

Variabilidad Conservación Individual

Permite conocer el grado de conservación de secuencias de interés informando del residuo más prevalente y su porcentaje, generando secuencias consenso



- 1 Seleccionar la carpeta de entrada. Debe contener únicamente los archivos .fasta de las secuencias a analizar alineadas en NT o AA (1 archivo o varios).
- 2 Seleccionar el Formato de salida escogiendo entre **Lista** (emplea un cribado automático >75%) o **Tabla** (emplea un cribado automático del 100%).
- 3 Introducir la secuencia de referencia en letras sin saltos de línea.
- 4 Seleccionar la carpeta de salida e introducir el nombre del archivo de la siguiente manera: /NOMBRE.html.
- 5 Pulsar Calcular.

Formato de salida **Lista**:

Variabilidad Lista Consevación Individual		
PR_01_AE.fasta		
CONSENSO	PQITLWQRPLVTYKIGGGQLKEALLDTGADDTVLEIDINLPQKWKPKMIGGGGFIKVRQYDQILIEICGHKAIGTVLVGPTPVNIIGRMLTQIGCTLNF	
Posición	Residuos	Posiciones Totales
P1	P(99.896%)	26838
Q2	Q(99.782%)	26649
V3	I(99.858%)	26831
T4	T(99.858%)	26816
L5	L(99.888%)	26780
W6	W(99.929%)	26836
Q7	Q(99.761%)	26536

Muestra el consenso generado, las posiciones que contengan un residuo conservado con una frecuencia superior al 75%, el residuo con su frecuencia de aparición coloreada según el código de colores, y el número de secuencias válidas para esa posición.

Formato de salida **Tabla**:

Variabilidad Tabla Conservación Individual																	
Archivo	Referencia	P	Q	V	T	L	W	Q	R	P	L	V	T	I	K	I	G
	Posición	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
PR_01_AE.fasta	Residuo	P	Q	I	T	L	W	Q	R	P	L	V	T	V	K	I	G
	Conservación	99.896	99.782	99.858	99.858	99.888	99.929	99.751	99.922	99.955	87.446	99.512	95.028	56.099	95.188	88.392	72.550
	Número de Secuencias	26838	26649	26831	26816	26780	26836	26536	26792	26613	25952	26416	26469	26150	26270	26206	25636
PR_02_AG.fasta	Residuo	P	Q	I	T	L	W	Q	R	P	L	V	T	V	R	I	G
	Conservación	99.948	99.819	99.529	99.728	99.958	99.875	99.838	99.895	99.947	83.181	96.532	89.274	91.362	59.803	85.337	70.800
	Número de Secuencias	9571	9416	9557	9561	9560	9575	9248	9557	9351	9186	9313	9295	9308	8916	9289	9233

La salida **Tabla** muestra la secuencia de referencia y la posición de cada residuo, seguido del análisis de cada archivo con el residuo más frecuente para cada posición con la celda coloreada siguiendo el código de colores, su frecuencia de conservación y el número de secuencias válidas por cada posición.

Más información sobre esta función en el Manual de Usuario, apartado:

II. VARIABILIDAD II.2 CONSERVACIÓN II.2.A) INDIVIDUAL