0.10	0.03	0.04	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.18	0.03	0.00	0.00	0.05	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	
0.14	0.10	0.07	0.03	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.01	
0.11	0.11	0.03	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01	0.04	0.00	0.00	0.01	0.01	0.06	0.01	
0.14	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.05	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	
-0.02	0.06	0.08	0.23	0.06	-0.04	0.04	-0.01	0.09	-0.11	-0.01	-0.04	-0.01	-0.06	0.09	0.20	0.27	0.02	0.04	0.44	0.04	0.06	-0.09	-0.03	0.05	- Proteomics n. measurem
0.30		-0.10	0.07	-0.15	0.13	-0.14	-0.08	0.00	-0.09	-0.16	-0.01	0.01	0.02	0.02	0.03	0.02	0.00	0.34	0.12	-0.00	-0.11	-0.07	-0.73	-0.01 -	- Global methylation
0.13	-0.12	0.08	0.17	-0.13	0.00	0.03	-0.02	-0.05	0.04	-0.04	-0.04	-0.10	0.03	0.13	-0.01	-0.01	0.10	0.02	0.11	-0.12	0.01	-0.07	-0.09	-0.09	- MSI
-0.14	0.12	-0.10	-0.15	0.12	-0.01	-0.03	0.01	0.05	-0.05	0.06	0.05	0.12	-0.02	-0.12	0.01	0.01	-0.09	-0.03	-0.11	0.13	0.00	0.07	0.09	0.08	- MSS
-0.43	-0.07	-0.08	0.16	-0.07	-0.03	-0.05	-0.01	-0.05	-0.00	0.04	0.07	0.11	-0.01	0.08	-0.18	0.10	0.01	-0.01	-0.05	-0.05	-0.04	-0.05	0.01	0.07	- Adherent
0.03	0.06	0.16	0.06	0.00	0.01	0.00	0.04	0.05	-0.01	0.04	0.00	-0.01	-0.07	0.02	0.05	0.00	-0.03	-0.02	0.02	-0.01	0.01	0.06	0.02	-0.00	- Semi-Adherent
0.63	-0.03	0.10	-0.21	0.13	0.11	-0.01	0.00	0.13	0.08	-0.09	-0.06	-0.06	-0.10	-0.12	0.19	-0.09	0.02	0.08	0.09	0.01	-0.01	0.06	0.00	-0.07	- Suspension
-0.13	0.09	-0.08	-0.01	-0.06	-0.08	0.07	-0.01	-0.09	-0.07	0.02	-0.02	-0.07	0.14	0.01	0.00	-0.02	-0.01	-0.06	-0.03	0.06	0.05	-0.02	-0.02	-0.02	- Unknown

0.66 -0.19 -0.13 -0.26 0.05 0.15 0.01 0.09 0.03 -0.02 0.00 -0.01 0.06 0.02 -0.08 0.10 -0.06 -0.06 0.05 0.07 0.00 -0.05 0.04 -0.04 -0.05 - Haematopoietic and Lymphoid

Features

-0.19 -0.01 -0.03 -0.04 0.07 0.01 -0.02 -0.06 0.00 0.09 0.07 0.10 0.07 -0.02 -0.10 -0.05 0.00 0.02 -0.01 -0.02 -0.07 -0.09 -0.01 -0.05 0.06 - ploidy

0.16 -0.11 -0.15 0.03 -0.03 -0.02 -0.01 -0.24 0.06 -0.32 -0.07 -0.04 -0.15 0.07 -0.00 -0.05 0.07 -0.04 -0.01 0.43 -0.17 -0.10 -0.04 -0.12 0.02 - growth

F1 F2 F3 F4 F5 F6 F7 F8 F9 F10 F11 F12 F13 F14 F15 F16 F17 F18 F19 F20 F21 F22 F23 F24 F25 Factors

0.13 -0.11 0.21 0.10 0.00 0.12 -0.18 -0.07 0.15 0.02 0.02 -0.04 -0.08 -0.06 0.10 -0.05 -0.02 -0.01 0.03 0.08 -0.27 -0.09 -0.01 -0.21 0.07 - mutational burden

-0.42 -0.41 -0.03 -0.11 -0.13 0.21 -0.05 -0.13 -0.18 0.13 0.09 0.19 0.20 0.12 -0.07 0.01 -0.08 -0.03 0.06 -0.24 0.06 -0.01 -0.02 -0.05 0.01 - CDH1 proteomics 0.05 0.42 -0.71 0.25 0.09 -0.32 0.03 -0.01 0.03 -0.01 0.09 -0.06 -0.05 -0.14 0.11 0.21 -0.00 -0.01 0.03 -0.03 0.09 0.02 -0.00 -0.07 -0.02 - VIM proteomics 0.42 0.05 -0.11 0.11 0.01 0.07 -0.33 -0.06 0.11 -0.31 0.20 -0.07 -0.15 -0.11 0.15 0.34 -0.42 -0.10 0.01 -0.04 -0.01 0.09 -0.11 -0.23 -0.30 - MCL1 proteomics -0.18 -0.11 -0.09 -0.01 0.17 -0.19 0.11 0.10 0.02 0.09 -0.17 0.04 0.13 -0.09 0.13 0.24 -0.01 0.17 0.02 -0.30 0.10 0.04 -0.07 -0.01 0.01 - BCL2L1 proteomics -0.60 -0.51 0.49 -0.17 0.02 0.27 0.00 0.12 -0.04 0.08 0.01 0.02 -0.02 0.05 0.06 -0.23 0.06 0.08 -0.03 -0.12 -0.03 -0.02 0.05 0.06 -0.03 -0.12 -0.03 -0.01 0.05 -0.01 - CDH1 transcriptomics 0.08 0.45 -0.77 0.18 0.02 -0.32 0.02 0.04 0.05 -0.07 0.09 -0.05 0.03 -0.09 0.13 0.13 -0.01 -0.02 0.02 -0.00 0.05 0.02 -0.03 -0.08 0.00 - VIM transcriptomics -0.20 -0.27 -0.13 -0.13 0.16 0.08 -0.25 -0.02 -0.00 -0.16 0.05 0.04 0.14 -0.04 -0.05 -0.11 0.01 -0.20 0.13 0.05 -0.04 0.01 -0.02 -0.02 -0.02 0.03 - MCL1 transcriptomics -0.50 -0.40 -0.03 0.00 0.24 -0.16 0.09 0.07 0.04 0.09 -0.20 0.06 0.12 -0.01 0.14 -0.04 0.10 0.19 0.03 -0.20 0.04 -0.07 -0.06 -0.05 -0.01 - BCL2L1 transcriptomics -0.17 -0.03 0.16 -0.02 -0.43 -0.01 -0.12 0.42 0.08 -0.06 -0.26 -0.24 0.05 0.03 0.02 -0.03 0.07 -0.06 0.02 -0.05 0.05 -0.03 0.06 -0.23 -0.08 - SLC5A1 methylation

Variance explained per factor