

VIH Mutaciones de Resistencia Transmitidas Individual

Permite obtener el porcentaje de mutaciones de resistencia transmitidas, respecto a una secuencia de referencia, a partir de secuencias de aminoácidos de las proteínas de Pol del VIH-1.



- 1 Seleccionar la carpeta de entrada. Debe contener únicamente los archivos .fasta de la proteína de Pol a analizar, traducidos en AA y alineados (1 archivo o varios).
- 2 Seleccionar el tipo de SDRM que se quiere analizar eligiendo entre mutaciones frente a IP (inhibidores de la proteasa), ITIAN (inhibidores de la transcriptasa inversa análogos de los nucleós/tidos), ITINAN (inhibidores de la transcriptasa inversa no análogos de los nucleós/tidos) e INI (inhibidores de la integrasa).
- 3 Seleccionar el formato de salida deseado eligiendo entre:

Lista

Lista Mutaciones de Resistencia Transmitidas SDRM-IP OMS		
PR_procesado_traducido_01_AE.fasta		
Posición	Residuos	Posiciones Totales
L23	L(99.935%) I(0.019%*) F(0.015%) V(0.019%) Q(0.004%) P(0.004%) S(0.004%)	26251
L24	L(99.940%) I(0.015%*) V(0.019%) S(0.019%) F(0.007%)	26714
D30	D(99.965%) K(0.004%) N(0.004%*) G(0.007%)	26741
V32	V(99.929%) A(0.015%) I(0.026%*) L(0.023%) E(0.008%)	26584
M46	M(98.733%) I(0.661%*) L(0.531%*) V(0.064%) R(0.011%)	26764

Muestra las posiciones que presenten mutaciones con los residuos encontrados y su porcentaje, indicando las SDRM con un asterisco (*). Al final de cada línea aparece el número total de secuencias válidas para esa posición.

Tabla

		Tabla Mutaciones de Resistencia Transmitidas SDRM-IP OMS																							
		L23I	L24I	D30N	V32I	M46I	M46L	I47V	I47A	G48V	G48M	I50V	I50L	F53L	F53Y	I54V	I54L	I54M	I54A	I54T	I54S	G73S	G73T	G73C	G73A
PR_procesado_traducido_01_AE.fasta		0.619%	0.615%	0.604%	0.609%	0.661%	0.521%	0.640%	0.619%	0.619%	0.615%	0.620%		0.619%	0.622%	0.622%	0.622%	0.619%	0.619%		0.615%	0.617%	0.604%		
PR_procesado_traducido_02_AG.fasta		0.621%	0.621%	0.602%	0.621%	0.609%	0.578%	0.604%		0.619%	0.642%		0.619%	0.615%	0.615%	0.609%	0.602%	0.621%				0.619%			0.621%
PR_procesado_traducido_03_A6B.fasta					0.590%	1.302%	0.651%		0.640%			0.647%	0.624%	0.620%		0.629%						0.624%			
PR_procesado_traducido_04_cpx.fasta			0.667%	0.667%			0.5333%			0.667%						0.5333%					0.667%				
PR_procesado_traducido_05_DF.fasta																									
PR_procesado_traducido_06_cpx.fasta		0.612%				1.754%	0.279%	0.268%					0.612%	0.269%	0.269%	1.357%									
PR_procesado_traducido_07_BC.fasta				0.618%		0.609%	0.607%					0.609%										0.609%			
PR_procesado_traducido_08_BC.fasta			0.643%	0.643%		0.628%		0.643%				0.628%					0.643%								0.643%
PR_procesado_traducido_09_cpx.fasta														0.604%		0.619%									

Muestra en la primera fila: el tipo de SDRM. En la primera columna: el nombre de los archivos de entrada. En el resto de columnas aparece la SDRM detectada con la celda coloreada según el porcentaje de aparición en cada archivo de entrada.

Tabla Resumen

Tabla Resumen Mutaciones de Resistencia Transmitidas SDRM-IP OMS	
Archivo	SDRM IP OMS
PR_procesado_traducido_01_AE.fasta	L23I, L24I, D30N, V32I, M46IL, I47VA, G48VM, I50V, F53LY, I54VLMAS, G73ST, L76V, V82ATFSML, N83D, I84V, I85V, N88DS, L90M
PR_procesado_traducido_02_AG.fasta	L23I, L24I, D30N, V32I, M46IL, I47V, G48VM, I50L, F53LY, I54VLM, G73SA, L76V, V82ATFSCL, N83D, I84VAC, I85V, N88DS, L90M
PR_procesado_traducido_03_A6B.fasta	V32I, M46IL, I47A, I50VL, F53L, I54V, G73S, L76V, V82AT, I84V, L90M

Muestra en la primera columna el nombre de los archivos de entrada. En la siguiente, el tipo de SDRM, y bajo ésta los residuos encontrados que corresponden a las SDRM coloreados según su porcentaje.

El código de colores empleado para los porcentajes se puede consultar en el archivo de salida.

- 4 Seleccionar la carpeta de salida e introducir el nombre del archivo de la siguiente manera: /NOMBRE.html.
- 5 Pulsar Calcular.

Más información sobre esta función en el Manual de Usuario, apartado:

I. VIRUS I.1 VIH I.1.A) MUTACIONES DE RESISTENCIA (Mutaciones Individuales Transmitidas)