-0.02

0.02

0.14 -0.02 -0.10 0.08 -0.00 -0.16 0.12 -0.08 -0.08 -0.18 -0.03 -0.01 0.03 -0.12-0.04

-0.00

0.00 0.09 -0.07

-0.07 -0.03 -0.03

-0.02-0.08 -0.07 0.03 -0.020.04 -0.00 0.00 -0.01 0.04 0.01

0.02

-0.01 -0.03 -0.10 -0.10 0.08 -0.03 -0.05 -0.12 -0.18 -0.09 0.10 0.06 -0.06 -0.03 -0.09 0.00

-0.05

0.05

-0.07 0.01

-0.08 0.13

0.11

0.09

F9

0.25 0.14 0.15

-0.02 0.02 0.04 -0.04 0.09

0.15 -0.12

0.06 -0.05 0.00 0.01 -0.06 0.01 -0.05

0.03 0.06

0.01 -0.04 -0.08

0.05 0.22 0.00

0.07 0.10 0.11 0.03 0.09 -0.06 0.01 0.08 0.13 -0.120.13

-0.02 -0.10

0.20

0.11 0.09 0.28

-0.11 -0.02 0.06

-0.230.05 0.02 0.18 0.04 0.03 0.05 0.01

**Factors** 

-0.02 -0.17 -0.05 0.00

0.11

0.18

-0.08

0.08 0.19 0.04 -0.00 -0.03

0.04 0.06

-0.02 -0.15

0.05

0.24

0.01

-0.07

-0.04 0.23 -0.09 -0.06

-0.15 0.05

0.04 -0.08 0.16 -0.05 -0.00 -0.02 0.05 -0.02 0.01 -0.01

0.25

-0.09 0.03 0.06 0.09 0.28 0.22 0.14 -0.05 0.02 0.04

-0.09

0.03

0.13 0.02 -0.08 -0.29-0.21-0.12

-0.11 0.13

-0.04 0.16 0.16 -0.10 0.06 0.05 0.01

0.11 0.11

-0.12 -0.02

F10 F11 F12 F13 F14 F15 F16 F17 F18 F19 F20 F21 F22 F23 F24 F25

0.22 -0.06 0.18 0.03 0.05

-0.03

-0.13 -0.07

-0.01-0.04

0.05 -0.06

-0.05

0.04 0.03 -0.07 0.02

0.02

0.21

-0.13 0.05 0.03

0.16 -0.03

0.01 -0.01 0.05 0.12

0.06 0.46

F3

-0.12 -0.02

0.28 -0.19 0.19

-0.19

-0.15 0.01 -0.07 -0.04 0.03 0.03 -0.11 0.00 -0.02

F2

-0.15 -0.05

0.17 -0.08

-0.08 -0.07

-0.02 0.10 0.03

-0.10 0.06 0.02 0.09 -0.07

> 0.01 0.12 -0.10 0.09 0.05 -0.01 -0.12 0.08 -0.05 0.21 0.02 -0.02 -0.23 0.05 0.00 0.11 -0.02 0.09 -0.07

0.05 0.03 -0.130.14

0.02 -0.20 0.17 -0.19 -0.08 0.05 0.13 -0.03 -0.11 -0.07 -0.03 -0.17 0.07 -0.01 0.08 -0.03 0.12 0.02

-0.01

F5 F6

-0.16

0.16

0.08 -0.01 -0.03 0.01

0.16

-0.09 0.05

F7 F8

0.27 0.02

-0.09

0.24 0.21 0.09 0.05 0.01

0.18

- -0.08

- -0.03

-0.05 -0.10

0.46

-0.11

0.50

-0.29

- -0.03

MSI

Adherent Semi-Adherent - 0.03

Suspension - 0.08

mutational burden - -0.11

CDH1 proteomics

BCL2L1 proteomics

VIM transcriptomics

MCL1 transcriptomics

BCL2L1\_transcriptomics

SLC5A1 methylation

CDH1 transcriptomics

VIM proteomics

Haematopoietic and Lymphoid

Features

Unknown - 0.09

TP53 wes - -0.16

ploidy - -0.05

MSS - 0.07

0.02

0.00

-0.02

-0.14 -0.08

-0.02

-0.04-0.02

-0.23 -0.12

-0.02 -0.00

0.10

0.04 0.17

-0.09 0.14

0.04

0.02 0.00

0.00 0.04 -0.08 0.02 -0.03 0.00

0.00

0.09