

Haem cell lines	drespo	- 0.0	0.4	3.6	0.1	0.1	4.7	0.3	0.0	1.2	0.1	0.4	-1.8	0.0	0.1	0.0
	methylation	- 1.1	0.5	6.6	11.2	0.0	0.8	5.4	5.3	0.1	0.0	1.7	0.7	0.0	0.1	-0.0
	proteomics	- 0.2	1.5	3.6	0.4	2.2	0.7	1.8	0.6	0.7	0.1	0.1	1.1	0.0	0.3	0.0
	transcriptomics	- 0.4	0.9	8.4	1.3	0.0	1.9	1.3	1.2	0.0	0.1	0.3	0.8	1.9	0.2	0.6
Other cell lines	drespo	- 2.8	4.1	0.2	0.0	1.1	3.8	0.7	0.2	2.8	1.6	0.6	4.0	0.0	0.4	0.1
	methylation	- 12.5	3.4	0.2	5.7	0.0	1.4	3.8	4.1	1.8	1.9	2.2	0.9	0.1	0.8	0.3
	proteomics	- 5.0	6.5	0.0	0.3	13.3	1.1	0.8	0.2	2.3	1.0	0.4	-0.6	0.1	0.5	0.1
	transcriptomics	- 12.7	9.3	0.2	1.2	0.2	2.1	1.3	1.3	3.0	2.2	1.1	1.2	1.6	1.1	0.4
CopyNumberAttenuation		-0.22	-0.04	-0.12	-0.23	0.35	-0.16	0.14	-0.10	0.16	0.02	0.10	0.04	0.03	-0.04	0.06
GeneExpressionAttenuation		- 0.25	0.20	0.08	0.11	-0.30	0.04	0.02	0.07	-0.20	0.09	-0.05	0.22	-0.15	0.05	0.04
EMT		- 0.07	-0.62	-0.11	-0.04	0.08	-0.06	0.03	0.00	0.14	-0.05	0.11	-0.01	0.08	0.00	-0.04
Proteasome		- 0.15	-0.07	0.00	0.10	-0.65	0.11	0.02	0.06	-0.23	-0.03	-0.08	0.00	-0.07	-0.06	-0.06
TranslationInitiation		- 0.11	-0.16	0.07	0.19	-0.68	0.14	-0.06	0.03	-0.12	-0.04	-0.06	-0.24	-0.12	-0.04	-0.00
CopyNumberInstability		-0.15	-0.03	-0.11	-0.12	0.12	-0.25	0.16	0.02	0.11	0.04	0.03	0.04	0.01	-0.09	-0.04
CDH1_prot		-0.45	-0.20	-0.01	-0.01	0.15	0.08	0.04	0.05	0.06	0.02	0.05	0.21	-0.01	0.21	-0.07
VIM_prot		- 0.40	-0.64	-0.06	0.20	-0.18	0.02	-0.03	0.06	-0.16	-0.04	-0.09	0.04	0.01	-0.08	0.02
CDH1_gexp		-0.65	0.32	-0.01	-0.28	0.24	-0.19	0.13	-0.07	0.04	0.13	0.08	-0.01	0.17	0.01	0.01
VIM_gexp		- 0.46	-0.66	-0.09	0.17	-0.12	0.06	0.03	-0.04	-0.04	-0.09	-0.03	-0.03	-0.08	-0.04	-0.06
Potential related factors	D/F12	-0.00	-0.13	-0.02	-0.01	0.06	-0.01	-0.00	0.04	0.05	-0.04	-0.03	0.03	0.03	0.05	-0.00
	R	- 0.00	0.13	0.02	0.01	-0.06	0.01	0.00	-0.04	-0.05	0.04	0.03	-0.03	-0.03	-0.05	0.00
	Adherent	-0.17	-0.19	-0.00	-0.00	0.15	0.05	0.07	0.02	-0.01	-0.01	-0.04	-0.03	-0.01	0.08	-0.05
	Semi-Adherent	- 0.03	0.16	-0.01	-0.04	-0.05	-0.05	0.04	0.00	-0.04	-0.01	-0.10	0.01	0.01	-0.04	0.01
	Suspension	- 0.12	0.29	0.01	0.03	-0.12	-0.12	-0.12	0.01	0.01	0.06	-0.02	0.05	0.03	-0.12	0.02
	Unknown	- 0.07	-0.13	0.00	-0.01	-0.04	0.08	0.02	-0.03	0.02	-0.05	0.11	-0.02	-0.02	0.04	0.03
	Haematopoietic and Lymphoid	-0.00	0.00	0.02	0.01	-0.02	-0.01	-0.01	0.00	-0.00	0.00	-0.00	0.01	0.02	0.00	0.02
	Lung	- 0.09	0.26	-0.02	-0.13	-0.11	-0.41	0.02	-0.13	-0.02	-0.07	0.07	-0.07	0.02	-0.24	0.03
	ploidy	-0.07	-0.07	-0.07	0.00	0.08	-0.06	0.03	0.08	0.04	0.02	0.02	0.07	-0.01	-0.00	-0.02
	mutational_burden	-0.12	0.15	-0.02	0.11	-0.03	0.14	-0.02	0.00	-0.14	0.02	-0.17	-0.02	-0.01	-0.10	-0.00
	growth	-0.08	-0.13	0.05	0.20	-0.25	0.20	-0.04	0.12	0.10	-0.06	-0.05	-0.46	0.03	-0.05	0.00
	size	-0.05	-0.37	-0.06	0.01	0.08	-0.08	0.16	0.02	-0.07	-0.01	0.00	0.07	-0.03	0.04	-0.01
	RepsCorrelation	-0.08	0.14	0.02	-0.11	0.44	-0.08	0.05	0.00	0.04	0.05	0.09	0.10	0.02	0.03	0.01
	MeanProteomics	- 0.03	-0.20	-0.03	0.00	-0.61	-0.09	-0.10	0.01	-0.18	0.07	0.02	0.31	0.03	0.05	0.05
	MeanProteomicsBroad	- 0.00	0.02	-0.20	-0.00	-0.04	-0.09	0.03	-0.01	-0.02	0.11	-0.00	-0.04	-0.00	-0.06	0.12
	MeanMethylation	-0.01	-0.01	0.02	0.37	-0.02	0.02	0.18	0.53	0.02	0.10	0.02	0.02	0.02	0.05	-0.07
	MeanDrugResponse	-0.14	-0.07	0.03	-0.07	0.19	-0.31	0.03	-0.02	-0.24	-0.01	-0.03	0.25	0.05	0.01	0.01
		F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12	F13	F14	F15