

Búsqueda de Secuencias Conservadas

Manual de Usuario

Sección III.3: Búsqueda de Secuencias Conservadas (p122 - p128)

Consulta el manual completo [aquí](#).

Archivo de Ejemplo

Nombre del archivo: BÚSQUEDA DE SECUENCIAS CONSERVADAS RT VIH-1.html

Selección de Parámetros

- **Rango:**
 - *Todo el Rango*
- **% Conservación:**
 - 90.0
- **Longitud de Secuencias:**
 - 10 – 11
- **Referencia:**
 - *PISPIETVPVKLPGMDGPKVKQWPLTEEKIKALVEICTEMEKEGKISKIGPENPYNTPVFAIKKK
DSTKWRKLVDFRELNKRTQDFWEVQLGIPHPAGLKKKSVTVLDVGDAYFSVPLDEDFRKYTAF
TIPSINNETPGIRYQYNVLPQGWKGSPAIFQSSMTKILEPFRKQNPDIVIYQYMDDLVVGSDLEIG
QHRTKIEELRQHLLRWGLTTPDKKHQKEPPFLWMGYELHPDKWTVQPIVLPEKDSWTVNDIQ
KLVGKLNWASQIYPGIKVRQLCKLLRGTKALTEVIPLTEEALELAENREILKEPVHGVYDPSKDLI
AEIQKQGQGQWTYQIYQEPFKNLKTGKYARMRGAHTNDVKQLTEAVQKITTESIVIWGKTPKF
KLPIQKETWETWWTEYWQATWIPEWEFVNTPLVLKWLWYQLEKEPIVGAETF*



The screenshot shows the EpiMolBio v.0.1 web application interface. The title bar indicates the version. The main header is "BÚSQUEDA DE SECUENCIAS CONSERVADAS" with a logo. A left sidebar contains navigation links: EpiMolBio, INICIO, VIRUS, VARIABILIDAD, **HOMOLOGÍA** (highlighted), RASTREADOR, ALINEAMIENTOS, and HERRAMIENTAS. At the bottom of the sidebar are flags for Spain and the UK. The main content area has an "Entrada" (Input) section with a "< Atrás" button. It includes fields for "Rango" (set to "Todo el Rango"), "Rango Seleccionable" (two empty boxes), and "% Conservación" (set to 90.0). Below these are "Longitud de Secuencias" (set to 10 and 11) and a "Referencia" field containing a long protein sequence. A "Salida" (Output) section is at the bottom with a "Salida" label. At the very bottom are icons for help and feedback, and "Calcular" (Calculate) and "Cancelar" (Cancel) buttons.