

			Potential related factors															
			F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	F9	F10	F11	F12	F13	F14	F15	
Haem cell lines	drespo	-	0.1	0.3	0.1	0.2	1.3	0.4	1.2	0.9	1.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.0	0.0	
	methylation	-	0.1	0.4	11.6	0.0	7.9	3.8	3.7	1.3	0.4	-0.0	0.1	0.6	0.0	0.8	0.0	
	proteomics	-	0.2	2.0	0.3	7.5	1.6	1.5	1.3	0.7	0.2	0.3	0.1	1.4	0.3	0.1	0.0	
	transcriptomics	-	0.4	1.0	1.2	0.0	2.4	0.7	2.2	2.2	0.6	0.0	0.1	1.0	2.3	0.3	0.7	
Other cell lines	drespo	-	2.0	5.3	0.1	0.5	0.2	0.8	0.2	0.6	1.5	1.3	2.2	0.7	0.0	0.2	0.0	
	methylation	-	11.5	3.6	9.8	0.0	1.4	4.2	1.9	1.2	1.1	2.0	1.8	0.7	0.0	1.1	0.0	
	proteomics	-	6.2	8.7	0.2	10.1	0.1	1.0	0.4	0.9	1.9	1.7	1.1	1.1	0.1	0.2	0.0	
	transcriptomics	-	12.4	9.6	1.1	0.1	0.7	1.6	1.0	2.3	1.4	2.8	2.3	1.1	1.8	0.5	0.4	
Potential related factors	CopyNumberAttenuation	-	-0.23	-0.09	0.07	-0.17	0.00	0.09	-0.15	-0.13	-0.03	0.15	-0.03	0.15	-0.08	-0.02	0.06	
	GeneExpressionAttenuation	-	0.21	0.25	0.03	0.01	0.06	0.04	-0.01	0.06	0.27	-0.15	0.11	-0.05	0.17	-0.06	0.05	
	EMT	-	0.18	-0.59	0.07	-0.07	0.05	-0.03	-0.06	-0.06	-0.08	0.10	-0.07	0.06	-0.12	0.06	-0.04	
	Proteasome	-	0.16	-0.04	-0.01	0.18	0.04	0.06	0.07	0.13	0.03	-0.22	0.02	-0.05	0.09	-0.00	-0.05	
	TranslationInitiation	-	0.15	-0.14	-0.10	0.18	0.01	-0.00	0.11	0.08	-0.16	-0.15	0.00	-0.13	0.15	0.03	0.01	
	CopyNumberInstability	-	-0.16	-0.06	0.09	-0.03	0.11	0.11	-0.05	-0.21	0.03	0.11	0.01	0.17	-0.05	0.01	-0.04	
	CDH1_prot	-	-0.40	-0.29	-0.10	-0.06	0.11	-0.07	0.06	0.14	0.19	0.17	-0.02	-0.07	-0.03	0.04	-0.04	
	VIM_prot	-	0.53	-0.54	-0.00	0.00	0.07	0.01	0.10	0.03	0.03	-0.21	0.00	0.02	0.04	0.04	-0.02	
	CDH1_gexp	-	-0.72	0.18	-0.01	-0.04	-0.02	0.08	-0.06	-0.14	0.06	0.11	0.07	0.04	-0.18	-0.04	0.01	
	VIM_gexp	-	0.59	-0.55	-0.00	-0.00	0.06	0.06	-0.05	0.03	-0.09	-0.11	-0.07	0.00	0.06	0.03	-0.06	
	D/F12	-	0.03	-0.13	0.02	-0.05	0.03	-0.02	0.03	-0.00	0.01	0.04	-0.04	-0.01	-0.02	-0.05	-0.08	
	R	-	-0.03	0.13	-0.02	0.05	-0.03	0.02	-0.03	0.00	-0.01	-0.04	0.04	0.01	0.02	0.05	0.08	
	Adherent	-	-0.13	-0.23	-0.04	-0.04	0.03	0.04	0.05	0.07	0.01	0.03	-0.01	-0.06	0.05	-0.03	-0.02	
	Semi-Adherent	-	0.00	0.16	0.02	0.03	-0.01	0.06	0.04	-0.03	0.01	-0.05	-0.01	0.04	-0.01	-0.08	-0.00	
	Suspension	-	0.06	0.31	0.00	0.03	-0.03	-0.09	0.00	-0.12	0.03	-0.05	0.07	0.13	-0.02	-0.00	-0.01	
	Unknown	-	0.09	-0.11	0.03	0.01	0.00	0.00	-0.07	0.06	-0.05	0.03	-0.06	-0.08	-0.04	0.08	0.03	
	Haematopoietic and Lymphoid	-	-0.00	0.01	-0.01	-0.01	-0.02	-0.00	0.01	-0.00	-0.00	0.00	-0.00	0.00	-0.00	0.01	-0.00	
	Lung	-	0.02	0.27	0.06	-0.01	-0.12	0.08	-0.12	-0.40	-0.05	-0.13	-0.07	0.20	0.01	0.04	0.07	
	ploidy	-	-0.05	-0.09	0.05	0.03	0.10	-0.01	0.02	-0.03	0.08	0.04	0.02	0.06	-0.03	0.05	-0.02	
	mutational_burden	-	-0.14	0.13	-0.14	0.05	0.06	0.02	0.10	0.17	-0.02	-0.13	0.04	0.04	0.08	-0.10	-0.03	
	growth	-	-0.04	-0.15	-0.10	0.08	0.10	-0.04	0.23	0.04	-0.35	0.05	-0.04	-0.17	0.12	0.09	-0.04	
	size	-	0.02	-0.38	0.00	-0.00	0.09	0.13	0.01	-0.03	0.10	-0.03	-0.02	-0.02	0.00	0.03	-0.01	
	RepsCorrelation	-	-0.12	0.12	0.08	-0.04	-0.05	0.01	-0.10	-0.05	0.12	0.07	0.03	0.04	-0.07	0.01	0.04	
	MeanProteomics	-	0.08	-0.17	-0.01	-0.04	-0.02	-0.10	-0.03	0.01	0.19	-0.16	0.05	0.03	0.04	-0.02	-0.04	
MeanMethylation	-	0.00	-0.03	0.12	0.08	0.59	0.06	0.06	0.01	0.14	0.06	0.08	-0.08	0.09	-0.04	0.02		
MeanDrugResponse	-	-0.12	-0.08	-0.01	-0.08	-0.03	0.04	0.02	-0.15	0.25	-0.17	-0.02	0.06	-0.09	-0.05	0.04		