

Haem cell lines				Other cell lines				Potential related factors																																								model_type contribution																																																																			
F1	-0.00	0.00	0.01	0.00	-0.02	0.12	0.05	0.13	-	0.24	0.21	-0.07	-0.16	-0.16	-0.31	0.10	-0.25	0.21	0.00	0.01	0.01	0.10	0.25	-0.17	-0.26	-0.01	-0.42	0.47	-0.16	-0.68	0.53	-0.22	-0.47	-0.04	-0.05	-0.18	0.08	-0.12	-0.31	-0.08	0.36	0.24	0.31	0.52	-0.44	-0.43	0.42	0.11	0.26	-0.07	0.28	0.13	0.29	0.24	-0.16	-0.06	-0.07	0.01	-0.01	-0.09	0.09	-0.15	0.01	0.08	0.09	0.00	-0.06	-0.14	-0.04	0.05	-0.02	-0.10	0.05	0.00	-0.16	-0.13	0.1	-0.3	0.6	-3.9	-1.4	3.4	-1.3	-0.1	2.9	-2.4	0.1	0.9	-2.5	-3.0	-0.1	0.2	-4.0	0.4	1.2	-0.7	-1.2	-0.3	-0.7	0.0	-2.9	4.7	-0.5	-0.3	2.4	2.4	2.6	-0.5	-2.6	-0.7	1.0	0.8	2.1	-3.2	F1
F2	-0.00	0.01	0.01	0.01	-0.04	0.04	0.06	0.10	-	0.09	-0.14	0.08	-0.06	0.15	-0.01	-0.18	0.15	0.12	0.02	-0.00	-0.13	0.04	0.27	-0.07	-0.03	0.09	-0.24	-0.57	-0.14	0.24	-0.59	-0.20	-0.19	0.14	0.18	0.14	-0.01	0.16	-0.33	0.14	-0.07	0.12	-0.20	-0.17	0.35	0.02	0.09	-0.30	-0.22	-0.32	-0.15	-0.14	-0.18	0.16	-0.02	-0.08	-0.21	-0.13	0.13	0.11	-0.13	-0.21	0.16	0.29	-0.11	-0.00	-0.09	0.14	-0.13	0.09	0.10	0.12	0.13	0.08	-0.04	-0.06	-0.5	0.2	0.4	-0.7	-1.1	0.4	1.2	0.7	-2.5	-0.1	-0.2	1.0	0.2	-1.1	-0.9	-2.4	1.6	-1.1	-2.4	-0.7	-0.1	-0.6	1.3	-0.5	-0.5	3.2	-0.0	1.0	-1.9	4.4	-1.6	0.5	1.1	-1.0	0.9	-2.2	-1.1	-1.9	F2
F3	-0.00	0.10	0.01	0.01	-0.00	0.04	0.00	0.01	-	0.01	0.12	-0.02	0.11	-0.08	-0.08	0.02	-0.06	-0.05	-0.09	0.06	0.04	0.04	-0.02	0.08	-0.01	-0.00	0.03	0.05	-0.05	-0.01	0.10	0.04	-0.03	0.17	-0.03	-0.05	0.13	-0.05	0.04	0.02	0.11	-0.04	0.09	-0.08	-0.10	0.11	0.05	-0.17	0.16	-0.01	0.27	-0.08	-0.07	0.04	0.11	0.03	-0.09	0.00	-0.00	0.05	-0.04	0.02	-0.00	-0.05	0.03	-0.00	0.04	0.00	0.07	0.03	0.02	-0.00	-0.01	0.21	-0.02	0.50	0.5	-2.0	-1.5	-0.2	-0.2	-0.5	1.0	-1.3	0.0	-0.4	2.5	1.8	0.9	-0.6	3.1	0.1	-1.0	0.9	0.2	-0.5	0.2	0.1	-0.1	0.3	-1.2	-0.5	1.4	0.2	0.7	-0.6	0.4	0.0	-0.2	1.8	1.9	-0.3	1.6	-1.2	F3
F4	-0.00	0.07	0.01	0.01	-0.00	0.06	0.00	0.01	-	0.01	0.07	0.09	0.04	0.01	-0.14	0.08	-0.04	0.06	-0.03	-0.02	-0.04	0.05	0.09	-0.03	-0.15	-0.05	-0.05	0.02	-0.11	-0.06	-0.01	0.08	-0.12	-0.56	0.03	-0.02	-0.09	-0.01	-0.06	-0.08	0.19	0.11	-0.02	-0.05	-0.00	-0.13	0.10	-0.03	-0.00	-0.01	-0.02	0.02	0.06	-0.01	-0.02	-0.14	-0.10	0.01	-0.01	-0.10	0.11	-0.03	0.01	0.01	0.02	-0.00	0.07	-0.07	0.03	0.01	0.04	0.08	0.03	-0.03	-0.04	-0.15	-1.0	0.2	-0.8	0.9	0.6	1.1	-0.5	0.2	1.4	-0.9	0.4	-1.0	-1.0	-0.3	-0.2	-1.1	-0.1	1.1	-0.8	2.2	-0.4	-0.2	-0.0	-0.7	-1.1	0.9	2.7	0.3	0.4	0.4	0.2	-0.5	0.3	-0.4	-1.1	1.5	-1.7	-0.2	F4
F5	-0.00	0.00	0.00	0.01	-0.01	0.02	0.02	0.04	-	0.19	0.29	0.06	-0.20	-0.23	0.22	0.27	0.32	-0.02	-0.01	-0.00	0.06	0.03	-0.02	-0.21	-0.13	0.01	-0.07	0.24	-0.03	-0.25	0.14	-0.06	-0.01	-0.15	0.16	-0.13	-0.16	-0.11	0.02	-0.23	-0.28	0.45	-0.50	-0.01	-0.09	0.10	0.20	-0.04	-0.36	0.05	-0.25	-0.24	0.02	-0.29	0.02	0.04	-0.04	-0.02	0.02	0.21	-0.19	0.05	0.03	-0.03	-0.04	-0.00	-0.05	0.22	0.16	0.17	0.06	-0.14	-0.04	0.10	0.01	0.25	0.2	0.5	-0.3	-0.2	-1.6	-0.1	-0.6	-0.1	0.1	-2.1	0.4	0.2	-2.1	-4.8	-0.1	1.0	4.7	1.6	-0.7	-1.0	-0.2	-0.2	-2.0	-0.5	1.1	0.2	0.2	-0.8	3.1	-1.9	0.9	-1.1	3.0	0.2	-1.2	0.1	2.0	-4.5	F5
F6	-0.00	0.00	0.11	0.00	-0.00	0.00	0.18	0.00	-	-0.56	-0.25	-0.07	0.07	0.07	0.05	-0.03	0.02	0.02	0.01	-0.02	-0.13	0.04	-0.03	0.05	0.05	0.01	-0.07	-0.16	-0.22	0.18	-0.07	0.11	-0.00	0.01	0.08	0.04	0.02	0.02	0.03	-0.01	0.03	-0.14	0.08	-0.03	0.00	-0.00	-0.13	0.11	0.10	0.10	0.03	-0.07	-0.05	-0.07	0.03	-0.07	0.07	0.01	-0.01	0.04	-0.04	0.13	-0.04	-0.14	0.00	-0.02	0.03	0.00	0.07	-0.09	-0.11	0.04	0.01	0.03	-0.02	-0.02	-0.3	-0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	-1.1	0.2	-0.1	0.9	-0.6	2.3	0.8	1.8	0.4	-2.8	0.5	1.3	-1.2	1.0	0.1	-0.1	1.7	1.7	1.3	-0.1	2.4	1.0	-0.2	-0.9	0.3	0.9	0.0	1.6	-1.8	-0.4	-0.2	1.8	F6
F7	-0.00	0.00	0.00	0.00	-0.02	0.02	0.01	0.02	-	-0.05	-0.03	0.06	0.03	-0.04	-0.14	0.43	0.02	0.02	-0.00	-0.00	-0.18	0.02	-0.08	0.19	0.07	-0.05	0.10	-0.08	-0.26	0.12	-0.09	0.03	-0.27	0.12	0.00	-0.53	-0.28	-0.40	0.07	-0.39	0.14	-0.27	0.03	-0.18	0.12	0.17	-0.02	-0.05	0.06	0.02	0.03	0.06	-0.15	-0.27	-0.03	-0.09	-0.24	-0.01	0.01	-0.02	0.02	0.04	-0.02	-0.01	-0.03	-0.00	-0.00	0.04	-0.01	0.00	0.01	0.02	0.02	0.05	-0.13	0.06	0.2	0.1	-0.1	-1.0	-0.1	0.1	0.6	-0.1	-0.5	0.7	-0.1	-1.0	1.1	1.9	-0.1	-3.1	-0.1	-2.2	-1.6	-0.0	-0.9	0.1	-0.1	-1.4	-1.0	-1.1	0.1	-0.1	5.9	-0.3	-0.2	-0.1	-0.3	-0.1	-0.3	-1.1	-1.2	2.0	F7
F8	-0.00	0.01	0.01	0.01	-0.00	0.03	0.01	0.01	-	0.06	0.15	0.08	-0.05	0.04	0.04	-0.06	0.10	0.01	-0.01	-0.00	-0.06	0.04	0.08	0.06	0.01	0.02	0.11	0.02	0.03	-0.13	-0.04	0.00	0.04	-0.33	0.01	0.10	-0.10	0.12	-0.10	-0.04	-0.05	-0.17	-0.10	-0.07	0.20	-0.04	-0.01	0.17	-0.04	-0.04	-0.09	-0.00	0.05	-0.08	-0.07	-0.08	-0.07	0.04	-0.04	0.01	-0.01	-0.04	-0.08	0.07	0.01	0.00	0.07	0.02	0.13	-0.01	-0.01	-0.03	-0.01	-0.08	-0.12	0.25	0.1	-0.4	1.4	0.4	0.7	0.3	-0.7	-0.4	2.5	0.6	-0.4	-0.9	0.4	1.6	-0.7	-1.4	1.3	-1.1	-1.3	-1.6	-1.4	-0.2	-0.5	-1.8	0.3	1.4	-1.2	-1.4	-1.6	0.4	0.6	-1.0	0.5	0.5	1.8	1.2	0.7	2.0	F8
F9	-0.00	0.00	0.02	0.00	-0.02	0.01	0.03	0.02	-	-0.06	0.18	0.09	0.07	-0.05	-0.06	0.02	0.02	-0.12	-0.01	0.01	0.08	-0.00	-0.17	-0.12	-0.07	0.04	0.14	0.06	0.18	0.13	-0.06	-0.12	0.12	-0.05	-0.03	-0.06	-0.08	-0.06	0.19	-0.07	-0.01	0.31	-0.01	-0.06	-0.18	-0.14	0.09	-0.35	-0.02	-0.14	-0.03	0.05	-0.04	0.12	0.31	0.25	-0.04	-0.00	0.00	-0.03	0.03	0.01	0.00	0.03	-0.04	0.01	0.07	-0.02	-0.45	-0.05	0.02	0.11	0.05	-0.09	0.24	-0.09	0.6	-0.9	0.6	-0.1	-0.5	-1.1	3.4	-0.9	1.9	-1.5	-0.3	-0.1	-1.8	-2.4	-0.5	0.9	0.1	-0.2	0.8	0.1	-0.4	0.2	0.5	0.1	-0.8	-2.4	1.0	0.8	0.5	0.2	-0.7	-0.8	-0.2	-0.9	1.0	-0.7	-1.7	-1.7	F9
F10	-0.00	0.01	0.00	0.01	-0.01	0.01	0.01	0.02	-	-0.11	-0.06	-0.06	-0.14	0.01	-0.10	-0.15	0.05	0.33	0.00	0.04	-0.11	0.15	-0.06	0.07	0.00	0.00	0.22	-0.09	-0.15	-0.04	0.00	-0.15	-0.17	0.11	0.15	0.17	0.16	0.15	-0.01	0.21	0.12	-0.06	-0.03	-0.14	-0.01	-0.12	0.04	-0.22	0.01	-0.22	-0.01	-0.13	-0.46	0.12	-0.01	-0.12	-0.14	0.02	-0.02	0.14	-0.12	0.08	-0.05	-0.18	0.11	-0.00	-0.02	0.07	0.00	-0.11	0.08	0.01	-0.10	-0.03	-0.16	0.07	0.7	-0.4	1.4	-0.9	0.3	2.7	2.2	0.1	0.4	0.7	0.5	1.7	0.7	0.5	-1.9	-1.4	0.3	0.2	-0.1	-1.3	-0.6	-0.7	-1.9	0.5	-0.8	-0.4	-1.5	0.6	-1.2	-2.8	0.8	-0.9	0.6	-1.6	1.2	-1.4	2.4	0.8	F10
	drespo	methylation	proteomics	transcriptomics	drespo	methylation	proteomics	transcriptomics	GExpProtCorrSanger&CMRI	GEExpProtCorrBroad	SamplesOverlapCorr	Genomic instability	TP53_mut	KRAS_mut	BRAF_mut	APC_mut	EWSR1.FLI1_mut	MYC_mut	BCR.ABL_mut	VHL_mut	STAG2_mut	gain.cnaPANCAN344..MYCN.	gain.cnaPANCAN59..CCND1.CTTN.	loss.cnaPANCAN23..SMAD4.	DNMT3A_mut	CDH1_proteomics	VIM_proteomics	BCL2L1_proteomics	CDH1_transcriptomics	VIM_transcriptomics	MCL1_transcriptomics	BCL2L1_transcriptomics	SLC5A1_methylation	MLH1_methylation	SOX10_crispr	SOX9_crispr	MITF_crispr	MYCN_crispr	BRAF_crispr	KRAS_crispr	TP63_crispr	CTNNB1_crispr	STX4_crispr	FERMT2_crispr	GPX4_crispr	EGFR_crispr	FOXA1_crispr	HNF1A_crispr	GATA3_crispr	TTC7A_crispr	WRN_crispr	1804;Acetaxax;GDSC2	1372;Trametinib;GDSC2	1190;Gemcitabine;GDSC2	1819;Docetaxel;GDSC2	2106;Uprosertib;GDSC2	D/F12	R	MSI	MSS	Adherent	Semi-Adherent	Suspension	Unknown	Haematopoietic and Lymphoid	ploidy	mutational_burden	growth	NProteinsSanger&CMRI	NProteinsBroad	RepsCorrelationSanger&CMRI	Global proteomics Sanger&CMRI	Global proteomics Broad	Mean IC50	Global methylation	Acute Myeloid Leukemia	B-Cell Non-Hodgkin's Lymphoma	B-Lymphoblastic Leukemia	Biliary Tract	Bladder	Bone	Breast	Burkitt's Lymphoma	Central Nervous System	Cervix	Chronic Myelogenous Leukemia	Endometrium	Esophagus	Head and Neck	Hodgkin's Lymphoma	Kidney	Large Intestine	Liver	Mesothelioma	Non-Cancerous	Non-Small Cell Lung Carcinoma	Other Blood Carcinomas	Other Solid Carcinomas	Ovary	Pancreas	Peripheral Nervous System	Plasma Cell Myeloma	Prostate	Skin	Small Cell Lung Carcinoma	Soft Tissue	Squamous Cell Lung Carcinoma	Stomach	T-Cell Non-Hodgkin's Lymphoma	T-Lymphoblastic Leukemia	Thyroid	Uterus	Vulva		