets d'intérêt du fond.
- 3. **Détection de Contours** : Les contours des objets binarisés sont détectés à l'aide d'algorithmes de détection de contours tels que l'algorithme de détection de contour de Canny.
- 4. Calcul des Caractéristiques : Les caractéristiques géométriques des contours sont calculées à partir des contours détectés. Les caractéristiques couramment calculées incluent la surface du contour, le périmètre du contour, les dimensions du rectangle englobant, la surface normalisée, le périmètre normalisé et le rapport d'aspect.

2.4.3 Descripteur de Texture

Les descripteurs de texture sont des outils essentiels pour identifier les maladies du blé en analysant les variations de la surface des grains. Les maladies peuvent entraîner des modifications texturales telles que des taches, des fissures ou des structures anormales. En quantifiant ces variations à l'aide de descripteurs de texture, il est possible de détecter les grains de blé affectés par diverses maladies.

Pour extraire les caractéristiques texturales des grains de blé, nous utilisons la matrice de co-occurrence des niveaux de gris (GLCM). Cette méthode statistique analyse la texture d'une image en prenant en compte les relations spatiales entre les pixels. Grâce à la GLCM, nous pouvons obtenir des mesures statistiques qui fournissent des informations détaillées sur la texture de l'image.

Dans notre étude, nous utilisons les mesures suivantes : contraste, dissimilarité, énergie, homogénéité, corrélation et entropie.

Contraste: Le contraste mesure la différence de luminance ou de couleur entre des pixels adjacents.
 Une valeur élevée de contraste indique une grande différence entre les niveaux de gris des pixels voisins, ce qui peut révéler des anomalies texturales.

$$Contraste = \sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} (i-j)^2.g^2(i,j)$$

2. **Dissimilarité :** La dissimilarité quantifie la variation linéaire des niveaux de gris entre des pixels adjacents. Contrairement au contraste, elle pondère les différences de manière linéaire, offrant une autre perspective sur les variations texturales.

Dissimilarity =
$$\sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} |i-j| \cdot g(i,j)$$

3. Énergie : L'énergie évalue l'uniformité de la texture dans l'image. Une énergie élevée indique une texture homogène et lisse, tandis qu'une énergie faible suggère une texture hétérogène avec de nombreuses variations.

energy =
$$\sqrt{\sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} g^2(i, j)}$$

4. Homogénéité: L'homogénéité mesure la similarité des niveaux de gris entre les pixels adjacents. Une valeur élevée d'homogénéité signifie une texture uniforme et régulière, tandis qu'une valeur faible indique des variations prononcées.

$$homogeneity = \sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} \frac{1}{1 + (i-j)^2} g(i,j)$$

5. Corrélation : La corrélation évalue la dépendance linéaire des niveaux de gris entre des pixels adjacents. Une corrélation élevée indique une texture régulière et structurée, tandis qu'une corrélation faible révèle des motifs plus aléatoires.

$$correlation = \sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} (i-\mu)(j-\mu)g(i,j)/\sigma^2$$

6. Entropie : L'entropie mesure la complexité et la diversité des niveaux de gris dans l'image. Une entropie élevée indique une texture complexe avec de nombreuses variations, tandis qu'une entropie faible suggère une texture plus uniforme et régulière.

$$entropy = \sum_{i=0}^{N_g-1} \sum_{j=0}^{N_g-1} \log(g(i, j))$$

2.4.4 Descripteurs des Symptômes des Feuilles

L'analyse des symptômes sur les feuilles est essentielle pour la détection des maladies du manioc. Les maladies peuvent se manifester par des taches, des décolorations ou des altérations texturales sur les feuilles. En quantifiant ces symptômes, nous pouvons identifier précocement les maladies et prendre des mesures appropriées.

Pour extraire les caractéristiques des symptômes des feuilles, nous suivons les étapes suivantes : 1. Charger l'image en couleurs. 2. Convertir l'image en niveaux de gris. 3. Appliquer un seuillage pour obtenir une image binaire. 4. Trouver les contours des taches dans l'image seuillée. 5. Calculer les caractéristiques des taches telles que le nombre, la surface, la couleur et la texture.

Caractéristiques des Taches

Nombre de Taches

Le nombre de taches sur une feuille est une caractéristique simple mais informative pour évaluer l'étendue de l'infection.

Nombre de taches =
$$N_{\text{taches}}$$

Surface des Taches

La surface totale des taches permet de quantifier l'étendue de la zone affectée par les maladies.

Surface to
tale des taches =
$$\sum_{i=1}^{N_{\rm taches}} A_i$$

Où A_i représente la surface de la tache i.

Couleur des Taches

La couleur moyenne des taches est calculée en moyennant les valeurs de couleur dans les régions d'intérêt (ROI) délimitées par les contours des taches.

Couleur moyenne de la tache =
$$\frac{1}{N_{\text{pixels}}} \sum_{i=1}^{N_{\text{pixels}}} \text{Couleur}(i)$$

Où $N_{\rm pixels}$ est le nombre de pixels dans la région de la tache.

Texture des Taches

La texture des taches, bien que non implémentée dans ce code, pourrait être évaluée en utilisant des descripteurs de texture similaires à ceux utilisés pour la surface des grains de blé, tels que la GLCM.

1. Surface totale des taches:

Surface totale des taches =
$$\sum_{i=1}^{N_{\text{taches}}} A_i$$

Où A_i représente la surface de la tache i.

2. Couleur moyenne des taches :

Couleur moyenne de la tache =
$$\frac{1}{N_{\rm pixels}} \sum_{i=1}^{N_{\rm pixels}} {\rm Couleur}(i)$$

Où N_{pixels} est le nombre de pixels dans la région de la tache.

3. **Texture des taches :** La texture peut être évaluée en utilisant des descripteurs tels que le contraste, la dissimilarité, l'énergie, l'homogénéité et la corrélation. Les formules pour ces descripteurs sont les mêmes que celles utilisées pour les grains de blé et peuvent être appliquées aux régions d'intérêt des taches.

2.4.5 Analyse des Symptômes des Racines de Manioc

La détection des symptômes des racines de manioc est essentielle pour identifier les maladies qui affectent cette culture. Parmi ces symptômes, les déformations et les décolorations des racines sont des indicateurs clés de la présence de maladies. Voici les méthodes utilisées pour analyser ces symptômes.

Détection des Déformations des Racines

Les déformations des racines peuvent indiquer la présence de maladies ou de stress environnemental. Pour détecter ces déformations, nous procédons comme suit :

- 1. Convertir l'image en niveaux de gris pour simplifier l'analyse.
- 2. Appliquer un flou gaussien pour réduire le bruit dans l'image.
- 3. Utiliser une binarisation adaptative pour obtenir une image binaire.
- 4. Trouver les contours des objets dans l'image binarisée.
- 5. Calculer la proportion de la zone déformée par rapport à la zone totale de l'image.

Formule de la Proportion de la Zone Déformée

$$\label{eq:proportion} \text{Proportion de la zone déformée} = \frac{\text{Surface des zones déformées}}{\text{Surface totale de l'image}}$$

Détection des Décolorations des Racines

Les décolorations des racines sont souvent un signe de maladies. Pour détecter ces décolorations, les étapes suivantes sont suivies :

- 1. Convertir l'image en espace de couleur Lab pour mieux isoler les variations de luminance.
- 2. Séparer les canaux de couleur Lab.
- 3. Calculer la moyenne et l'écart type du canal L (luminance).
- 4. Définir une plage de valeurs pour la luminance basée sur la moyenne et l'écart type.
- 5. Créer un masque pour les zones décolorées.
- 6. Calculer la proportion de pixels décolorés par rapport à la zone totale.

Formule de la Proportion de Pixels Décolorés

$$\label{eq:proportion} \text{Proportion de pixels décolorés} = \frac{\text{Surface des zones décolorées}}{\text{Surface totale de l'image}}$$

Caractéristiques des Symptômes des Racines

Les caractéristiques des symptômes des racines sont regroupées en un ensemble de mesures permettant d'évaluer l'état des racines de manioc.

- Déformation des racines : Proportion de la zone déformée par rapport à la zone totale de l'image.
- Décoloration des racines : Proportion de pixels décolorés par rapport à la zone totale de l'image.

2.4.6 Analyse des Symptômes des Tiges de Manioc

La détection des symptômes sur les tiges de manioc, comme les lésions, est cruciale pour identifier les maladies affectant cette culture. Les méthodes suivantes sont utilisées pour analyser ces symptômes.

Détection des Lésions sur les Tiges

Les lésions sur les tiges peuvent indiquer la présence de maladies ou de stress environnemental. Pour détecter ces lésions, nous procédons comme suit :

- 1. Convertir l'image en niveaux de gris pour simplifier l'analyse.
- 2. Appliquer un flou gaussien pour réduire le bruit dans l'image.
- 3. Utiliser une binarisation adaptative pour segmenter les lésions.

Formule de la Proportion des Lésions

Proportion de lésions
$$=$$
 $\frac{\text{Surface des lésions détectées}}{\text{Surface totale de l'image}}$

Mesure de la Longueur et de la Largeur des Lésions

Pour quantifier les lésions, nous mesurons la longueur et la largeur maximales des lésions détectées :

- 1. Trouver les contours des lésions dans l'image binarisée.
- 2. Calculer les dimensions des rectangles englobants pour chaque lésion.
- 3. Identifier les dimensions maximales de longueur et de largeur.

Formules des Dimensions des Lésions

```
Longueur maximale = \max(\{h_i\})
Largeur maximale = \max(\{w_i\})
```

où h_i et w_i représentent respectivement la hauteur et la largeur des rectangles englobants des lésions.

Détection de la Couleur des Lésions

Les changements de couleur sur les tiges peuvent indiquer des lésions. Pour détecter la couleur des lésions, nous procédons comme suit :

- 1. Convertir l'image en espace de couleur HSV (Teinte, Saturation, Valeur).
- 2. Appliquer un masque pour isoler les zones de lésions.
- 3. Calculer la couleur moyenne des pixels dans les zones de lésions.

Formule de la Couleur Moyenne des Lésions

Couleur moyenne des lésions = $(\bar{H}, \bar{S}, \bar{V})$

où \bar{H} , \bar{S} et \bar{V} représentent respectivement les valeurs moyennes de la teinte, de la saturation et de la valeur dans les zones de lésions.

Caractéristiques des Symptômes des Tiges

Les caractéristiques des symptômes des tiges sont regroupées en un ensemble de mesures permettant d'évaluer l'état des tiges de manioc.

- Présence de lésions : Indique si des lésions sont présentes (True ou False).
- Longueur des lésions : Longueur maximale des lésions détectées.
- Largeur des lésions : Largeur maximale des lésions détectées.
- Couleur des lésions : Couleur moyenne des lésions en termes de teinte, saturation et valeur.

2.5 Extension de l'Ontologie

Après avoir décrit chaque descripteur, nous avons pris la décision d'enrichir l'ontologie en ajoutant de nouvelles propriétés et relations afin de la rendre plus utile, complète et capable de représenter de manière précise les connaissances sémantiques du domaine.

Le concept de dataset est introduit comme une classe ontologique représentant un ensemble de données regroupées selon certaines caractéristiques communes. Un dataset peut contenir des instances de divers types de données, telles que des images, des textes, des vidéos, etc. Il sert à organiser et structurer ces données, facilitant ainsi leur manipulation et analyse. Dans notre contexte, un dataset regroupe les images des maladies du manioc.

Ce concept de *dataset* peut être associé à des propriétés ontologiques décrivant des informations spécifiques telles que le nom du dataset, sa description, sa source, sa date de création, son format, sa taille, etc. Ces propriétés fournissent des métadonnées sémantiques utiles pour la recherche, la gestion et la compréhension des données.

En outre, les concepts de *contour*, *couleur*, *symptômes* et *texture* sont également intégrés dans l'ontologie. Ces concepts permettent de modéliser sémantiquement les différentes caractéristiques des images utilisées pour détecter les maladies du manioc.

- Contour : Représente les frontières des objets ou des zones spécifiques identifiées dans une image. En termes ontologiques, il est associé à des propriétés telles que la forme, la surface, le périmètre, etc.
- Couleur : Désigne les caractéristiques chromatiques des zones d'intérêt dans les images. Les propriétés sémantiques associées peuvent inclure les valeurs moyennes de teinte, de saturation et de luminosité.
- Symptômes : Regroupe les manifestations visuelles des maladies du manioc, telles que les taches ou les déformations sur les feuilles et les tiges. Les propriétés incluent la taille, la forme et la distribution des symptômes. Ce concept permet de sémantiquement identifier et caractériser les signes de maladies.
- Texture : Concerne la surface visuelle des zones d'intérêt dans les images, caractérisée par des descripteurs tels que le contraste, la dissimilarité, l'énergie, l'homogénéité et la corrélation. Ces propriétés sémantiques aident à quantifier les variations texturales dues aux maladies.

Nous avons également introduit les concepts suivants, étroitement liés au dataset :

- **Définition**: Fournit une description sémantique de la maladie de manioc, incluant ses caractéristiques principales et ses impacts sur les cultures.
- Causes : Identifie et décrit les facteurs responsables de l'apparition des maladies de manioc, tels que les agents pathogènes, les conditions environnementales, etc.

- Symptômes Globales : Détaille les signes visuels et physiques associés aux maladies de manioc, permettant une identification précoce et précise.
- **Traitement**: Présente les méthodes et pratiques recommandées pour gérer et traiter les maladies de manioc, y compris les interventions chimiques, biologiques et culturales.
- Image : Lient les images spécifiques contenues dans le dataset aux autres concepts, facilitant ainsi leur utilisation pour la détection, l'analyse et la recherche sur les maladies de manioc.

Ces concepts enrichissent l'ontologie en fournissant une modélisation sémantique plus détaillée et une analyse approfondie des images dans le contexte de la détection des maladies du manioc. L'intégration de ces propriétés et relations sémantiques permet une meilleure représentation des connaissances du domaine et améliore la capacité de l'ontologie à répondre aux besoins spécifiques de l'analyse d'image.

Figure de la gestion de l'ontologie

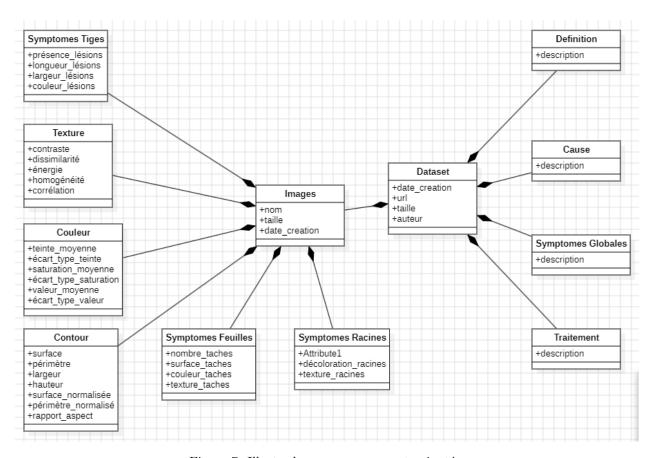


Figure 7: Illustre les nouveux concepts ajoutés.

Figure de la gestion de l'ontologie dans une base de donnée relationnelle

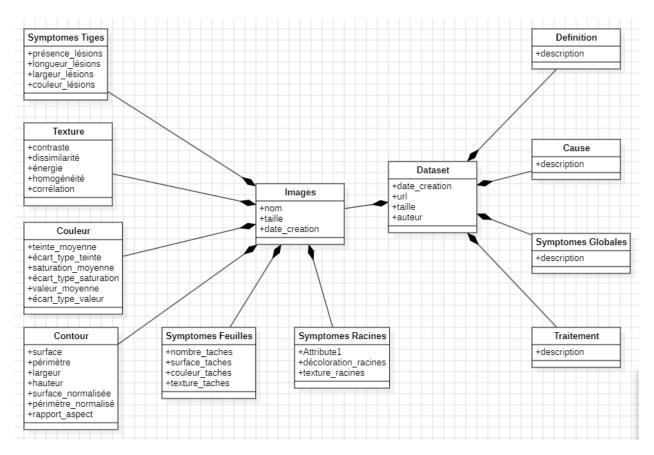


Figure 8: Illustre les nouveux concepts ajoutés.

3 Chapitre 3: Implementation

4 Bibliographies

References

[1] Weston Msikita, Braima James, Emmanuel Nnodu, James Legg, Kerstin Wydra, and Francis Ogbe. Lutte contre les maladies du manioc.