

Variabilidad Frecuencia de Mutación

Genera una serie de parámetros relacionados con la frecuencia de aparición de mutaciones en un grupo de secuencias como la frecuencia de mutación, el porcentaje de conservación y las mutaciones medias por secuencia.



- 1. Seleccionar la carpeta de entrada. Debe contener únicamente los archivos .fasta de las secuencias a analizar en NT o AA.
- 2. Marcar NT/AA según el formato de las secuencias de entrada.
- 3. Marcar Alinear si las secuencias de entrada están sin alinear.
- 4. Introducir la secuencia de referencia sin saltos de línea.
- 5. Seleccionar la carpeta de salida e introducir el nombre del archivo de la siguiente manera: /NOMBRE.csv.
- 6. Pulsar Calcular.

	A	B	C	D	E	F
1	Archivo	Frecuencia Mut.	Frecuencia Mut. %	% Conservación	Mut. Media Sec	Sec. Totales
2	1-2022_AS_traducido.fas	0.01333	1.33%	98.67%	1	18
3	1-2022_CL_traducido.fas	0.01139	1.14%	98.86%	0.84	287

El archivo .csv muestra el nombre de los archivos de entrada, el número de residuos mutados/número de posiciones válidas totales (Frecuencia de Mut.), la frecuencia de mutación x 100 (Frecuencia de Mut.%), 100 - frecuencia de mutación porcentual (% Conservación), el número de residuos mutados / total de secuencias en el archivo de entrada (Mut. Media Sec) y el total de secuencias por archivo (Sec. Totales).

Más información sobre esta función en el Manual de Usuario, apartado:

II. VARIABILIDAD II.5 FRECUENCIA DE MUTACIÓN