

Haem cell lines	drespo	-0.1	0.4	0.1	0.3	0.6	4.6	0.7	1.6	0.1	0.6	0.0	0.5	-0.2	0.2	0.0
	methylation	-0.3	0.4	11.0	0.1	6.6	1.9	0.3	3.1	5.3	0.8	0.0	2.4	0.1	0.2	-0.0
	proteomics	-0.2	1.9	0.5	2.2	3.3	1.4	-0.3	1.3	0.3	1.3	-0.0	0.2	0.1	0.1	0.0
	proteomics_broad	-0.3	0.8	0.1	8.8	0.6	1.5	0.5	1.4	0.4	1.4	4.2	0.1	0.2	0.2	0.0
	transcriptomics	-0.4	0.9	1.6	0.0	2.1	3.3	0.2	4.3	1.3	0.9	0.7	0.5	0.1	0.2	1.8
Other cell lines	drespo	2.8	4.0	0.1	0.4	0.6	1.9	7.0	0.3	0.2	0.4	0.1	0.6	1.9	1.4	0.0
	methylation	12.2	3.3	5.6	1.0	3.7	0.9	1.0	0.5	4.1	0.5	0.1	2.8	1.8	1.8	0.3
	proteomics	5.4	4.5	0.5	1.5	1.1	0.8	3.9	0.2	0.1	2.2	0.3	0.6	1.6	1.3	0.2
	proteomics_broad	6.2	5.0	0.1	5.2	0.4	0.6	2.1	0.2	0.3	2.0	5.6	0.6	1.7	1.6	0.0
	transcriptomics	12.6	9.2	1.1	1.3	1.1	1.7	1.4	0.7	1.2	1.3	0.3	1.5	2.3	2.6	1.6
Potential related factors	CopyNumberAttenuation	0.22	-0.05	-0.23	-0.03	0.18	0.05	0.10	-0.07	-0.10	-0.13	0.04	0.12	-0.02	0.15	-0.04
	GeneExpressionAttenuation	-0.27	0.23	0.13	0.02	-0.02	0.00	0.14	-0.00	0.09	0.09	-0.02	-0.07	0.10	-0.11	0.17
	EMT	-0.05	-0.62	-0.05	0.05	0.10	-0.06	0.05	-0.02	-0.00	-0.06	-0.00	0.12	-0.06	0.07	-0.12
	Proteasome	-0.16	-0.05	0.11	-0.06	-0.01	-0.05	-0.01	-0.03	0.05	0.18	-0.08	-0.12	0.00	-0.18	0.10
	TranslationInitiation	-0.11	-0.17	0.19	-0.03	-0.08	-0.02	-0.19	0.05	0.03	0.15	0.04	-0.09	0.01	-0.14	0.13
	CopyNumberInstability	0.16	-0.03	-0.13	-0.08	0.17	0.15	0.09	-0.14	0.01	-0.10	-0.12	0.06	-0.00	0.16	-0.02
	CDH1_prot	0.43	-0.19	-0.00	-0.03	0.03	-0.25	0.23	0.11	0.04	0.09	0.01	-0.01	-0.02	0.15	0.06
	VIM_prot	-0.40	-0.62	0.19	-0.03	0.00	-0.03	0.08	-0.10	0.07	0.11	-0.01	-0.10	-0.02	-0.18	-0.01
	CDH1_gexp	0.65	0.31	-0.28	-0.09	0.14	0.13	0.11	0.00	-0.08	-0.04	-0.00	0.08	0.09	0.12	-0.16
	VIM_gexp	-0.45	-0.65	0.16	0.05	0.08	-0.07	-0.03	-0.04	-0.04	0.05	-0.06	-0.03	-0.07	-0.11	0.06
	D/F12	-0.01	-0.13	-0.01	0.08	0.03	-0.03	0.03	0.03	0.04	-0.06	0.01	-0.01	-0.03	0.01	-0.01
	R	-0.01	0.13	0.01	-0.08	-0.03	0.03	-0.03	-0.03	-0.04	0.06	-0.01	0.01	0.03	-0.01	0.01
	Adherent	0.16	-0.19	-0.01	0.03	0.08	-0.08	0.03	0.04	0.02	0.04	0.00	-0.06	0.00	0.01	0.05
	Semi-Adherent	-0.04	0.16	-0.05	0.01	0.02	0.07	-0.01	-0.05	0.01	-0.00	-0.00	-0.08	-0.01	-0.01	-0.01
	Suspension	-0.12	0.28	0.03	-0.07	-0.14	0.15	0.00	-0.12	0.01	-0.09	-0.01	0.02	0.04	0.00	-0.02
	Unknown	-0.06	-0.13	0.00	0.02	0.03	-0.08	-0.03	0.09	-0.04	0.05	0.00	0.09	-0.04	-0.01	-0.03
	Haematopoietic and Lymphoid	-0.01	0.00	0.01	-0.01	-0.01	0.01	-0.00	0.02	0.01	0.01	0.03	-0.01	0.01	-0.00	-0.02
	Lung	-0.09	0.25	-0.14	-0.11	0.00	0.44	-0.01	-0.23	-0.14	-0.02	-0.02	0.10	-0.10	0.04	-0.01
	ploidy	0.07	-0.07	-0.00	-0.03	0.04	-0.02	0.09	-0.08	0.07	-0.01	-0.02	0.03	-0.01	0.06	0.02
	mutational_burden	0.11	0.16	0.10	-0.06	-0.02	-0.08	-0.04	0.00	0.00	-0.01	-0.00	-0.18	0.04	-0.17	0.01
	growth	-0.09	-0.17	0.18	-0.01	-0.06	-0.05	-0.44	0.08	0.11	0.07	0.06	-0.04	-0.01	0.01	-0.00
	size	-0.05	-0.35	0.01	-0.03	0.18	0.00	0.15	-0.03	0.01	0.13	-0.02	-0.03	-0.01	0.00	0.01
	RepsCorrelation	-0.08	0.15	-0.11	0.01	0.06	0.04	0.14	0.02	0.00	-0.07	0.03	0.09	0.03	0.07	-0.01
	MeanProteomics	-0.04	-0.17	0.03	-0.02	-0.08	-0.00	0.28	-0.08	0.01	0.10	-0.01	0.01	0.04	-0.11	-0.04
	MeanProteomicsBroad	-0.01	0.03	-0.01	-0.03	0.07	0.03	0.01	-0.30	-0.03	-0.05	-0.22	0.03	0.10	-0.04	0.02
	MeanMethylation	-0.02	-0.00	0.36	0.03	0.15	-0.02	-0.00	-0.04	0.53	0.02	0.02	-0.00	0.09	0.07	0.07
	MeanDrugResponse	-0.13	-0.05	-0.07	-0.03	0.05	0.23	0.40	-0.06	-0.02	0.09	0.01	-0.06	-0.03	-0.11	-0.01
		F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12	F13	F14	F15