

```

'''
Name : Elowan
Creation : 02-06-2023 10:59:30
Last modified : 27-04-2024 20:13:19
File : main.py
'''

import datetime
import logging
from tqdm import tqdm
from multiprocessing import Pool, Lock, Manager
import sys

from Chromosome import *
from Models import Athlete
from Game import Game
from Genetic import GeneticAlgorithm
from utils import computeNextOccurrence
from traitement import analyseStudy, analyseFolder, createStats
from consts import NB_EVAL_MAX, PROBS_C, PROBS_M,\
    ITERATION_NUMBER, NUMBER_OF_CHROMOSOME_TO_KEEP,\
    INITIAL_POSITION, MAX_TICK_COUNT, SIZE_X, SIZE_Y,\
    POPULATIONS

# Variables communes à tous les processus pour connaître combien de ligne
# il faut sauter pour afficher chaque barre de progression
# Notamment utile pour empêcher des sauts de lignes inopinés
position_Lock = Lock()
positionsBars = []

def playAllGames(population:list):
    """
    Joue toutes les parties associées aux athlètes de la population

    Params:
        population (AthleteChromosome list): liste des athlètes à faire jouer
    """
    # Supprime les anciens jeux
    Game.resetGames()

    for athleteChromosome in population:
        game = Game(athleteChromosome.athlete)
        game.play()

def logConstants(athleteLevel, seed):
    """
    Log les constantes de l'algorithme
    """
    logging.debug("Seed : {}".format(seed))
    logging.debug("Iteration number : {}".format(ITERATION_NUMBER))
    logging.debug("Athlete level : {}".format(athleteLevel))
    logging.debug("Number of chromosomes to keep : {}".format(NUMBER_OF_CHROMOSOME_TO_KEEP))
    logging.debug("Initial position : {}".format(INITIAL_POSITION))
    logging.debug("Size of the field : {}".format((SIZE_X, SIZE_Y)))
    logging.debug("Max tick count : {}".format(MAX_TICK_COUNT))

```

```

def replaceBars(i):
    """
    Descend les barres de progression d'une ligne dès qu'une des barres termine.
    """
    position_Lock.acquire()

    positions_bars[i] = 0
    for j in range(i+1, len(positions_bars)):
        positions_bars[j] -= 1

    position_Lock.release()

def process(args):
    """
    Fonction exécutant l'algorithme génétique pour une population de
    `population_number` individus et avec toutes les probabilités définies
    par le fichier `const.py`.

    Params:
        - args (tuple) : Contient `population_number` ainsi que `iteration`
            représentant le i-ième appel à process
    """
    population_number, iteration = args
    count = 0
    total = len(PROBS_C)*ITERATION_NUMBER

    text = "Tests des probs sur une population de {0:04} individus".format(population_number)

    pbar = tqdm(total=len(PROBS_C)*ITERATION_NUMBER, unit="exec",
                desc=text, file=sys.stdout, position=positions_bars[i])

    for probs in zip(PROBS_C, PROBS_M):
        for _ in range(ITERATION_NUMBER):
            logging.debug("##### ITERATION {}/{} #####".format(count, total))
            logging.debug("Population number : {}".format(population_number))
            logging.debug("Probabilités : Crossover = {}% Mutation = {}%\\"
                          .format(probs[0]*100, probs[1]*100))
            logging.debug("Terminaison age : {}".format(NB_EVAL_MAX/population_number))

            ### Creation de la population
            # Chronométrage
            start_time = datetime.datetime.now()

            # population_number de fois le meme athlete
            population = [AthleteChromosome(
                            Athlete(athleteLevel))
                          for _ in range(population_number)]

            playAllGames(population)

            ### Algorithme génétique

```

```

# Informations utilisées pour déterminer la terminaison
# de l'algorithme (quand le maximum n'a pas été modifié depuis
# un certain temps maxAge par exemple)
infos = {
    "maxPopulationFitness": 0,
    "maxAge": 0,
    "generationCount": 0,
    "terminaison_age": NB_EVAL_MAX/population_number,
    "start_filename": iteration*total,
}

# Crée la variable l comme dans l'étude sélectionnée
u = randint(0, 99)/100
l = computeNextOccurrence(u, probs[1])

# Ajout de paramètres supplémentaires
def term(pop): return termination(pop, infos)
def s(pop): return save(pop, probs, population_number, infos)
def mut(pop): return mutation(pop, l)
def cross(pop):
    children = crossover(pop, probs)

    # Duplications des enfants pour generer une population entière
    popu = []
    for _ in range(population_number//len(children)):popu.extend(children)
    return popu[:population_number]

def iterate(population):
    evalPop = evaluate(population)
    infos["generationCount"] += 1

    # Mise a jour du score max des athlètes
    # et Le temps depuis quand c'est le max
    if evalPop[0].fitness > infos["maxPopulationFitness"]:
        infos["maxPopulationFitness"] = evalPop[0].fitness
        infos["maxAge"] = 1

    else:
        infos["maxAge"] += 1

parkourGenetic = GeneticAlgorithm(population, term, evaluate,
                                  selection, cross, mut, s,
                                  "data/{}".format(dirnameSaves))

try:
    parkourGenetic.run(iteration=iterate)
    logging.debug("\nMeilleur athlète de la dernière génération:
{}".format(evaluate(parkourGenetic.population)[0]))
    logging.debug("Temps d'execution : {}".format(datetime.datetime.now() - start_time))

    count+=1

```

```

        pbar.pos = positionsBars[iteration]
        pbar.update(1)
        pbar.refresh()

    except Exception as e :
        logging.error("Erreur de l'appel à {} {}".format(population_number, iteration))
        logging.error(e)
        pbar.close()
        replaceBars(iteration)
        return

replaceBars(iteration)

if __name__ == "__main__":
    s = 1713449159 # Pour avoir des résultats reproductibles
    # s = int(datetime.datetime.now().timestamp())
    seed(s)

    athleteLevel = 8
    dirNameSaves = "{}xp/{}".format(athleteLevel,
                                    datetime.datetime.now()
                                    .strftime("%d-%m-%Y %H%M%Ss"))

    dirs = "data/{}".format(dirNameSaves)
    os.makedirs('logs', exist_ok=True)

    # Initialisation des logs
    logging.basicConfig(level=logging.DEBUG,
                        format='%(asctime)s - %(levelname)s - %(message)s',
                        datefmt='%d-%m-%Y %H:%M:%S',
                        filename='logs/Main - {}.txt'.format(str(athleteLevel) + "xp - "
                                                            + datetime.datetime.now()
                                                            .strftime("%d-%m-%Y %H:%M:%S")),
                        filemode='w')

    # Affichage dans la console
    console = logging.StreamHandler()
    console.setLevel(logging.INFO)
    formatter = logging.Formatter('%(asctime)s - %(levelname)s - %(message)s')
    console.setFormatter(formatter)
    logging.getLogger('').addHandler(console)

    logConstants(athleteLevel, s)

    # Multi-Processing pour accélérer le temps d'exécution
    init_time = datetime.datetime.now()
    logging.info("Exécutions des algorithmes avec différentes tailles de population")

    # Initialisation des positions des barres
    positionsBars = Manager().list([i for i in range(len(POPULATIONS))])

```

```
# Lancement des processus
args = [(POPULATIONS[i], i) for i in range(len(POPULATIONS))]
with Pool(initializer=tqdm.set_lock, initargs=(tqdm.get_lock(),)) as p :
    p.map(process, args)

logging.info("Fin des exécutions. Créations des graphiques")

# Analyse du dossier (moyenne sur toutes les itérations)
data = analyseFolder(dirs)
createStats(path="{}/all".format(dirs), data=data)

# Dessine un graphe semblable à l'étude
analyseStudy(dirnameSaves)

logging.info("Temps d'execution total : {}".format(
    (datetime.datetime.now() - init_time)))
```