

## Hjælp til programmet "Analyseværktøj til oxygenisering af fostre"

I venstre hjørne af brugergrænsefladen ligger knapperne der bruges til at betjene programmet. Analysen starter med, at man åbner en billedemappe med MR-billeder. Dette gøres ved at trykke på *Åben billedemappe* eller *Åben gemt analyse* hvis man allerede har en gemt en ufærdig analyse man gerne vil fortsætte.



*Åben billedemappe*



*Åben gemt analyse*

På billederne kan man zoome ind, zoome ud, flytte rundt på billederne, få værdier på nogle punkter og indsætte en farvebar på billedet via følgende:



*Zoom ind*



*Zoom ud*



*Flyt rundt på billede*



*Data kursor*



*Indsæt farvebar*

Måden hvorpå man markerer en ROI, er ved at trykke på knappen for "Marker ROI" og der fremkommer et kryds på det billede, hvor man kan markere en ROI. Det er muligt at markere flere ROI på et billede, ved at trykke på knappen igen.



*Marker ROI*

For at have muligheden for at fravælge pixels i ROI'en der fitter dårligt, skal programmet først beregne fittet for hver pixel. Dette gøres ved at trykke på knappen *Fitter hver pixel enkeltvist*.



*Fitter hver pixel enkeltvist*

Måden hvorpå man fravælger pixels der har et dårligt fit, er ved at vælge hvilken parameter man vil sortere efter  $R^2$  eller RMSE som vælges. På + eller - kan man skrue op og ned i værdien der skal sorteres fra. På knappen "Genanalysér", vil programmet analysere en revideret  $T2^*$ -værdi.

☒ R<sup>2</sup> ☐ RMSE

Ekskluder pixels med R<sup>2</sup>  
mindre end:

-

+

-

Genanalysér

Når analysen er færdig eller man har en analyse kan man trykke på *Gem resultater*. Eller hvis man har en analyse man gerne vil færdiggøre senere, kan man gemme den ved at trykke på *Gem analyse til senere*



*Gem resultater*



*Gem analyse til senere*