

Herramientas Buscar y Reemplazar

Permite reemplazar en uno o varios archivos “.fasta” una serie de caracteres por otros en el encabezado o en la propia secuencia genética.



- ① Seleccionar la carpeta de entrada. Debe contener únicamente los archivos .fasta que se quiera modificar.
- ② Introducir los caracteres a reemplazar.
- ③ Introducir los caracteres nuevos que reemplazarán los anteriores.
- ④ Seleccionar donde se modificarán los caracteres: encabezado o secuencia.
- ⑤ Seleccionar la carpeta de salida sin introducir el nombre del archivo. Se nombrará automáticamente como “Reemplazar_Nombre del archivo de entrada.fasta”.
- ⑥ Pulsar Calcular.

Se genera un archivo .fasta con los encabezados o secuencias modificados.

Archivo original:

```
>HCOV/19/SPAIN/AS/232252631/2022.EPI|ISL|8818639.2022/01/05  
MYSFVSEETGTLIVNSVLLFLAFVVLLVTLAILTALRLCAYCCNIVNVSLVKPS  
FYVYSRVKKNLNSSRVPDLLV  
>HCOV/19/SPAIN/AS/232253923/2022.EPI|ISL|8818658.2022/01/05  
MYSFVSEEIGTLIVNSVLLFLAFVVLLVTLAILTALRLCAYCCNIVNVSLVKPSF  
YVYSRVKKNLNSSRVPDLLV
```

Archivo modificado:

```
>HCOV/19/SPAIN/AS/232252631/2022.EPI|ISL|8818639.2022/01/05  
MYSFVSEETGTLIVNSVLLFLAFVVLLVTLAILTALRLCAYCCNIVNVSLVKPS  
FYVYSRVKKNLNSSRVPDLLV  
>HCOV/19/SPAIN/AS/232253923/2022.EPI|ISL|8818658.2022/01/05  
MYSFVSEEIGTLIVNSVLLFLAFVVLLVTLAILTALRLCAYCCNIVNVSLVKPSF  
YVYSRVKKNLNSSRVPDLLV
```

Más información sobre esta función en el Manual de Usuario, apartado:

VI. HERRAMIENTAS VI.1 EDICIÓN DE ARCHIVOS VI.1.D) BUSCAR Y REEMPLAZAR