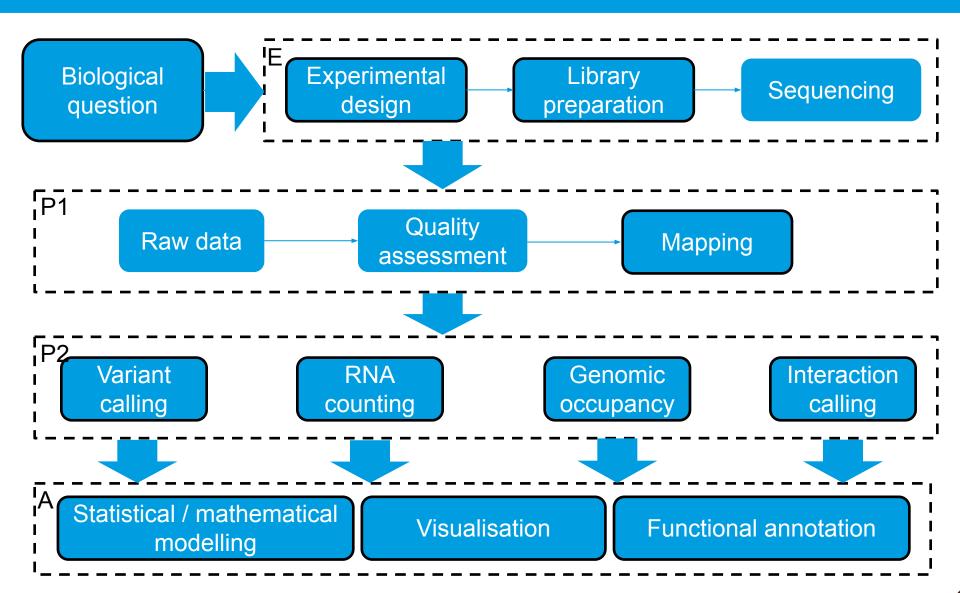
Université de BORDEAUX

Pipeline bioinformatique





But de la séance

TD:

- Détecter un ou plusieurs variants génomiques ponctuels oncogènes dans le patient LMS25 (à partir des fichiers d'alignements de reads de son génome normal, tumoral et son transcriptome, *bam*)
- Détecter des variants structuraux à partir de données de SNPs de ce même patient.
- Classer des patients atteints de LMS en utilisant leur profil de variations

Méthodologique:

- Se familiariser avec l'interface web de Integrative Genome Viewer (IGV)
- Savoir détecter des variants somatiques
- Comprendre les données de séquençage
- Acquérir l'habitude de rechercher les informations
- Manipuler des vecteurs, des data.frames et visualiser les données sous forme de heatmap en R

