Perché è meglio non usare (praticamente mai) l'analisi dei cluster sulle casistiche in psicologia dello sviluppo

ENRICO TOFFALINI

Dipartimento di Psicologia Generale Università di Padova

FILIPPO GAMBAROTA

Dipartimento di Psicologia dello Sviluppo e della Socializzazione Università di Padova

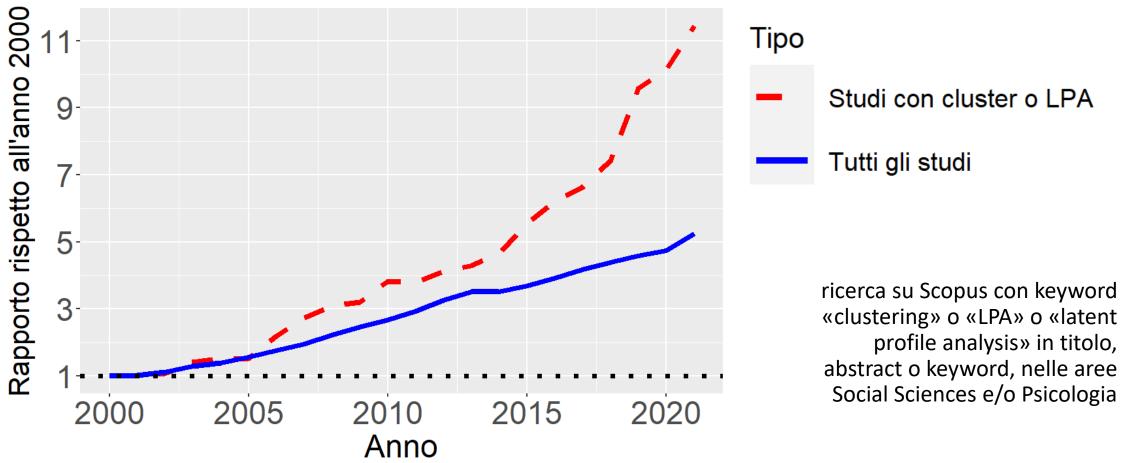




con un grazie al team di lavoro: Paolo Girardi, Ambra Perugini, David Giofrè, Gianmarco Altoè



Cresce la popolarità dell'analisi dei cluster in psicologia





Cresce la popolarità dell'analisi dei cluster in psicologia

Esempio: un'influente review di **Astle e colleghi (2022)** raccomanda l'uso del *clustering* tra i metodi *data driven* nello studio dei disturbi del neurosviluppo, per «scoprire» i «veri» raggruppamenti *transdiagnostici* delle casistiche... nell'ottica di mettere (giustamente!) in discussione le tradizionali categorie diagnostiche





Ma di cosa stiamo parlando?

- Clustering: insieme di metodi esplorativi che raggruppano «oggetti» simili tra loro, distribuiti in uno spazio (di solito) multidimensionale
- Classico uso in psicologia: «svelare» l'esistenza di *G* sottopopolazioni *finora non rilevate* di individui in una popolazione più ampia, usando *k* indicatori

Esempio: N = 41 partecipanti, «scopro» G = 3 cluster ■ basandomi su v = 2 dimensioni

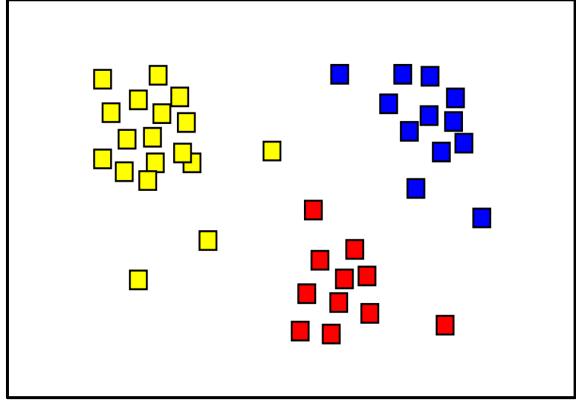
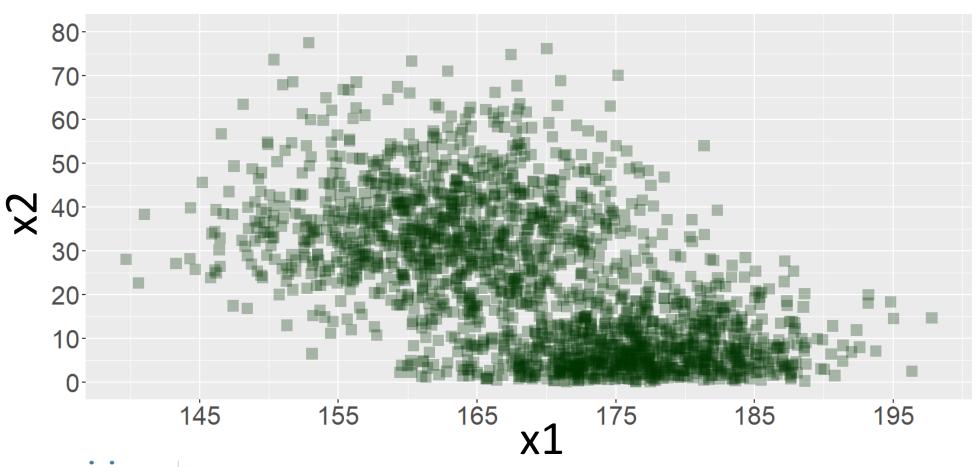


immagine da Wikipedia https://en.wikipedia.org/wiki/Cluster_analysis

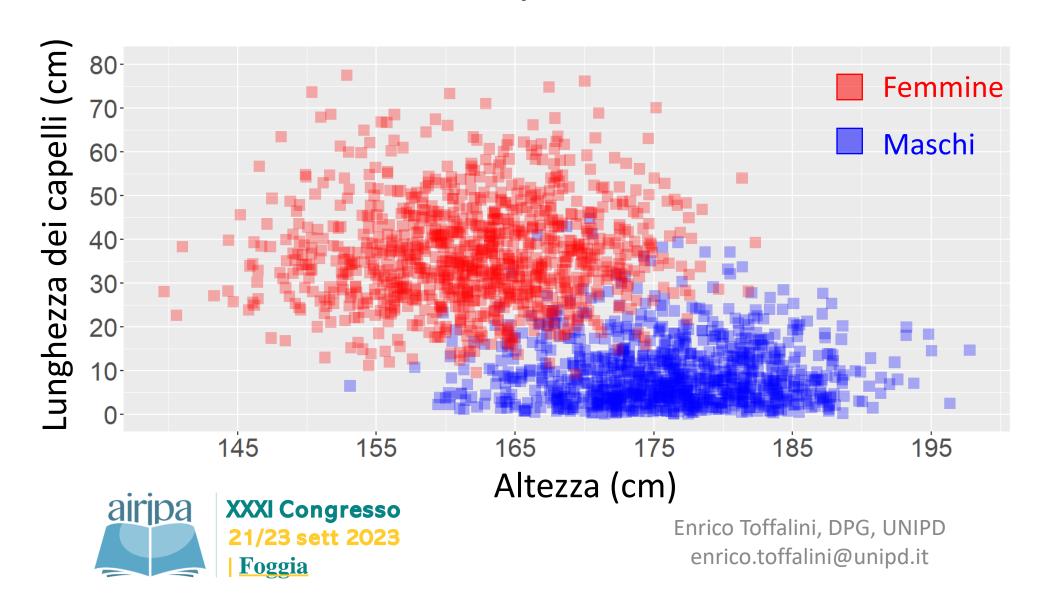


Si vedono, qui, i cluster?





Si vedono, qui, i cluster?



Clustering e inferenza statistica

Usiamo spesso metodi di clustering per fare inferenza statistica, ad esempio sono famosi:

- *k-means* clustering con Duda-Hart test (es. p < 0.05) per discriminare uno vs più cluster e valore di Silhouette per stabilirne il numero preciso;
- *mixture models* (*model-based*; raccomandato) con indice BIC per selezionare la soluzione (modello) migliore e stabilire il numero di cluster/componenti;

Questi sono tra i metodi più frequenti emersi da una review di 191 studi con clustering pubblicati negli scorsi 5 anni (Toffalini et al., 2022)



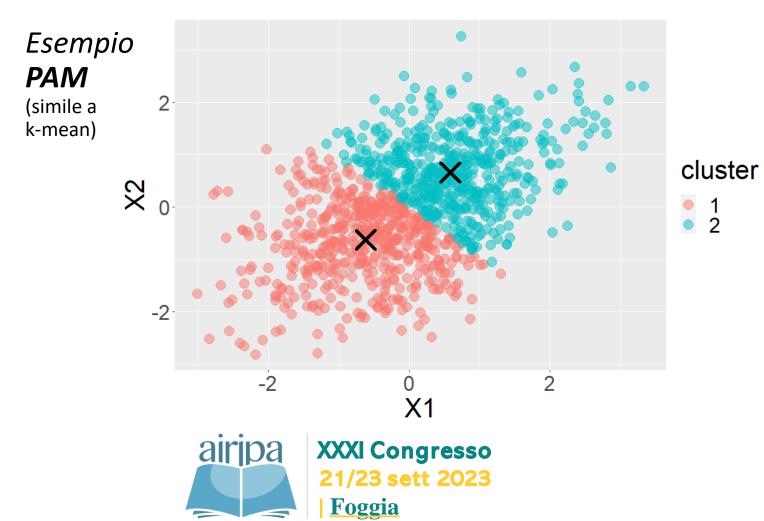
1° problema in psicologia: la potenza

Nel caso visto prima il clustering funzionava egregiamente... **MA**... N = 2000 osservazioni; Cohen's d = 2.00 su altezza; Cohen's d = 2.72 su lunghezza capelli

- eh sì... per farvi «vedere» i cluster, ho dovuto ricorrere a un esempio non-psicologico
- Il clustering difficilmente funziona se non abbiamo Cohen's d ≥ 0.80 su diversi indicatori, possibilmente non correlati (es. Tein et al., 2013; Toffalini et al., 2022)
- MA in psicologia effetti così ampi sono comunque rari, ed è quasi irragionevole supporli tra sottopopolazioni non ancora scoperte



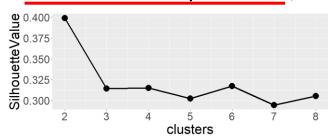
Metodi non-model based come *k-means, PAM, hierarchical clustering,* sono estremamente sensibili alla correlazione tra indicatori



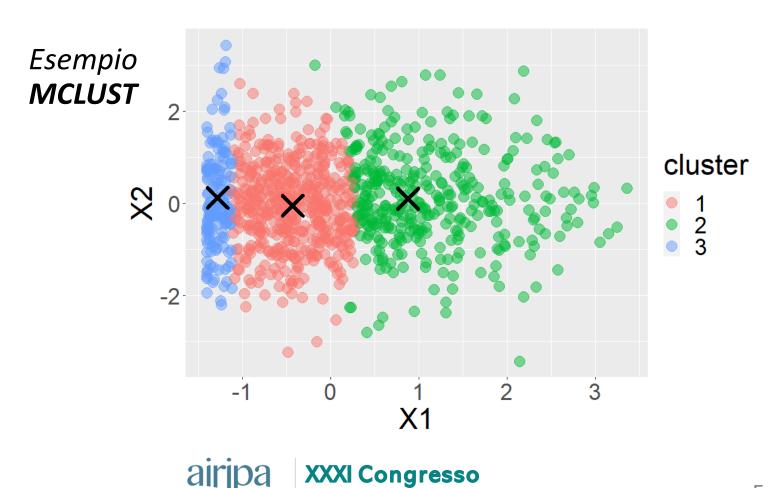
Simulati N = 1000 casi, normalmente distribuiti, su v = 2 indicatori correlati r = 0.50

Partitioning Aroung Medoids (fpc::pamk) rileva come soluzione ottimale G = 2 cluster che non esistono

Duda-Hart test: p < 0.001; dh = 0.51



Metodi *model-based* sono sensibili a violazione assunzione distribuzioni

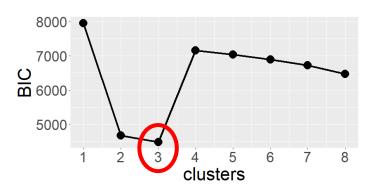


21/23 sett 2023

Foggia

Simulati N = 1000 casi, normalmente distribuiti, su v = 2 indicatori non correlati (r = 0.00), ma uno dei due ha skewness = 0.70

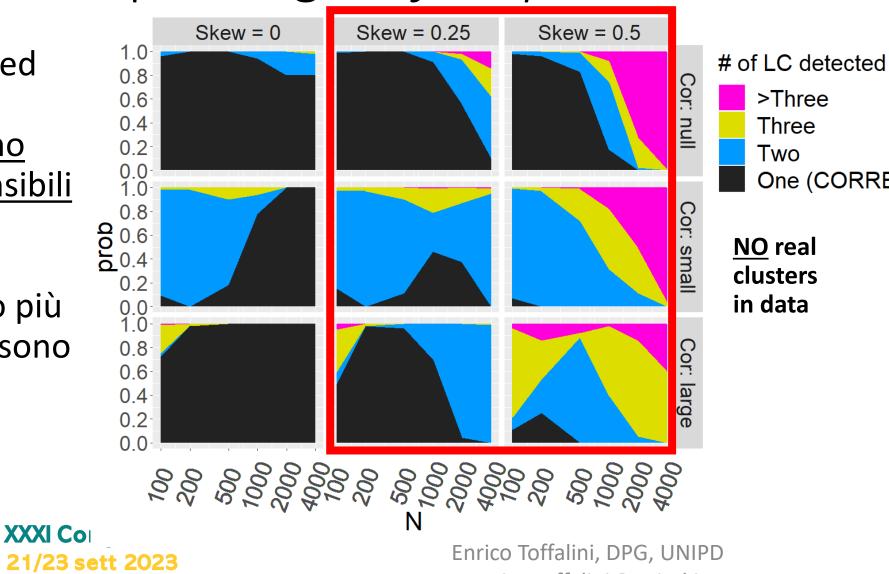
mclust (mclust::Mclust) rileva come soluzione ottimale G = 3 cluster che non esistono



Metodi model-based come il Gaussian mixture model sono estremamente sensibili a violazione delle assunzioni sulle distribuzioni, tanto più quanto più grandi sono i campioni

airipa

Foggia



Enrico Toffalini, DPG, UNIPD enrico.toffalini@unipd.it

>Three

One (CORRECT)

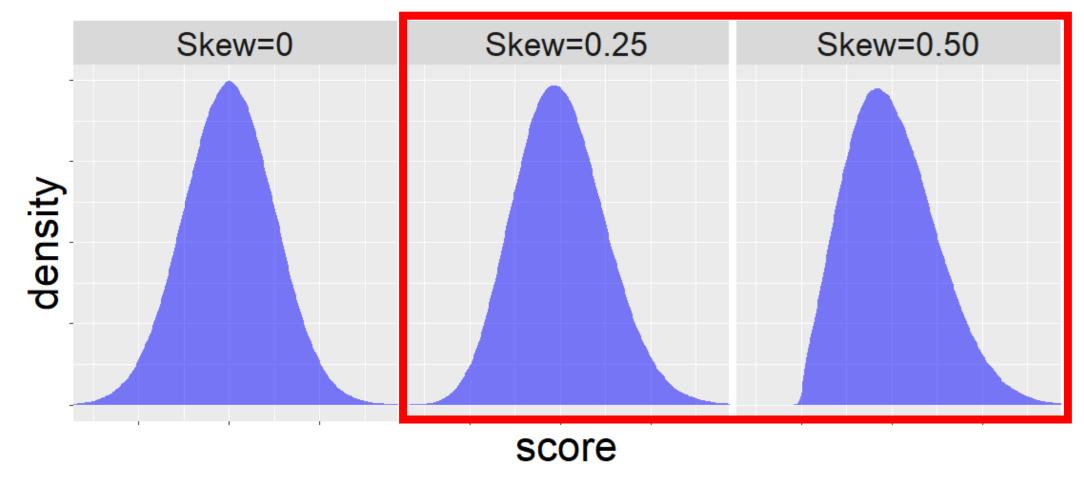
Three

Two

NO real

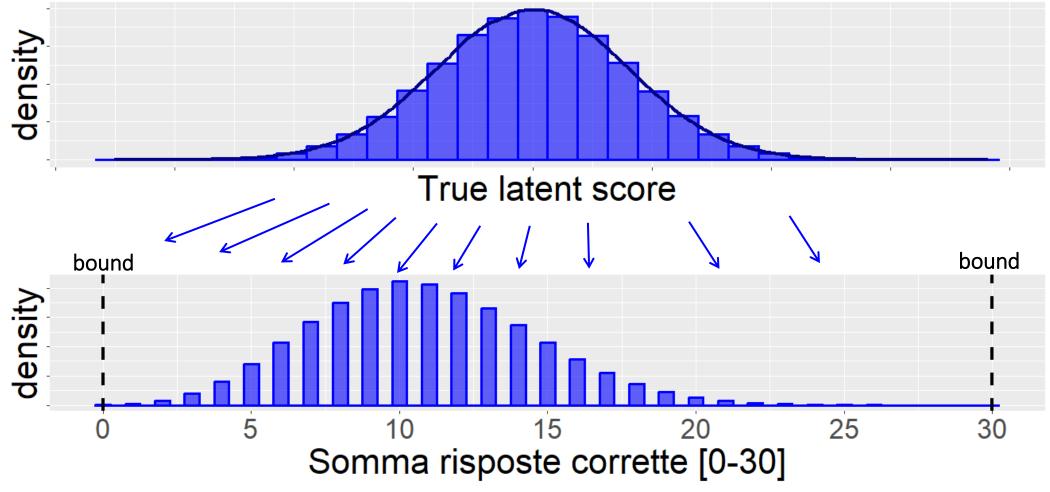
clusters

in data





Come si genera una skewness di 0.25? Esempio:

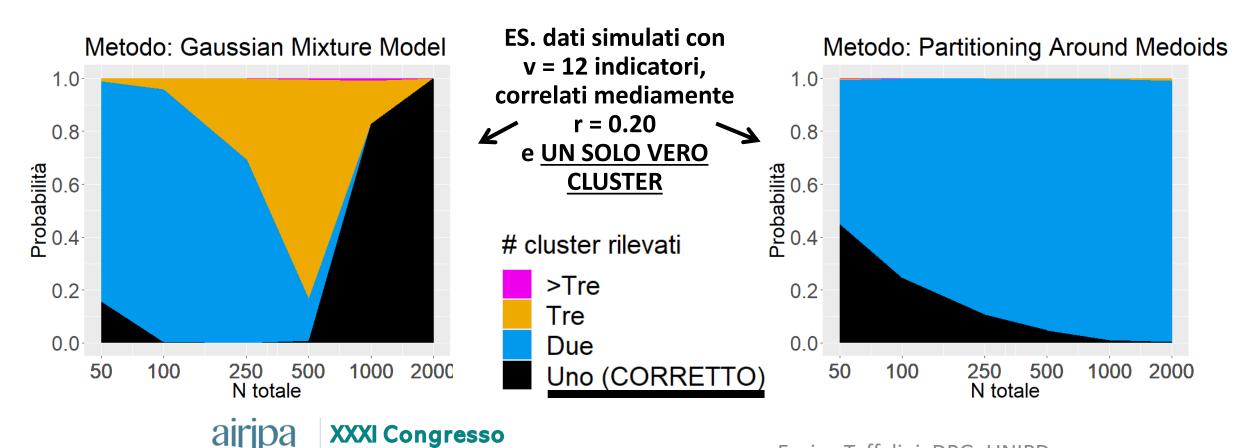




21/23 sett 2023

Foggia

QUINDI violazione di assunzioni o talvolta anche solo combinazioni «sfortunate» di parametri portano a trovare più cluster di quanti ne esistano realmente



In conclusione

- → Metodi *non model based* come *k-means e PAM* (ma anche model-based con N medio-piccoli) vi fregano quando gli indicatori sono correlati, anche debolmente... e in psicologia lo sono quasi sempre
- → Metodi *model based* vi fregano se le distribuzioni non rispettano le assunzioni... e in psicologia succede quasi sempre
- → I rischi di falsi positivi sono spesso tanto più gravi quanto maggiore è l'N! ... e comunque con effetti piccoli dovete avere N grandi, il che in psicologia vale quasi sempre



Siete i soliti disfattisti! Diteci cosa dobbiamo fare

- Prendete i vostri dati e valutate voi stessi *a priori* i rischi, applicando diversi metodi di clustering
- Come? Simuli dati sotto H₀ e sotto H₁ e valuti i rischi via Monte Carlo
- Cioè cosa simulo? Dati multivariati con una certa distribuzione (es. Gaussiana), N soggetti, v dimensioni, date correlazioni, skewness, curtosi, ... (molto utile semTools::mvrnonnorm)

Seguirà tutorial (stay tuned)





Grazie per l'attenzione



ENRICO TOFFALINI enrico.toffalini@unipd.it



FILIPPO GAMBAROTA filippo.gambarota@unipd.it

con un grazie al team di lavoro: Paolo Girardi, Ambra Perugini, David Giofrè, Gianmarco Altoè

