



دانشگاه صنعتی شریف
مهندسی برق

پایان نامه‌ی کارشناسی ارشد
مهندسی پزشکی

عنوان:

کاهش نرخ نمونه برداری MRI

نگارش:

محمد رضیئی فیجانی

استاد راهنما:

دکتر بیژن وثوقی وحدت

شهریور ۱۳۹۹

اللهُ أَكْبَرُ

فهرست مطالب

۱۰	۱ پیش زمینه تحقیق
۱۰	۱-۱ ساختار تصویربرداری MRI
۱۰	۱-۱-۱ تاریخچه
۱۱	۱-۲ خطرات MRI
۱۲	۱-۳-۱ تولید کنندگان بزرگ دستگاه MRI
۱۴	۱-۴ زبان فنی MRI
۱۵	۱-۵ بررسی مفهوم اسپین
۲۷	۱-۶ سیگنال FID و آزادسازی
۳۰	۱-۷ گرادیان
۳۵	۱-۸ k-space
۳۸	۱-۹ مسیرهای نمونهبرداری
۴۲	۱-۱۰ مطالعه بیشتر
۴۲	۲-۱ یادگیری عمیق
۴۴	۳-۱ حسگری فشرده
۴۵	۴-۱ آشنایی با فرمت های ذخیره سازی
۴۵	۴-۱-۱ فرمت ذخیره سازی ISMRMRD

۴۸	۲ مرور ادبیات
۴۸	۱-۲ مقدمه
۴۹	۲-۲ روش‌های متداول پردازش سیگنال
۵۰	۳-۲ تصویربرداری موازی
۵۳	۱-۳-۲ روش‌های تصویربرداری موازی
۵۴	۲-۳-۲ آرایه‌های سیمپیچ های دریافت کننده
۵۶	۳-۳-۲ یک مثال ساده از pMRI
۵۷	۴-۳-۲ تصویربرداری موازی جزئی با حساسیت‌های محلی شده (PILS)
۵۸	۵-۳-۲ کدکردن حساسیت (SENSE)
۶۱	۶-۳-۲ SMASH
۶۳	۷-۳-۲ معرفی روش‌های خود تنظیم
۶۴	۸-۳-۲ ARC و GRAPPA
۶۷	۴-۲ حسگری فشرده
۶۷	۱-۴-۲ CS-MRI
۶۸	۲-۴-۲ معرفی روش ALOHA
۶۸	۵-۲ یادگیری عمیق
۶۹	۱-۵-۲ استفاده از اتوانکدور در حوزه‌ی k-space
۷۴	۳ طراحی آزمایشات
۷۴	۱-۳ آماده سازی
۷۵	۲-۳ دادگان آزمایش
۸۲	۴ نتایج

فهرست شکل‌ها

۱۲	تصویر سازندگان اصلی دستگاه تصویربرداری MRI	۱-۱
۱۳	تصویری از آرشیو اداره ثبت اختراعات آمریکا که متعلق به ریموند دامادیان، دانشمند آمریکایی و یکی از مخترعین سیستم‌های نوین ام آر آی . . .	۲-۱
۱۳	یک دستگاه MRI ساخت شرکت SIEMENS	۳-۱
۱۵		۴-۱
۱۸		۵-۱
۱۸		۶-۱
۱۹		۷-۱
۱۹		۸-۱
۲۰		۹-۱
۲۱		۱۰-۱
۲۴		۱۱-۱
۲۵		۱۲-۱
۲۶		۱۳-۱
۲۷		۱۴-۱
۲۸		۱۵-۱

۲۹	۱۶-۱
۳۰	۱۷-۱
۳۱	۱۸-۱
۳۱	۱۹-۱
۳۲	۲۰-۱
۳۲	۲۱-۱ دوندگان در یک مسیر
۳۲	۲۲-۱
۳۳	۲۳-۱
۳۳	۲۴-۱
۳۴	۲۵-۱ معمای سه کلید و سه لامپ
۳۵	۲۶-۱
۴۳	۲۷-۱
۴۳	۲۸-۱
۴۳	۲۹-۱
۴۴	۳۰-۱
۴۴	۳۱-۱
۴۶	۳۲-۱ دیتاست فرمت ISMRMRD
۴۷	۳۳-۱
۴۹	۱-۲
۵۰	۲-۲
۵۱	۳-۲
۵۳	۴-۲

۵۵	۵-۲
۵۵	۶-۲
۵۶	۷-۲ مثال ساده‌ای از pMRI
۵۸	۸-۲ روش PILS
۵۹	۹-۲ روش SENSE
۶۲	۱۰-۲ روش SMASH
۶۳	۱۱-۲
۶۴	۱۲-۲ روش خودتنظیم mSENSE
۶۵	۱۳-۲
۶۵	۱۴-۲
۶۶	۱۵-۲
۶۷	۱۶-۲
۶۸	۱۷-۲
۷۳	۱۸-۲
۷۵	۱-۳
۸۱ تصاویر بازسازی شده از داده خام و نمونه برداری شده کامل	۲-۳
۸۱	۳-۳

فهرست جدول‌ها

۱۴ عبارت مهم در MRI	۱-۱
۱۶ بررسی عدد اسپین نسبت به عدد اتمی و جرم اتمی	۲-۱
۱۷ بررسی عدد اسپین نسبت به تعداد پروتون‌ها و تعداد نوترون‌ها	۳-۱
۲۳	۴-۱
۳۱	۵-۱
۳۸ مسیرهای نمونه برداری	۶-۱
۴۷	۷-۱

بخش ۱

پیش زمینه تحقیق

۱-۱ ساختار تصویربرداری MRI

۱-۱-۱ تاریخچه

تاریخچه تصویربرداری تشید مغناطیسی^۱ (MRI) تلاش تعداد زیادی از محققانی را شامل می‌شود که پدیده تشید مغناطیسی هسته^۲ (NMR) را کشف کردند. در سال ۱۹۵۰، حصول تصویر یک بعدی MRI توسط هرمن کار^۳ گزارش گردید. پاول لاتربر^۴، شیمیدان آمریکایی با کار بر روی تحقیقات پیشین، موفق به ابداع روش‌هایی برای تولید تصاویر دو بعدی و سه بعدی MRI گردید. سرانجام وی در سال ۱۹۷۳ اولین تصویر گرفته شده بر اساس تشید مغناطیسی هسته‌ای (NMR) خود را منتشر نمود. اولین تصویر مقطع نگاری از یک موش زنده در ژانویه ۱۹۷۴ منتشر گردید.

از سوی دیگر تحقیقات و پیشرفت‌های مهمی در زمینه تصویربرداری بر اساس تشید مغناطیسی هسته برای نخستین بار در دانشگاه ناتینگهام انگلستان^۵ صورت پذیرفت، جایی که پیتر منسفیلد فیزیکدان برجسته آن مؤسسه با گسترش یک روش ریاضی موفق به کاهش زمان تصویربرداری و افزایش کیفیت تصاویر نسبت به روش بکارگرفته شده توسط لاتربر گردید. در همان زمان در سال ۱۹۷۱ دانشمند

¹Magnetic Resonance Imaging

²Nuclear Magnetic Resonance

³Herman Carr

⁴Paul C. Lauterbur

⁵University of Nottingham

آمریکایی ارمنی تبار ریموند دامادیان استاد دانشگاه ایالتی نیویورک در مقاله‌ای که در مجله Science منتشر گردید، اعلام نمود که امکان تشخیص تومور از بافت‌های عادی به کمک تصویربرداری NMR میسر می‌باشد.

سرانجام جایزه نوبل پزشکی سال ۲۰۰۳ به خاطر اختراع ام آر آی به پاول لاتربر از دانشگاه ایلینوی در اوربانا شامپاین و پیتر منزفیلد از انگلستان اعطا گردید. این جایزه به تنها یکی می‌تواند اهمیت این نوع تصویربرداری را نشان دهد.

اما چه عواملی باعث شده‌اند تا این‌قدر MRI بالاهمیت و ویژه باشند؟ تصویربرداری MRI روشنی غیر تهاجمی و نسبتاً امن است.

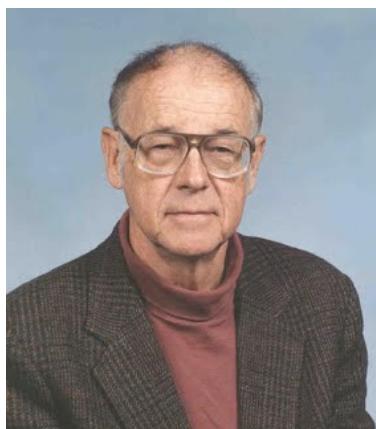
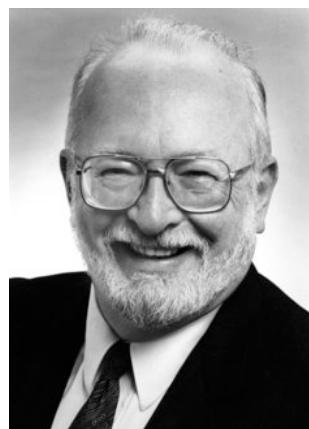
سیستم‌های ام آر آی امروزه غالباً دارای قدرت میدان‌های ۱، ۰/۲، ۱/۵، و ۳ تесلا می‌باشند. در ایالات متحده آمریکا بیمارستان‌ها و مراکز خدمات بهداشتی اجازه استفاده از سیستم‌های تا ۴ تесلا را نیز برای یک بیمار دارند. اما از چهار تesla به بالا صرفاً جنبه و کاربردهای تحقیقاتی دارد.

امروزه بزرگ‌ترین تولیدکننده‌های سیستم‌های ام آر آی شرکت‌های زیمنس (آلمان)، جنرال الکتریک (آمریکا)، توшибیا (ژاپن)، و فیلیپس (هلند) می‌باشند.

۱-۲-۱ خطرات MRI

برخلاف سایر دستگاه‌های تصویربرداری مثل اشعه ایکس و سی‌تی اسکن، ام آر آی از تشعشع یونیزه استفاده نمی‌کند. از این ابزار می‌توان برای تصویربرداری از جنین در دوران بارداری استفاده کرد بدون آن که اثری روی آن داشته باشد. اما باز هم این روش ممکن است خطراتی در پی داشته باشد و به همین دلیل جوامع پزشکی استفاده از MRI را در مراحل اولیه تشخیص بیماری توصیه نمی‌کنند. از آنجایی که در فرآیند ام آر آی از مغناطیس قوی استفاده می‌شود هر قطعه فلزی که در بدن وجود داشته باشد مثل ضربان ساز قلب، مفصل مصنوعی، دریچه مصنوعی قلب، حلزون مصنوعی گوش و یا هر نوع صفحه و پیچ و مهره فلزی در بدن ممکن است خطرساز باشد، چون میدان مغناطیسی می‌تواند باعث جابجایی و یا گرم شدن آن قطعه شود.

تعدادی از بیمارانی که از ضربان ساز قلب استفاده می‌کردند طی انجام ام آر آی از دنیا رفتند. بنابراین لازم است تکنولوژیست MRI سوالات لازم را قبل از انجام این فرآیند از بیمار بپرسد. البته بیشتر قطعات فلزی که امروز در ایمپلنت‌های بدن استفاده می‌شوند تحت تأثیر میدان‌های مغناطیسی قرار نمی‌گیرند و

source: <https://is.gd/teAHxS>source: <https://is.gd/HgbMvo>

(ب) تصویر هرمن کار

(آ) تصویر پاول لاتربور

source: <https://is.gd/W7AXIL>

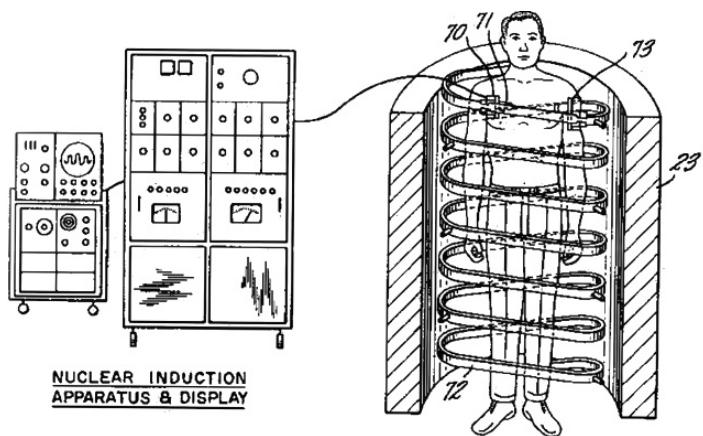
(ج) تصویر Peter-Mansfield

شکل ۱-۱: تصویر سازندگان اصلی دستگاه تصویربرداری MRI

به اصطلاح MR-Safe هستند. علاوه بر این، هنگام اسکن، دستگاه ام آر آی صدای بدنی تولید می‌کند که ممکن است باعث ناراحتی فرد شود، بنابراین استفاده از حفاظت گوش در طول این فرآیند ضروری است.

۱-۳-۱ تولید کنندگان بزرگ دستگاه MRI

دستگاه‌های MRI توسط کمپانی‌های مختلفی در دنیا تولید می‌شوند. هر یکی از این دستگاه‌ها ملاحظاتی دارند که با دیگری متفاوت است. در این قسمت صرفا برای شناخت، تعدادی از فروشنده‌گان دستگاه

source: <https://w.wiki/3STS>

شکل ۱-۲: تصویری از آرشیو اداره ثبت اختراعات آمریکا که متعلق به ریموند دامادیان، دانشمند آمریکایی و یکی از مخترعین سیستم‌های نوین ام آر آی

source: <https://is.gd/q4EXoV>

شکل ۱-۳: یک دستگاه MRI ساخت شرکت SIEMENS

MRI^۶ نام بردۀ می‌شود و وارد جزئیات این تفاوت‌ها نمی‌شویم. شکل ۱-۳ یک دستگاه MRI ساخته شده توسط SIEMENS را نشان می‌دهد.

برخی از مهمترین شرکت‌های تولید کننده دستگاه MRI در زیر لیست شده‌اند.

Toshiba Medical Systems Corporation •

GE Healthcare •

Fujifilm Holdings •

Philips •

Shimadzu Corporation •

Siemens Healthcare •

⁶MR vendors

Hologic •

Carestream Health •

Esaote •

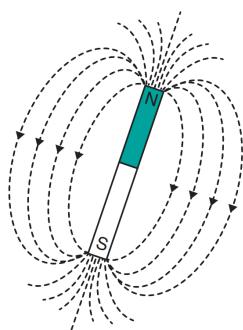
Hitachi Medical Corporation •

۱-۱-۴ زبان فنی MRI

در حوزه MRI نیز مانند دیگر شاخه های علوم پزشکی و کلا علوم، زبان و عبارت های خاص خود را دارد. بسیاری از این عبارت ها که با حرف T شروع می شوند ممکن است کمی عجیب و سردم کننده باشد. هرچند در ادامه برخی از آن ها را به تفصیل توضیح خواهیم داد اما در ابتدا یک بار با آن ها در این قسمت آشنا می شویم. جدول ۱-۱ برگرفته شده از [۲۰] این موارد را بیان می کند.

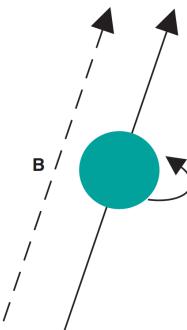
عبارت	توضیحات
T ₁	یکی از مشخصه های یک بافت است که زمان آزادسازی اسپین-لتیس نامیده می شود.
T ₂	یکی از مشخصه های یک بافت است که زمان آزادسازی اسپین-اسپین نامیده می شود.
T ₂ *	یکی از مشخصه های بافتی است که در یک میدان مغناطیسی قرار دارد و زمان آزادسازی اسپین-اسپین آشکار نامیده می شود.
PD	یکی از مشخصه های بافت است که چگالی پروتون نامیده می شود (ارتباط نزدیکی با محتوای آبی دارد).
TR	یکی از مشخصه های زمانی اسکن است که زمان تکرار نامیده می شود.
TE	یکی از مشخصه های زمانی اسکن است که زمان وارونگی نامیده می شود.
TI	یکی از مشخصه های زمانی اسکن است که زمان تکرار نامیده می شود.
α	یکی از پارامتر های اسکن است که زاویه تکان نیز نامیده می شود.
T _{1W}	توصیفی از کانتراست تصویر است که بستگی شدیدی به خاصیت T ₁ بافت دارد.
T _{2W}	توصیفی از کانتراست تصویر است که بستگی شدیدی به خاصیت T ₂ بافت دارد.
T _{2*} W	توصیفی از کانتراست تصویر است که بستگی شدیدی به خاصیت T ₂ * بافت دارد.
PDw	توصیفی از کانتراست تصویر است که بستگی شدیدی به خاصیت PD بافت دارد.

جدول ۱-۱: عبارت مهم در MRI



doi:10.1002/9781119013068

(ب) مغناطیسی



doi:10.1002/9781119013068

(آ) اسپین

شکل ۱-۴:

۱-۱-۵ بررسی مفهوم اسپین

ساختار یک اتم، یکی از اجزای اساسی در آزمایشات تشدید مغناطیسی است. اتم‌ها از سه ذره اصلی^۷ تشکیل شده‌اند: (۱) پروتون، که بار مثبت دارد (۲) نوترون، که بدون بار است (۳) الکترون، که بار الکتریکی منفی دارد. پروتون‌ها و نوترون‌ها در درون هسته اتم قرار گرفته‌اند و الکترون‌ها در خارج هسته به دور آن می‌گردند. همچنین عدد/اتمی^۸ تعداد پروتون‌های یک اتم و جرم/اتمی^۹، تعداد پروتون‌ها و نوترون‌ها در یک اتم را نشان می‌دهد. اگر دو اتم عدد/اتمی یکسان اما عدد جرمی متفاوت داشته باشند، آن دو اتم را همربیخت یا ایزوتوپ^{۱۰} یکدیگر می‌نامند. که خواص شیمیایی مشابهی اما با نرخ‌های متفاوت دارند.

یکی دیگر از خواص هسته‌ها، اسپین^{۱۱} یا اندازه حرکت زاویه‌ای ذاتی اسپینی^{۱۲} است. هسته‌هایی که حرکت اسپینی دارند همواره حول یک محور در حال گردش هستند. (شکل ۱-۴-آ) حرکت اسپینی را نمایش می‌دهد). تمام عناصر جدول تناوبی^{۱۳} بجز آرگون^{۱۴} و سریم^{۱۵} حداقل یک ایزوتوپ دارند که حرکت اسپینی دارد. از آنجا که این حرکت نقش مهمی در اصول تصویربرداری MRI دارد، بنابراین تقریباً

⁷Fundamental Particles⁸Atomic Number⁹Atomic Weight¹⁰Isotope¹¹Spin¹²Intrinsic Spin Angular Momentum¹³Periodic Table¹⁴Argon¹⁵Cerium

تمامی عناصر قابلیت مشاهده شدن در تصویربرداری MRI را دارند. اسپین یکی از خواص کوانتموی هسته است و تعداد محدودی اسپین در طبیعت وجود دارد.

اسپین که با نماد I و یا Φ نمایش می‌دهند، مقدایر کوانتیده‌ای به خود می‌گیرد به طوری که می‌تواند صفر یا یک عدد صحیح (مثل ۱ و ۲ و ۳ و ...) و یا یک عدد صحیح و نصفی (مثل $1/5$ و $2/5$ و ...) باشد. بنابر [۴]، می‌توان جدول ۱-۲ را استخراج نمود که آن را می‌توان به شیوه جدول ۱-۳ برحسب تعداد پروتون‌ها و نوترون‌ها به خاطر سپرد. در حقیقت اتم‌هایی با عدد اتمی یا جرم اتمی فرد دارای اسپین هستند و اگر هردو زوج باشند، نمی‌توان آن‌ها را در تصویربرداری MRI مطالعه نمود.

در تصویربرداری MRI ما بروی هسته‌هایی مرکز هستیم که اسپین آن‌ها $\frac{1}{2}$ است. به‌طور خاص در تصویربرداری MRI، هسته اتم هیدروژن H^1 (فراوان‌ترین ایزوتوب هیدروژن) و اتم کربن C^{13} (ایزوتوب کمیاب اما مفید در تصویربرداری) استفاده می‌شود. [۱۴] با توجه به این که فراوان‌ترین ایزوتوب کربن یعنی C^{12} فاقد اسپین است (چراکه تعداد پروتون‌ها و نوترون‌های آن هردو زوج هستند)، بنابراین قابل بررسی در تصویربرداری MRI نیستند. البته عناصر دیگری نیز مانند F^{19} ، Na^{23} و P^{31} نیز در این تصویربرداری حائز اهمیت می‌باشند.

اتم هیدروژن H^1 از آن جهت بسیار اهمیت دارد که اولاً ساختار بسیار ساده‌ای دارد (هسته آن از یک تک پروتون تشکیل شده است) و ثانیاً در ساختمان اصلی آب H_2O بکار رفته است. بدن هر انسان به طور میانگین، از 60 درصد آب تشکیل شده است. همچنین برخی ارگان‌های بدن حتی تا 90 درصد از آب ساخته شده‌اند. مغز و قلب انسان 73 درصد آب، ریه‌ها 83 درصد، پوست 64 درصد، ماهیچه‌ها و کلیه‌ها 79 درصد و استخوان‌ها 31 درصد آب را شامل می‌شوند. [۲۲] از این رو، اتم هیدروژن نقش تعیین کننده‌ای دارد. از آنجایی که اتم اکسیژن O^{16} اسپینی ندارد، بنابراین نقشی در تصویربرداری MRI ندارد. با توجه به این که آب در بافت‌های نرم به میزان بیشتری وجود دارد، این نوع تصویربرداری

عدد اسپین	جرم اتمی	عدد اتمی
صفر	زوج	زوج
عدد صحیح	زوج	فرد
عدد صحیح و نصفی	فرد	فرد زوج

جدول ۱-۲: بررسی عدد اسپین نسبت به عدد اتمی و جرم اتمی

عموماً برای تصویربرداری از نواحی دارای بافت نرم مانند مغز مورد استفاده قرار می‌گیرد.

از آنجایی که درون هسته متشکل از پروتون هاست، بارالکتریکی هسته مثبت است. از این رو، در صورت حرکت دورانی حول محور دوران خود، یک میدان مغناطیسی هم راستا با همان محور دوران، ایجاد می‌کند. جونکه مقدار اندازه اسپین هسته یک مقدار ثابت است این میدان مغناطیسی نیز اندازه ثابتی دارد. بنابراین برای ممان مغناطیسی هسته^{۱۶} دو مولفه‌ی مقدار و جهت میدان مغناطیسی می‌توان تعریف کرد. به عبارت دیگر یک هسته دارای اسپین را می‌توان به صورت یک آهنربای میکروسکوپیک ریز درنظر گرفت (شکل ۱-۴-۲). به این آهنرباهای کوچک ایزوکرومات (اسپینی) ^{۱۷} گفته می‌شود. [۱۸] برای یک پروتون یا همان هسته H^1 ، ممان مغناطیسی μ و تکانه زاویه‌ای اسپینی Φ با یک ثابت تناسب γ به صورت زیر به یک دیگر مرتبط می‌شوند.

$$\mu = \gamma \cdot \Phi \quad (1-1)$$

که γ در رابطه‌ی بالا نسبت ژایرومغناطیسی^{۱۹} نامیده می‌شود و واحد $\frac{1}{2\pi}$ را عموماً بر حسب (MHz/Tesla) بیان می‌کنند.

در اندازه گیری MR مجموعه‌ای از این میدان‌های مغناطیسی کوچک مورد بررسی قرار می‌گیرد و به صورت تکی به قدری نیستند که بتوان آنها را بررسی نمود. جهت این اسپین‌ها یک مکانیسم تصادفی دارد به طوری که در یک مجموعه هسته دارای اسپین، در صورت عدم حضور میدان خارجی، برایند میدان مغناطیسی حاصل در آن مجموعه صفر است و سیستم در حالت تعادل قرار دارد. (شکل ۱-۵) در واقع تصاویر MRI در ابعاد ماکروسکوپیک ثبت می‌شوند.

¹⁶Nuclear Magnetic Moment

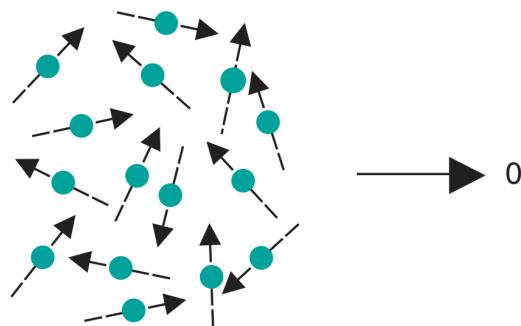
¹⁷(spin) isochromats

¹⁸Spin Angular Momentum

¹⁹Gyromagnetic Ratio

تعداد پروتون	تعداد نوترون	عدد اسپین
زوج	زوج	صفر
فرد	فرد	عدد صحیح
فرد	زوج	عدد صحیح و نصفی
	زوج	

جدول ۱-۳: بررسی عدد اسپین نسبت به تعداد پروتون‌ها و تعداد نوترون‌ها



doi:10.1002/9781119013068

شکل ۱-۵:

source: <https://is.gd/XTUru4>

شکل ۱-۶:

پروتون‌ها در یک میدان مغناطیسی خارجی

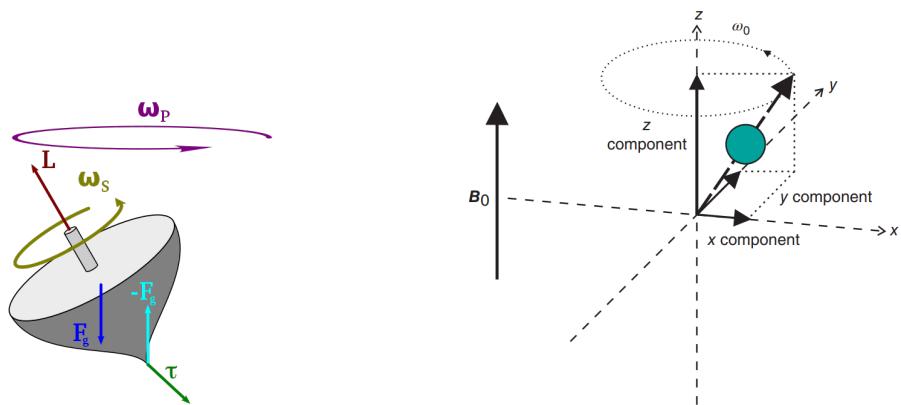
هنگامی که پروتون‌های دارای اسپین در داخل یک میدان مغناطیسی قوی^{۲۰} خارجی B قرار می‌گیرند، دو اتفاق مهم رخ می‌دهد: اولاً ممان‌های مغناطیسی اتم‌ها تمايل پیدا می‌کنند که هم‌جهت یا خلاف جهت^{۲۱} قرار بگیرند (شکل ۱-۶(ب)) و ثانیاً وادار می‌شوند که حرکت چرخشی حول راستای میدان مغناطیسی خارجی داشته باشند که به این پدیده حرکت تقدیمی^{۲۲} می‌گویند.

همانطور که اشاره شد در اثر یک میدان مغناطیسی خارجی B تمايل پیدا می‌کنند که ممان‌های مغناطیسی خود را در جهت یا خلاف جهت آن میدان قرار دهند. آن‌هایی که در جهت آن میدان قرار داشته باشند انرژی کمتر و آن‌هایی که در خلاف جهت آن میدان باشند، انرژی بیشتری را دارا می‌باشند.

^{۲۰} هنگامی که از میدان مغناطیسی قوی صحبت می‌کنیم منظور چیزی حدود حداقل ۱ تسلیا یا ۱۰۰۰۰ گاوس است.

^{۲۱} Parallel or Anti-parallel

^{۲۲} Precession



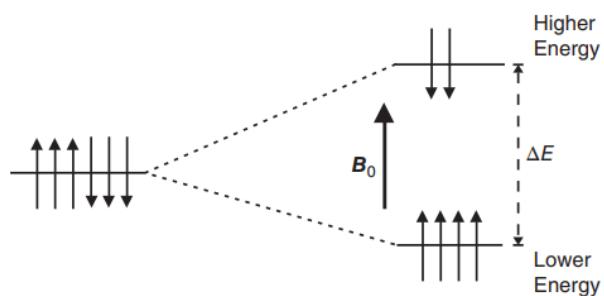
source: <https://w.wiki/3TPJ>

doi:10.1002/9781119013068

(ب)

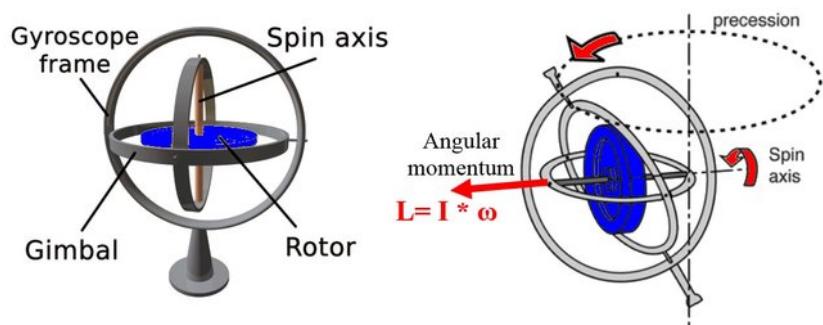
(د)

شکل ۱-۷



doi:10.1002/9781119013068

شکل ۱-۸

source: <https://is.gd/T3UkHu>

شکل ۱-۹:

تعداد پروتون های زیادی وجود دارند که در جهت و یا خلاف جهت میدان قرار می‌گیرند و تعداد آن ها تقریبا مشابه هم دیگر است که در حقیقت می‌توان گفت اکثر پروتون ها در اثر این میدان اثر یک دیگر را ختنی می‌کنند اما برایند آن ها صفر نمی‌شود زیرا تعداد آنانی که در جهت میدان قرار می‌گیرند به میزان کمی، بیشتر است که به آن به اصطلاح، اسپین اضافه^{۲۳} گفته می‌شود. (شکل ۱-۸) از این رو مقدار ناصفری برای مغناطیس شوندگی شبکه^{۲۴} وجود دارد. به عبارت دقیق‌تر، نسبت $\frac{\text{تعداد خلاف جهت‌ها} - \text{تعداد هم‌جهت‌ها}}{\text{تعداد کل پروتون‌ها}}$ یک عدد نامنفی بسیار کوچک است. به عنوان مثال، در یک میدان مغناطیسی خارجی $3T = B$ و در دمای اتاق، نسبت مذکور چیزی در حدود 10^{-5} می‌باشد. یعنی از یک میلیون پروتونی که در اختیار داریم تنها ۱۰ تای آنان در اسپین اضافه نقش دارند که آن اسپین اضافه در تولید سیگнал های MR^{۲۵} استفاده می‌شوند.

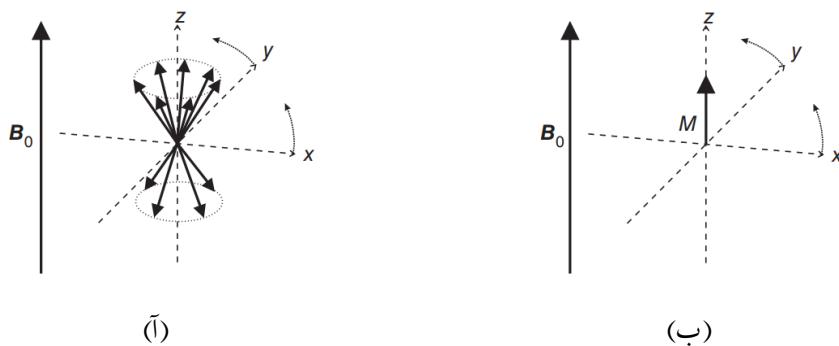
به طور دقیق‌تر تعداد پروتون های هم‌جهت (N_{down}) و خلاف جهت میدان (N_{up})، از رابطه زیر محاسبه می‌گردد.

$$\frac{N_{\text{up}}}{N_{\text{down}}} = e^{\frac{\Delta E}{k_B T}} \quad (2-1)$$

که در این رابطه، k_B ثابت بولتزمن^{۲۶} ($k_B = 1.38 \times 10^{-23} \text{ J K}^{-1}$) و ΔE اختلاف این دو سطح انرژی است که در شکل ۱-۸ مشخص شده است و T نیز دما بر حسب کلوین می‌باشد. مرجع [۱۹] روابط کوانتومی دقیق‌تری را در این رابطه بیان کرده است.

پدیده دومی که در اثر قرار گرفتن یک پروتون در درون یک میدان مغناطیسی بسیار قوی برایش اتفاق

²³Excess Spin²⁴Net Magnetization²⁵MR Signals²⁶Boltzmann Constant



doi:10.1002/9781119013068

شکل ۱-۷-۱:

می‌افتد، حرکت تقدیمی نامیده می‌شود. این پدیده را می‌توان به صورت یک ژایروسکوپ (۱-۹) (شکل ۱-۷-۱(ب)) و یا حرکت آشنای یک فرفره در حال گردش (شکل ۱-۷-۱(ب)) در نظر گرفت. اگر یک ژایروسکوپ و یا فرفره در راستای عمودی جهت گیری داشته باشد، بدون تلوتلوخوردن^{۲۷} به دور خود می‌چرخد. هنگامی که یک بار محور چرخش ژایروسکوپ از محور عمومی فاصله بگیرد، در اثر میدان مغناطیسی زمین یا همان جاذبه^{۲۸} شروع به گردش حول محور عمودی خود با فرکانسی مستقل از فرکانس اسپینی مطابق شکل ۱-۷-۱(ب) می‌کند.

به طورخلاصه دو نوع حرکت برای یک پروتون دارای اسپین در یک میدان مغناطیسی قوی می‌توان تصور کرد.

آ) حرکت اسپینی هسته به دور محور خود و با فرکانس مخصوص خود که آن حرکت، ممان زاویه‌ای اسپینی را تولید می‌کند و آن نیز باعث ایجاد ممان مغناطیسی می‌شود.

ب) حرکت تقدیمی که نوعی تلوتلوخوردن و گردش حول یک محور دیگر و با فرکانسی مستقل می‌باشد.

مغناطیش شبکه

مغناطیش شبکه و یا مغناطیس شوندگی شبکه^{۲۹} موضوع مهم دیگری است که در MRI مطرح می‌شود. مغناطیس شوندگی هر پروتون را می‌توان به عنوان یک بردار درنظر گرفت. مغناطیش شبکه را می‌توان به عنوان برایند آن بردار ها مطابق شکل ۱-۱۰ در نظر گرفت. هر یک از این بردار را می‌توان در راستای میدان به دو مولفه‌ی طولی و عرضی تجزیه نمود. با این مدل‌سازی نیز همان‌طور که پیشتر نیز توضیح داده شد، اکثر مولفه‌هایی هم‌جهت و خلاف جهت، هم‌دیگر را کنسل می‌کنند و تعداد کمی اسپین‌های هم‌جهت باقی می‌مانند که اسپین اضافه نام داشتند. اما موله‌عرضی صفر است. چراکه اسپین‌پروتون‌ها فاز تصادفی دارند و بنابراین برایند آنان صفر می‌شود. این یعنی مغناطیش شبکه، مولفه‌ای در راستای عرضی ندارد و صرفا در راستای مولفه‌ی طولی یا همان راستای میدان مغناطیسی خارجی B_0 می‌باشد.

(شکل ۱-۱۰(ب))

فرکانس لامور و پدیده NMR

همانند رابطه‌ی بین تکانه زاویه‌ای اسپینی و ممان مغناطیسی که در رابطه‌ی ۱-۱ بیان شد، رابطه تناسبی دیگری نیز بین فرکانس زاویه‌ای حرکت تقدیمی ω_0 و میدان مغناطیسی خارجی B_0 با ثابت تناسب ژایرومغناطیسی^{۳۰} γ می‌توان استخراج نمود:

$$\omega_0 = \gamma \cdot B_0 \quad \leftrightarrow \quad f_0 = \frac{\gamma}{2\pi} \cdot B_0 \quad (3-1)$$

به عنوان یک مثال، به ازای میدان خارجی $T = 1T$ ، مقدار f_0 برابر 4258MHz می‌شود. این فرکانس در شکل ۱-۷(آ) نیز نشان داده شده است. تساوی بالا به عنوان تساوی لارمور^{۳۱} شناخته می‌شود و مهم‌ترین معادله‌ای است که اکثر پدیده‌های مرتبط با MRI را توضیح می‌دهد که از بین آن پدیده‌ها می‌توان به رزونانس مغناطیسی و قسمت‌های تصویربرداری مانند مفهوم میدان گرادیان و نقش آن در تصویربرداری اشاره نمود. ثابت تناسب ژایرومغناطیسی برخی از مهم‌ترین عناصر در کاربرد MRI در جدول ۱-۴ آورده شده است.

²⁷Wobbling

²⁸Gravity

²⁹Net Magnetization

³⁰Constant Gyromagnetic Ratio

³¹Larmor Equation

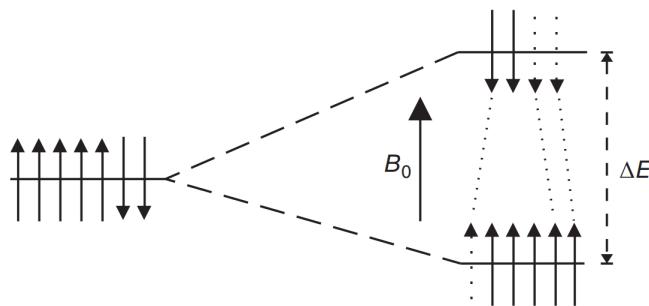
گفته شد که برای وارد کردن یک میدان خارجی B بر مجموعه ای از پروتون ها تعدادی از آن اسپین ها همجهت با میدان می شوند که انرژی کمتری دارند و تعدادی از آنان نیز خلاف انرژی میدان جهت گیری می کنند که انرژی بیشتری را دارا می باشند و در هردو سطح انرژی^{۳۲} دارای حرکت تقدیمی با فرکانس تقدیمی لارمور که از رابطه^{۳۳} ۱-۳ ناشی می شود، می باشند و اکثر آن ممان های مغناطیسی هم دیگر را خنثی می کردن و مغناطش شبکه که مقداری کوچک ولی ناصرفی بود را بوجود می آورند.

در این هنگام اگر یک سیگنال الکترومغناطیسی RF^{۳۴} با همان فرکانس لارمور ω به آن تابیده شود، مطابق شکل ۱-۱ تعدادی از اسپین هایی که هم جهت با میدان B و در سطح انرژی پایین تری قرار داشتند، در اثر این تشدید، انرژی آن سیگنال را جذب می کنند و به سطح بالایی انرژی می روند که در این حالت نیز خلاف جهت میدان جهت گیری می کنند. این خاصیت در حقیقت یک ویژگی کوانتمی است

³²Energy State³³RadioFrequency

Element	Isotope	Spin	Natural Abundance	Quadrupole Moment, Q ($10^{-30} \text{ a} \frac{\text{rad}}{\text{m}^2} \text{ A}$)	Gyromagnetic Ratio ($10^7 \frac{\text{rad}}{T_s}$)	Common Reference Standard
Hydrogen	^1_1H	$\frac{1}{2}$	100	0	26.75105	$\text{Si}(\text{CH}_3)_4$
	^2_1H or ^2_1D	1	< 0.1	2.8E-3	4.10646	$\text{Si}(\text{CD}_3)_4$
Boron	$^{10}_5\text{B}$	3	19.7	0.08	2.87471	$\text{BF}_3 \cdot \text{OEt}_2$
	$^{11}_5\text{B}$	$\frac{3}{2}$	80.3	0.04	8.58406	$\text{BF}_3 \cdot \text{OEt}_2$
Carbon	$^{13}_6\text{C}$	$\frac{1}{2}$	1.1	0	6.72804	$\text{Si}(\text{CH}_3)_4$
Nitrogen	$^{14}_7\text{N}$	1	99.6	1	1.93297	CH_3NO_2
	$^{15}_7\text{N}$	$\frac{1}{2}$	0.4	0	-2.71171	CH_3NO_2
Fluorine	$^{19}_9\text{F}$	$\frac{1}{2}$	100	0	25.18034	CFCl_3
Aluminium	$^{27}_{13}\text{Al}$	$\frac{5}{2}$	100	15	6.97594	$\text{Al}(\text{NO}_3)_3$ in D_2O
Silicon	$^{29}_{14}\text{Si}$	$\frac{1}{2}$	4.7	0	-5.3146	$\text{Si}(\text{CH}_3)_4$
Phosphorus	$^{31}_{15}\text{P}$	$\frac{1}{2}$	100	0	10.84015	85% H_3PO_4
Chlorine	$^{35}_{17}\text{Cl}$	$\frac{3}{2}$	75.5	-7.9	2.62401	NaCl in D_2O
	$^{37}_{17}\text{Cl}$	$\frac{3}{2}$	24.5	-6.2	2.18428	NaCl in D_2O

source: <http://www.acadiau.ca/~bellis/resources/nmr/isotopes.html>



doi:10.1002/9781119013068

شکل ۱۱-۱:

که با فیزیک کلاسیک نمی‌توان آن را توجیه کرد و به عنوان وارونه‌سازی جمعیت^{۳۴} شناخته می‌شود. در اثر این اتفاق، مغناطیس شیکه نیز دچار تغییر می‌شود. برای بررسی این تغییرات معمولاً ساده‌تر است که دستگاه مختصات جدید $x'y'oy'$ را به شیوه زیر تعریف کنیم:

$$x' = x \cos(\omega_0 t) - y \sin(\omega_0 t) \quad (14-آ)$$

$$y' = x \sin(\omega_0 t) + y \cos(\omega_0 t) \quad (14-ب)$$

$$z' = z \quad (14-ج)$$

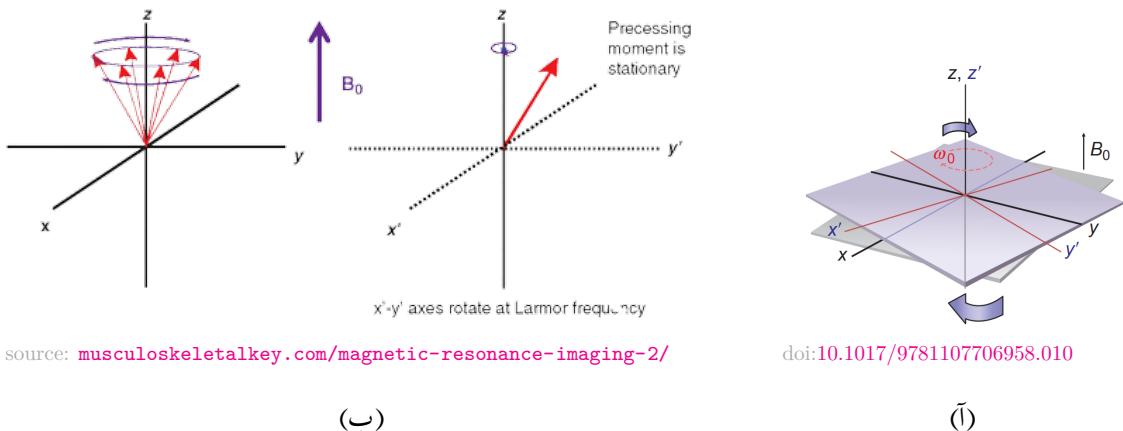
توجه داریم که در تعریف این دستگاه جدید پارامتر t که همان زمان است، دخیل شده است و این یعنی که دستگاه مختصاتی در طول زمان با همان فرکانس لارمور ω_0 در حال گردش است که شکل ۱۲-آ(آ) آن را نشان می‌دهد. (محور z' ها در همان راستای میدان B تعریف شده است). با این تغییر، ممان‌های مغناطیسی گردان، به صورت ایستان^{۳۵} مطابق شکل ۱۲-آ(ب) در می‌آیند.

سیگنال RF یک سیگنال با پهنای باند بسیار باریک حول یک فرکانس مرکزی می‌باشد. در طی این فرایند، پروتون‌ها انرژی آن را در فرکانس مشخصی دریافت می‌کنند. با نوشتن روابط کوانتومی در [۱۹]، می‌توان نشان داد که رابطه این فرکانس خاص و میدان B مجدداً از تساوی لارمور در رابطه‌ی ۳-۱ محاسبه می‌شود و این یعنی آن فرکانس خاص همان ω_0 است. همچنین اختلاف دو سطح مذکور انرژی نیز از رابطه‌ی زیر بدست می‌آید که به معادله‌ی موج بروگلی^{۳۶} ناشی می‌شود.

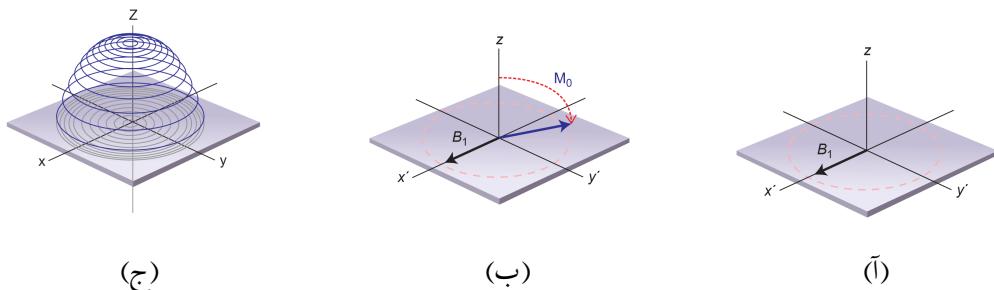
³⁴Population Inversion

³⁵Stationary

³⁶De Broglie's wave equation



شکل ۱۲-۱:



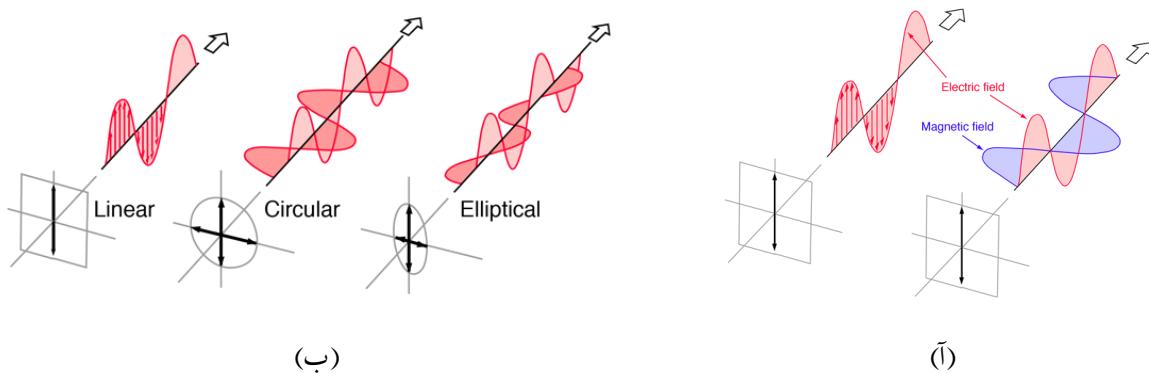
doi:10.1017/9781107706958.010

$$\Delta E = \hbar\omega_0 = \left(\frac{+1}{2} - \frac{-1}{2}\right)\gamma\hbar B_0 = \gamma\hbar B_0. \quad (5-1)$$

که در آن \hbar ثابت پلانک^{۳۷} با مقدار $(m^3 kg/s) \times 10^{-34}$ می‌باشد. بنابراین صرفاً انرژی در این فرکانس ω پروتون را بر می‌انگیزد که از اسپین خود را تغییر دهند و بین سطوح انرژی جابجا شوند. این انرژی کوانتیده به عنوان انرژی جذب رزونانسی و یا تشدیدی^{۳۸} شناخته می‌شود و فرکانس مربوط به آن را فرکانس تشدید^{۳۹} می‌نامند. از این نکته می‌توان دلیل نام گذاری MRI و مخصوصاً بخش رزونانسی آن را متوجه شد.

پالس RF توسط یک سیم پیچ فرستنده که بر میدان B_0 عمود است، ایجاد می‌شود و یک میدان مغناطیسی B_1 که عمود بر میدان B_0 و با فرکانس تشدید لارمور ω در حال نوسان است، را ایجاد

³⁷ Planck's Constant³⁸ Resonance Absorption Energy³⁹ Resonant Rrequency



شکل ۱۳-۱

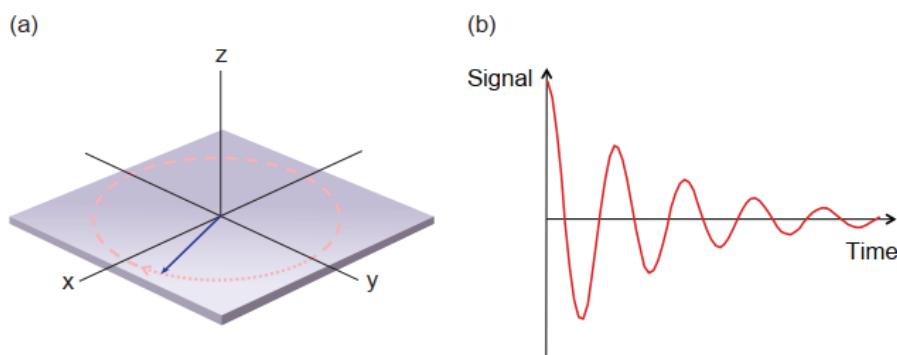
source: <http://hyperphysics.phy-astr.gsu.edu/hbase/phyopt/polclas.html>

می‌کند. بنابراین دیگر موله عرضی M_0 صفر نمی‌باشد. فرض کنید این میدان جدید B_1 در دستگاه گردان شکل ۱۳-۱ در راستای x' تعریف شده است. از آنجا که این میدان با فرکانس ω در حال نوسان است، در این دستگاه مختصات گردان به صورت ایستان ظاهر می‌شود (شکل ۱۳-۱(آ)) و فرض است که میدان B_1 نیز در راستای محور z ها تعریف شده است. این میدان جدید مغناطیش شبکه (M_0) را در طول زمان جابجا می‌کند. این جابجایی در دستگاه مختصات گردان، به شکل خیلی ساده حول محور x' ها و با سرعت ثابت جابجا می‌شود (البته اگر میدان B_1 در طول زمان مقدار ثابتی داشته باشد) که در شکل ۱۳-۱(ب) این جابجایی را از محور y' تا محور y را نمایش می‌دهد. این جابجایی را می‌توان بر حسب زمان و براساس زاویه‌ی تکان $^{\circ} \alpha$ به شکل زیر فرمول‌بندی کرد.

$$\alpha = \gamma B_1 t_p \quad (6-1)$$

که در آن B_1 اندازه‌ی میدان مغناطیسی سیگنال RF است و t_p طول زمان اعمال پالس است. اگر پالس RF درست در زمانی که M_0 به صفحه‌ی مولقه‌ی عمودی برسد پایان بیابد، $90^\circ = \alpha$ می‌شود و پالس RF یک پالس 90° نامیده می‌شود. اگر قدرت و یا طول مدت اعمال این سیگنال دوبرابر شود، بردار M_0 دقیقاً 180° می‌چرخد و پالس متناظر با آن را پالس 180° می‌نامند. بنابراین زمان اهمیت ویژه‌ای در اساس کار دستگاه‌های MRI [۱۹]. شکل ۱۳-۱(ج) مسیر حرکت بردار M_0 را در دستگاه مختصات معمول xoy نشان می‌دهد که مسیری فتری را طی می‌کند. همچنین پالس RF یک اثر مهم دیگری که بر روی اسپین‌ها دارد این است که آن‌ها را هم‌فاز می‌کند. به عبارت دیگر تمام آن‌ها در روی دایره‌ی گردان، به یک نقطه اشاره می‌کنند. شکل ۱۵-۱ خلاصه‌ای از آن‌چه که گفته شد را نشان می‌دهد.

⁴⁰Flip Angle



doi:10.1017/9781107706958.010

شکل ۱-۱:

با جابجایی بردار M به سمت صفحه‌ی عرضی و حرکت تقدیمی آن به دور محور z ها یک میدان مغناطیسی نوسانی ایجاد می‌شود که می‌توان آن را توسط ولتاژی که روی یک سیم‌پیچ گیرنده القا می‌کند، اندازه‌گیری نمود. این سیم‌پیچ صرفاً به میدان‌های مغناطیسی عمود بر راستای B حساس می‌باشد. بنابراین در این هنگام باید سیم‌پیچ فرستنده خاموش شود و در سیم‌پیچ گیرنده ولتاژی القا می‌شود که با فرکانس ω تغییر می‌کند. دامنه‌ی این ولتاژ القایی به صورت نمایی به سمت صفر تنها در عرض چند میلی ثانیه میرا می‌شود (شکل ۱-۱^{۴۱}) چرا که پروتون‌ها به سرعت نسبت به یک دیگر دیفاز^{۴۲} می‌شوند. این سیگنال القای آزاد میراشونده (FID)^{۴۳} نامیده می‌شود [۱۲] که در مورد آن بیشتر صحبت خواهد شد.

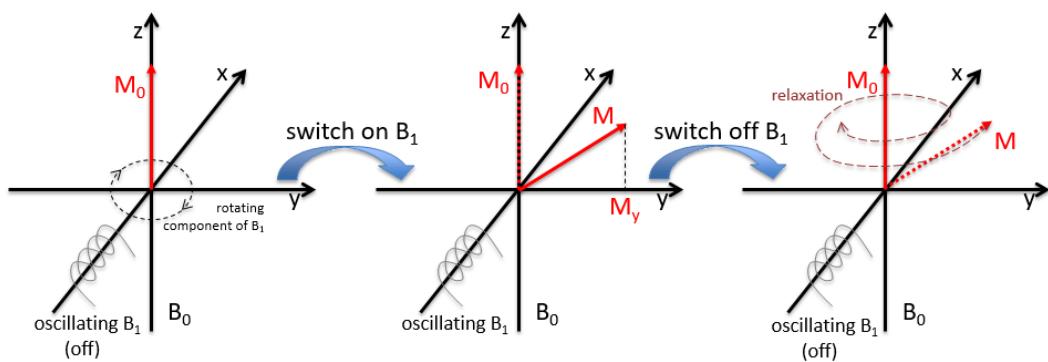
۱-۱-۶ سیگنال FID و آزادسازی

به محض آنکه پالس RF قطع می‌شود، پروتون‌هایی که بردار مغناطیسی آن‌ها به سمت صفحه عرضی متمایل شده بود، به نقطه تعادل خود باز گردند. در این آزادسازی^{۴۳} دو اتفاق اصلی می‌افتد: (۱) پروتون‌ها انرژی ای را که در فرکانس ω جذب کرده بودند را از خود منتشر می‌کنند. (۲) اسپین‌هایی که بعد از اعمال فاز هم‌فاز شده‌اند، فاز خود را از دست می‌دهند و مغناطیش شبکه به محور B باز می‌گردد و حول آن مانند یک ژیروسکوپ به حرکت تقدیمی می‌پردازد (شکل ۱-۱^{۴۵}).

⁴¹Dephase

⁴²Free Induction Decay

⁴³Relaxation



source: <https://musculoskeletalkey.com/magnetic-resonance-imaging-2/>

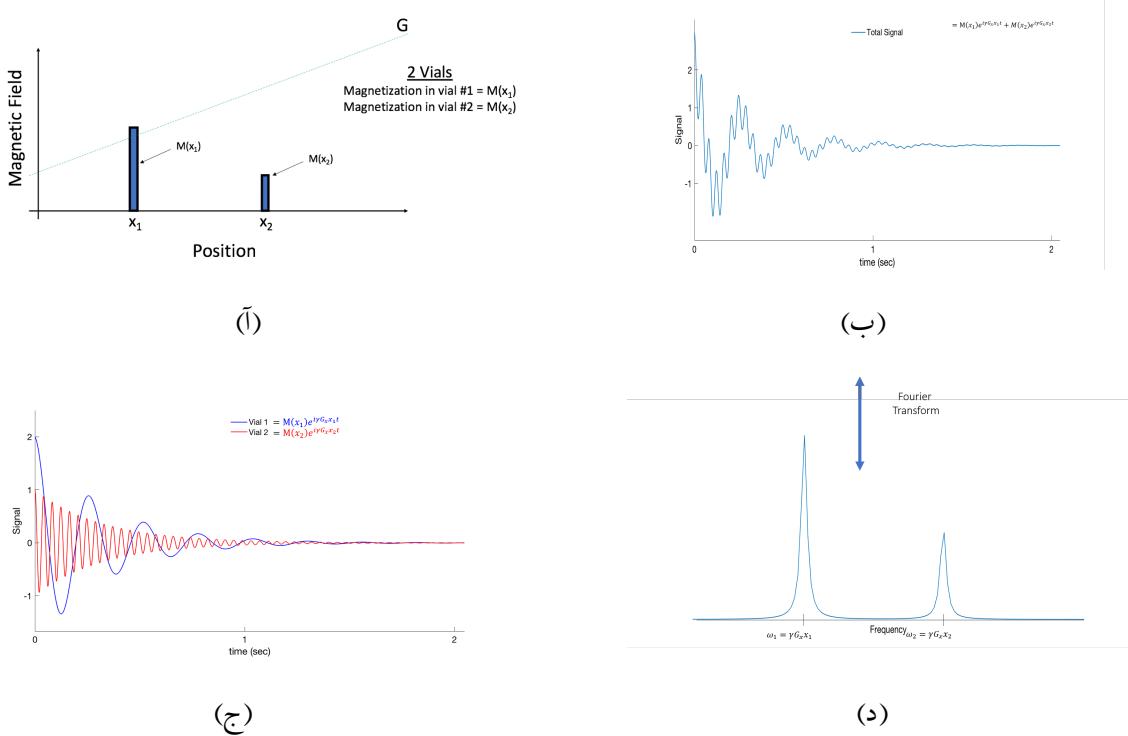
شکل ۱۵-۱:

علت دیفاز شدن اسپین ها، اختلاف اندکی است که بین فرکانس تقدیمی آن ها وجود دارد. برای درک بهتر این موضوع، یک دستگاه مختصات گردان با فرکانس لارمور ω شکل ۱-۴ را در نظر بگیرید. اگر اسپینی فرکانس تقدیمی آن کمی بیشتر باشد، در جهت عقربه های ساعت و اگر کمی کمتر باشد، در خلاف جهت عقربه های ساعت دیفاز می شود. بنابراین هر چیزی که باعث تغییرات کمی در فرکانس آن ها از فرکانس لارمور شود، منجر به دیفاز شدن آن می شود. [۱۹]

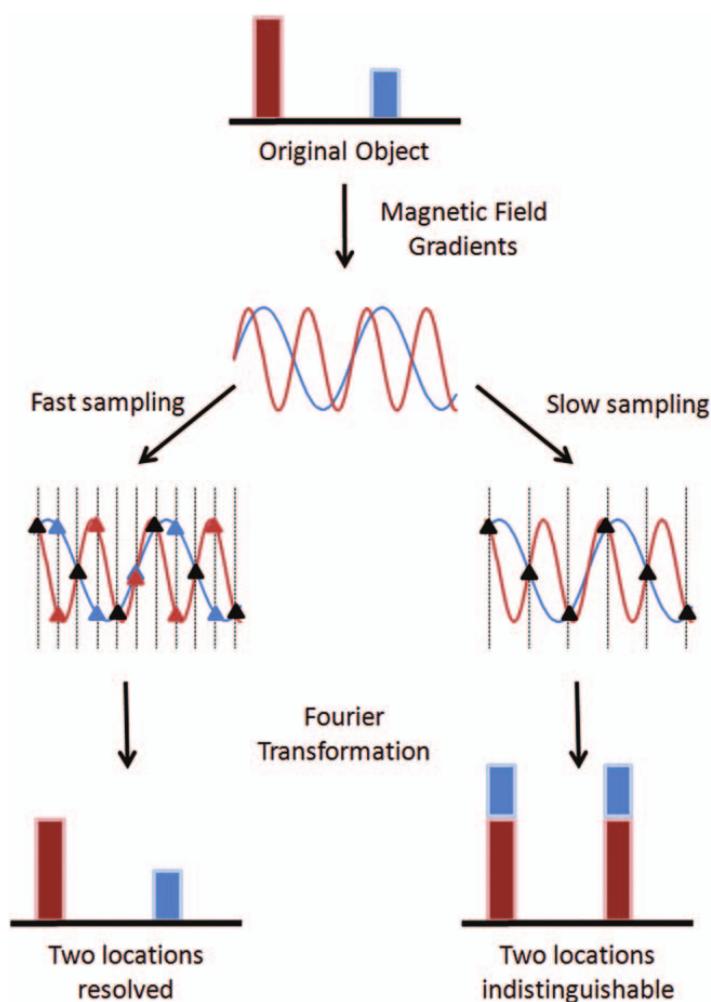
گفته شد که مولفه‌ی عرضی M ولتاژی را موسوم به FID در سیم پیچ های گیرنده القا می‌کند. به طورکلی، این سیگنال FID سه مولفه‌ی مورد علاقه دارد: اندازه^{۴۴} (پیک دامنه)، فرکانس و فاز (جهت نسبت به فاز سیگنال RF فرستنده). اندازه سیگنال متناسب به مقدار M قبل از اعمال پالس RF است. فرکانس آن نیز همان فرکانس لارمور در رابطه^{۱-۳} است که با اندازه میدان مغناطیسی B که پروتون ها تحت تاثیر آن هستند، متناسب است. اگر تمام پروتون ها تحت تاثیر یک میدان مغناطیسی B یکسان قرار داشته باشند، بنابراین تنها یک فرکانس درون FID دیده می‌شود. در واقعیت میدان مغناطیسی B در سراسر بدن بیمار تغییر می‌کند. بنابراین سیگنال MR شامل چندین فرکانس است که در طول زمان متناسب با سیگنال RF تغییر می‌کند. ساده‌تر است که چنین سیگنال چند فرکانسی را در حوزه فرکانس بررسی کرد که این حوزه نیز با یک تبدیل فوریه^{۴۵} از حوزه زمان بدست می‌آید. [۴]

⁴⁴Magnitude

⁴⁵Fourier Transformation



شکل ۱-۱۶:



doi:10.1002/jmri.23639

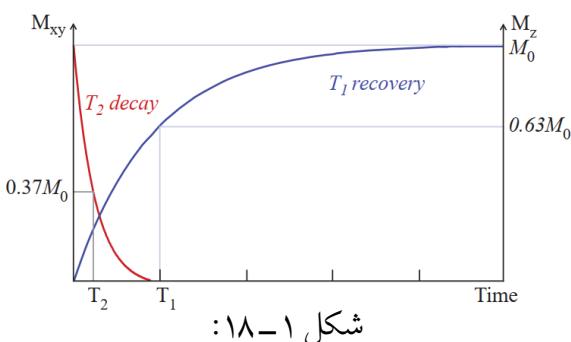
شکل ۱-۱۷:

آزادسازی T1

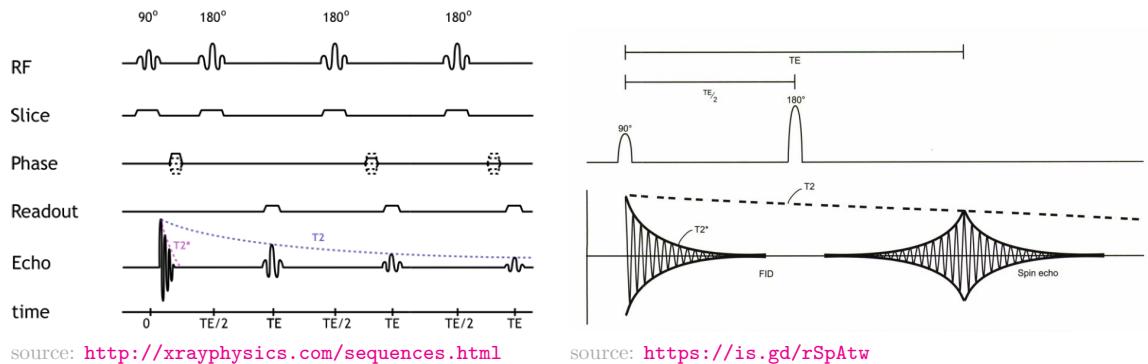
آزادسازی T2

اسپین-اکو

۱-۱-۷- گرادیان



شکل ۱۸-۱:



source: <http://xrayphysics.com/sequences.html>

source: <https://is.gd/rSpAtw>

(ب)

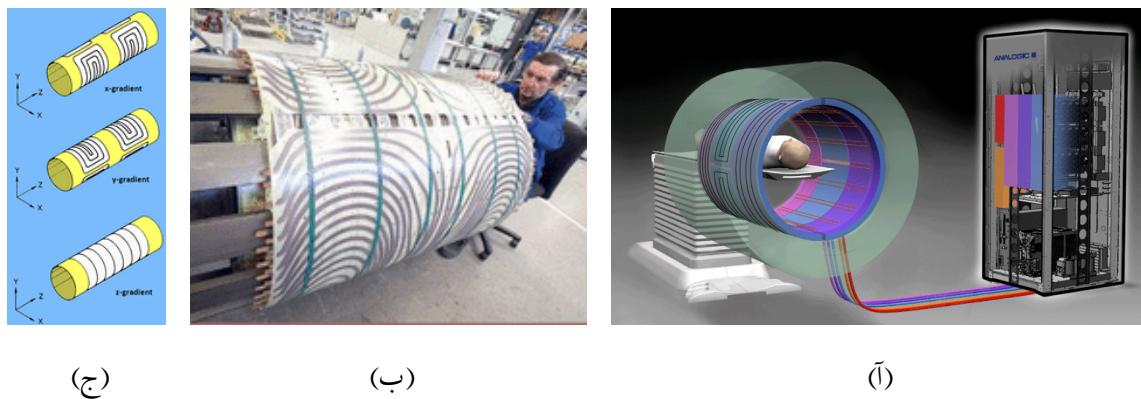
(ج)

شکل ۱۹-۱:

Tissue	T1 (ms)			T2 (ms)		
	0.5 T	1.5 T	3 T	0.5 T	1.5 T	3 T
White matter	520	560	832	107	82	110
Grey matter	780	1100	1331	110	92	80
CSF	—	2060	3700	—	—	—
Muscle	560	1075	898	34	33	29
Fat	192	200	382	108	—	68
Liver	395	570	809	96	—	34
Spleen	760	1025	1328	140	—	61

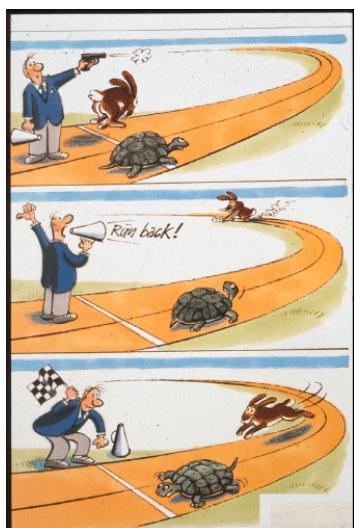
doi:10.1017/9781107706958.010

جدول ۱-۵:

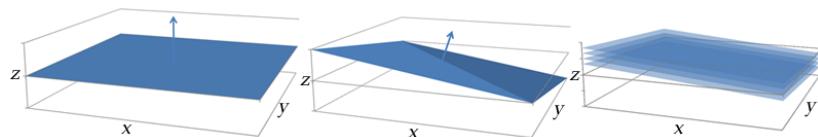


source: <http://mriquestions.com/gradient-coils.html>

شکل ۱-۲۰ :

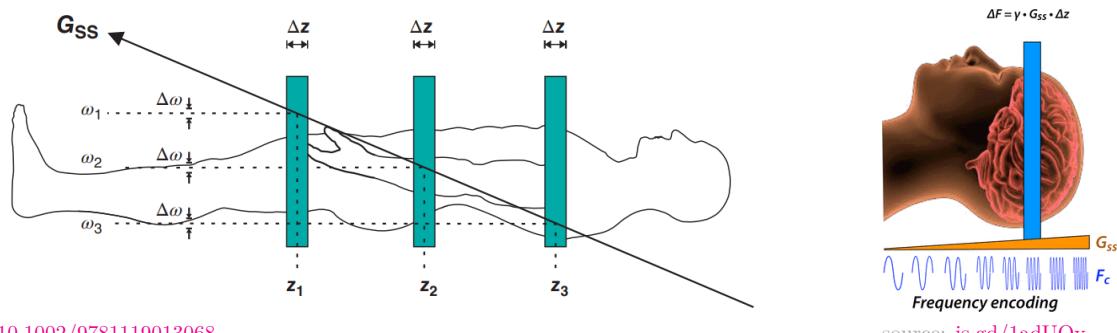


شکل ۱-۲۱: دوندگان در یک مسیر.



source: <http://xrayphysics.com/spatial.html>

شکل ۱-۲۲ :

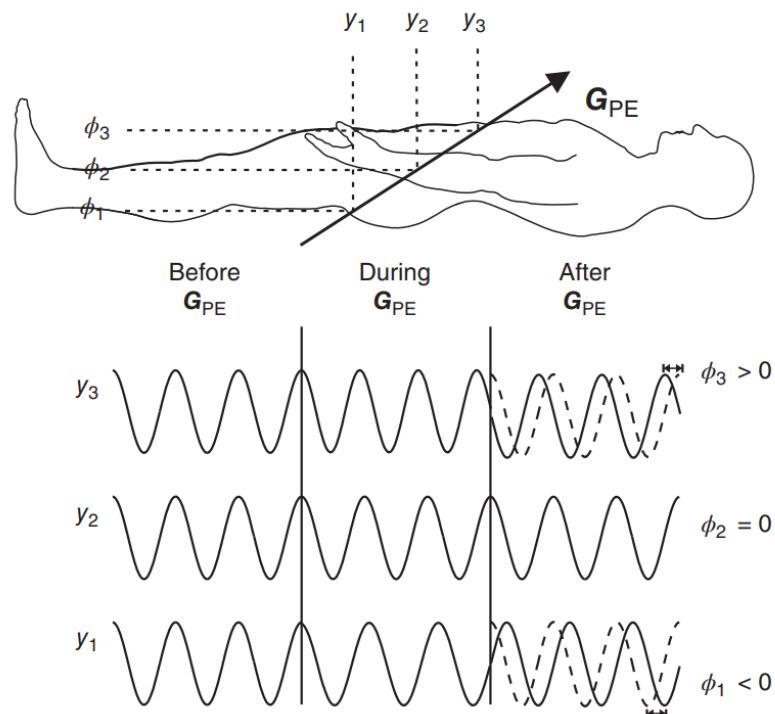


doi:10.1002/9781119013068

(ب)

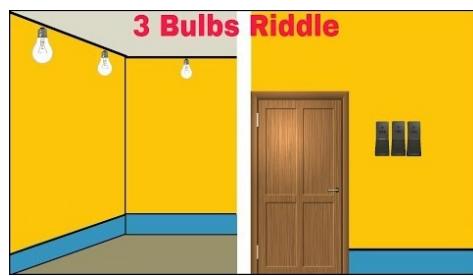
(ج)

شکل ۱-۲۳



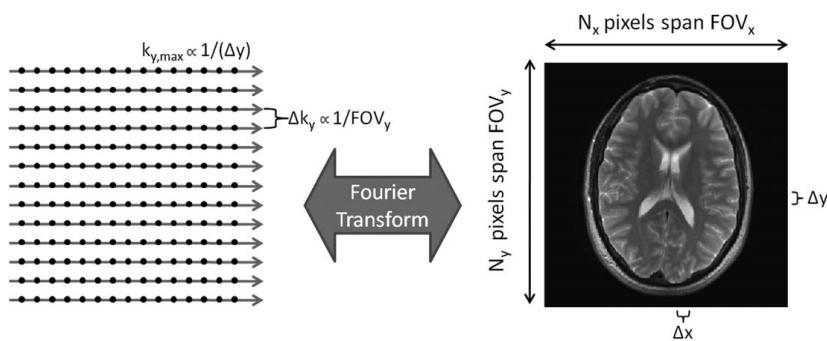
doi:10.1002/9781119013068

شکل ۱-۲۴

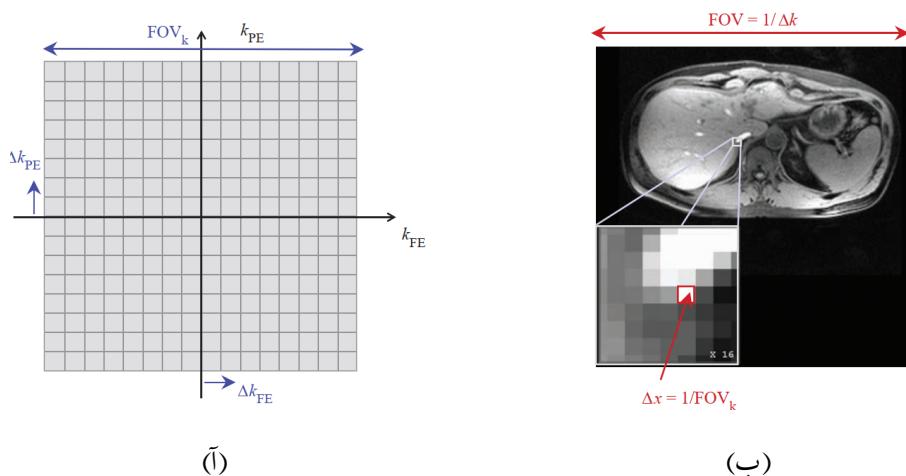


source: <http://youtu.be/bNrapYS2o>

شکل ۱-۲۵: معمای سه کلید و سه لامپ



doi:10.1002/jmri.23639



doi:10.1017/9781107706958

شکل ۱-۲۶

k-space ۸-۱-۱

رزولوشن و میدان دید

$$\Delta k = \frac{1}{\text{FOV}} \quad (1-17)$$

$$k\text{FOV}_w = (+k_{w,\max}) - (-k_{w,\max}) = 2k_{w,\max} \quad (1-17b)$$

$$= N/\text{FOV} = 1/\Delta w \quad (1-17c)$$

بیشترین مقدار رزولوشن به وسیله اندازهای پیکسل ها داده می شود که برابر است با:

$$\Delta x = \frac{1}{\gamma \cdot G_{FE} \cdot M \cdot \Delta t} \quad (1-18)$$

$$\Delta y = \frac{1}{\gamma \cdot \Delta G \cdot N \cdot \tau} \quad (1-18b)$$

اندازه ابعاد تصویر یا همان میدان دید (FOV) نیز از رابطه‌ی ۷-۱ به صورت زیر محاسبه می‌شود.

$$\text{FOV}_{\text{FE}} = M \cdot \Delta x = \frac{1}{\gamma \cdot G_{\text{FE}} \cdot \Delta t} \quad (۱۹-۱)$$

$$\text{FOV}_{\text{PE}} = N \cdot \Delta y = \frac{1}{\gamma \cdot \Delta G \cdot \tau} \quad (۱۹-۲)$$

$$k\text{FOV}_{\text{FE}} = M \cdot \Delta k_x = 2k_{x,\text{max}} = \frac{1}{\Delta x} \quad (۱۹-۳)$$

$$k\text{FOV}_{\text{PE}} = N \cdot \Delta k_y = 2k_{y,\text{max}} = \frac{1}{\Delta y} \quad (۱۹-۴)$$

ارتباط k-space با کد کردن فرکانس و فاز

پس از تحریک کردن یک اسلایس، گرادیان‌های فاز و فرکانس اعمال می‌شود تا سیگنال‌های MR را جهت بدست آوردن فرکانس‌های فضایی بکار بگیریم. برای این منظور ابتدا، المان δ از سیگنال را در نظر بگیرید.

$$\partial s(t) = \rho(x) \cdot \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right) \cdot \exp(i\gamma \cdot x \cdot G_{\text{FE}} \cdot t) \cdot dx \quad (۲۰-۱)$$

در این رابطه (x) چگالی پروتون‌ها در راستای x است. گرادیان G_{FE} به صورت پیوسته در جهت x ، در زمان نمونه برداری سیگنال (t) اعمال می‌شود. گرادیان ناهمفاز کننده معمولاً قبل از نمونه برداری اعمال می‌شود تا اکوی متقارنی ایجاد شود.

حال در جهت y فاز را کد می‌کنیم. این کار با اعمال یک گرادیان G_{PE} به مدت زمان τ قبل از زمان نمونه برداری، انجام می‌پذیرد. یک المان کوچک از سیگنال δ با اعمال هردو گرادیان به شکل زیر است.

$$\partial s(t) = \rho(x, y) \cdot \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right) \cdot \exp(i\gamma \cdot x \cdot G_{\text{FE}} \cdot t) \cdot \exp(i\gamma \cdot y \cdot G_{\text{PE}} \cdot \tau) \cdot dx dy \quad (۲۱-۱)$$

به عبارت دیگر

تغییر فاز ناشی از $G_{\text{PE}} \times$ تغییر فاز ناشی از $G_{\text{FE}} \times$ میرایی $T^*_\gamma \times$ چگالی اسپین‌ها = سیگنال

سیگنال نهایی از انتگرال المان فوق نسبت به x و y حاصل می‌شود:

$$S(t, \tau) = \int \partial s(t) \quad (12-1)$$

$$= \iint \rho(x, y). \exp\left(\frac{-t}{T^*_2}\right). \exp(i\gamma.x.G_{FE}.t). \exp(i\gamma.y.G_{PE}.\tau). dx dy \quad (12-1b)$$

در معادله ۱۲-۱ مفهوم زمان های t و τ به صورت پیوسته آمده است، این در حالی است که از سیگنال M بار در بازه های Δt نمونه برداری و هر سری پالس نیز N مرتبه تکرار شده است که در هر مرحله از آن، دامنه گرادیان G_{PE} افزایش یافته است:

$$G_{PE} = \Delta G \cdot n \quad : \quad n = -\left(\frac{N}{2}\right) \text{ تا } \left(\frac{N}{2} - 1\right) \quad (13-1)$$

در داخل نمایی های تغییرات فاز معادله ۱۲-۱ را نیز می توان با تعریف k_{FE} و k_{PE} به صورت زیر، ساده تر نمود.

$$k_{FE} = \gamma \cdot G_{FE} \cdot \Delta t \cdot m \quad (14-1)$$

$$k_{PE} = \gamma \cdot \Delta G \cdot n \cdot \tau \quad (14-1b)$$

حال با در نظر گرفتن معادلات ۱۴-۱ و ۱۳-۱، می توان نسخه گستته معادله ۱۲-۱ را به شیوه زیر باز نویسی نمود.

$$S(m, n) = \iint \rho(x, y). \exp\left(\frac{-t}{T^*_2}\right). \exp(i2\pi.x.k_{FE}). \exp(i2\pi.y.k_{PE}). dx dy \quad (15-1)$$

که در آن مطابق معادله ۱۴-۱، k_{FE} تابعی از m و k_{PE} تابعی از n می باشد. اگر به معادله ۱۵-۱ دقیق تر بنگریم، مشاهده می کنیم اگر جمله $\exp\left(\frac{-t}{T^*_2}\right)$ را در نظر نگیریم، به معکوس تبدیل فوریه چگالی اسپین می رسیم. بنابراین می توان نوشت:

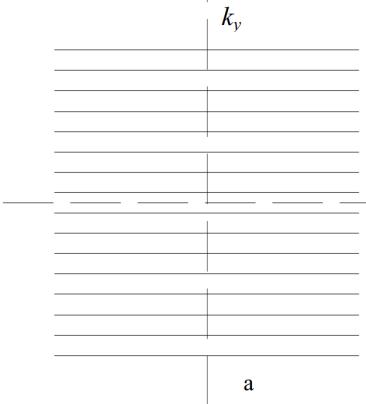
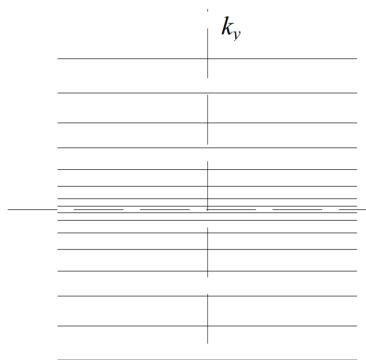
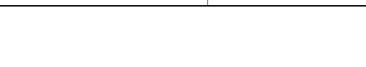
$$S(m, n) = \mathcal{F}[\rho(x, y)](k_{FE}, k_{PE}) \quad (16-1)$$

بنابراین k در رابطه ۱۴-۱ همان فرکانس های فضایی مدنظر هستند و وجه تسمیه k-space نیز همین موضوع است. البته توجه داشته باشید که معادله ۱۶-۱ کاملاً صحیح نمی باشد چرا که از جمله میراثونده با نرخ T_2^* در معادله ۱۵-۱ صرف نظر شده است. این جمله در برخی از فرکانس ها بیشتر از دیگر فرکانس ها تاثیر می گذارد و در صورت عدم حذف آن می تواند باعث محوشدگی و کاهش رزولوشن تصویر شود.

۱-۱-۹ مسیرهای نمونهبرداری

نمونه برداری k-space مسیر^{۴۶} های متفاوتی می‌تواند داشته باشد. [۲۸]

جدول ۱-۶: مسیرهای نمونه برداری

نام	شماتیک	توضیحات
Cartesian-raster trajectory with equal space lines		
Cartesian-raster trajectory with variable density		

ادامه در صفحه بعد

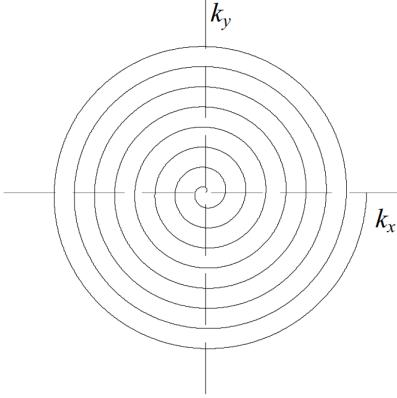
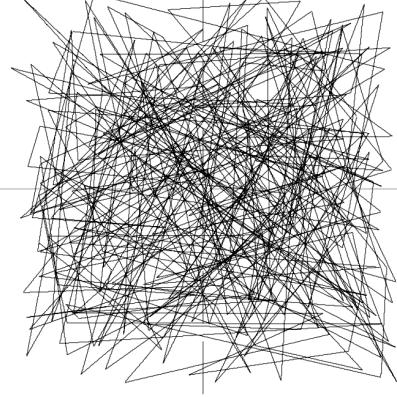
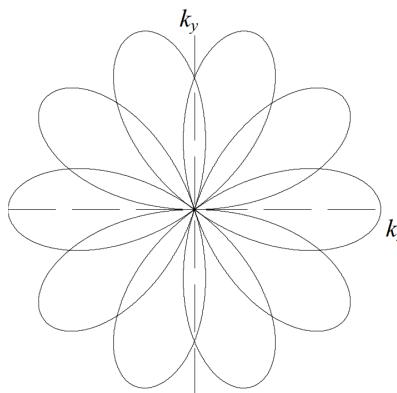
⁴⁶Trajectoy

جدول ۱-۶: ادامه‌ی جدول مسیرهای نمونه برداری

نام	شماتیک	توضیحات
Zigzag-shaped trajectory with constant phase-encoding gradients		
Zigzag-shaped trajectory with blipped phase-encoding gradients		
Typically radial trajectory with oversampling in k-space center		

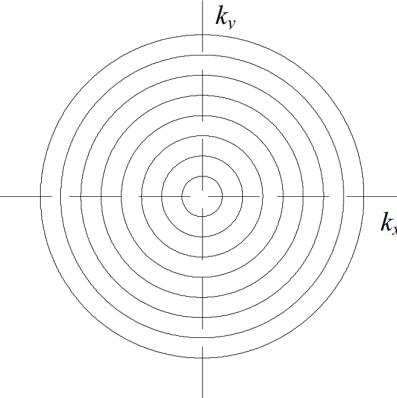
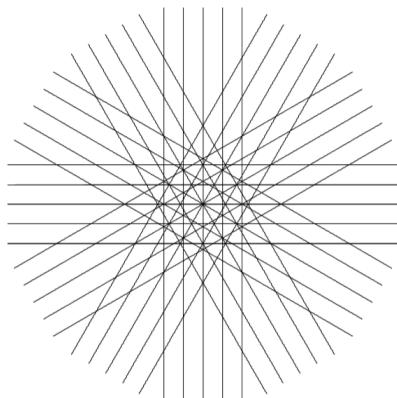
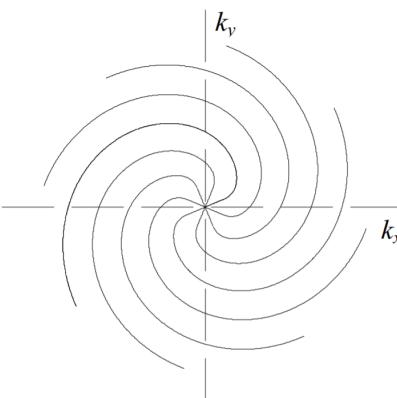
ادامه در صفحه بعد

جدول ۱-۶: ادامه‌ی جدول مسیرهای نمونه برداری

نام	شماتیک	توضیحات
Spiral trajectory through k-space with uniform density		
Stochastic trajectory consist of many arbitrary k-space lines		
Rosette trajectory scheme through k-space with many crossings		

ادامه در صفحه بعد

جدول ۱-۶: ادامه‌ی جدول مسیرهای نمونه برداری

نام	شماتیک	توضیحات
Circular trajectory with continuous sampling in each circle		
PROPELLER trajectory scheme like a blade rotate about the k-space		
WHIRL trajectory with better rotation performance		

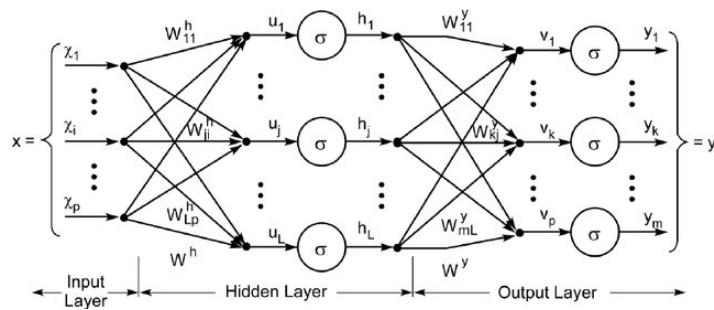
۱-۱-۱۰ مطالعه بیشتر

منابع متعددی در زمینه MRI منتشر شده است. اما از نظر نویسنده این پایان نامه، مقالات [۱۹] و [۱۶] نگاه نسبتاً پوشایی به فیزیک ابتدایی MRI دارند. همچنین از کتب [۴] و [۲۰]^{۴۷} نیز در نوشتن این مطالب استفاده شده است که منابع بسیار مفیدی در این زمینه هستند.

همچنین از سایت های <http://mriquestions.com/> و <http://xrayphysics.com/> به عنوان مراجع آنلاین این پژوهش نام برد. کورسی نیز در کورسرا^{۴۸} گذرانده شد. هرچند این کورس ناقص است اما به پیوستگی مطالب هنگام نوشتن مطالب کمک کرده است.

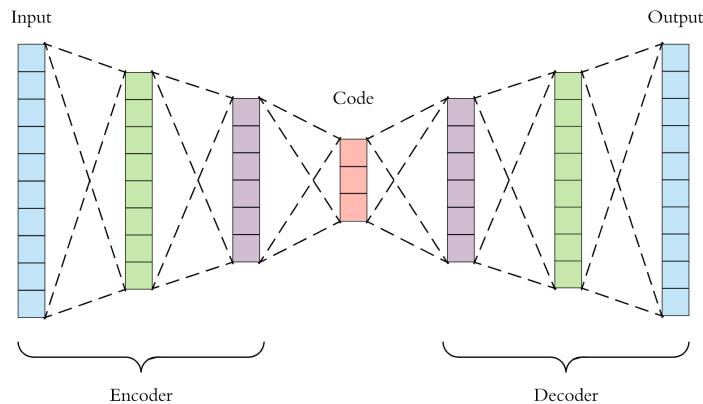
۱-۲ یادگیری عمیق

⁴⁷<https://www.coursera.org/learn/mri-fundamentals>



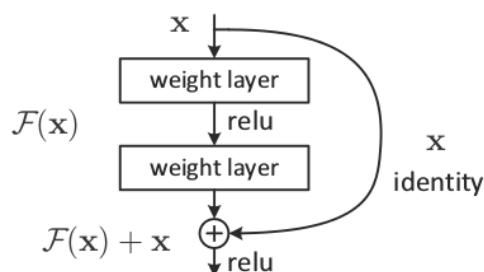
source: doi:10.1117/12.882726

شکل ۱-۲۷



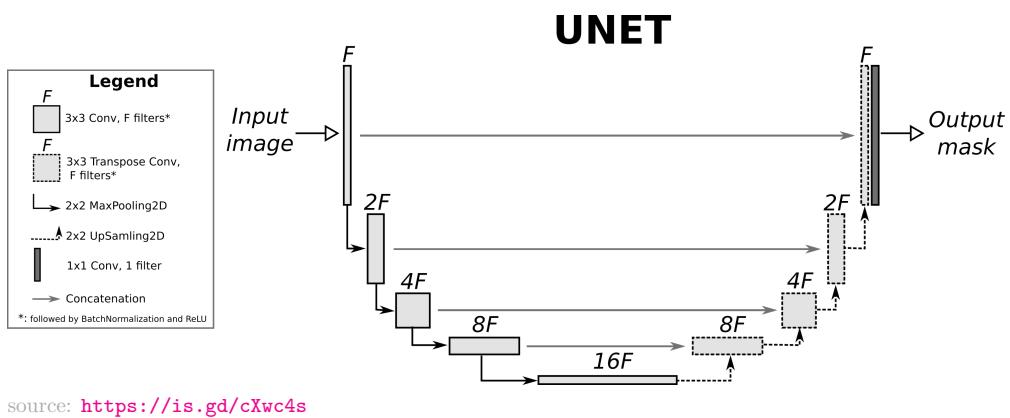
source: <https://towardsdatascience.com/1c083af4d798>

شکل ۱-۲۸

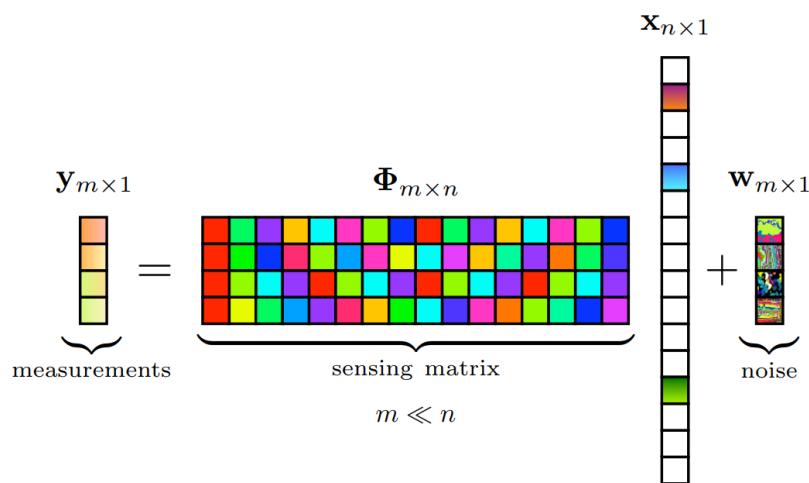


source: <https://theaisummer.com/skip-connections/>

شکل ۱-۲۹



شکل ۱-۳۰



شکل ۱-۳۱

۱-۳-۱ حسگری فشرده

$$\mathbf{y}_{m \times 1} = \Phi_{m \times n} \cdot \mathbf{x}_{n \times 1} + \mathbf{w}_{m \times 1} \quad (17-1)$$

$$\mathbf{x}_{n \times 1} = \text{k-sparse}$$

۱-۴ آشنایی با فرمت های ذخیره سازی

داده های MRI نیز مانند دادگان دیگر در سایر زمینه ها نیاز است که در یک فرمت واحد ذخیره شود که مستقل از ارائه دهنده و یا فروشنده آن اطلاعات باشد. این فرمت ذخیره سازی منظم، به محققان این اجازه را می دهد که به ساده ترین شکل ممکن داده خود را عوض کنند. فرمت داده خاص منظم شده ^{۴۸} به دانشمندان و محققان کمک می کند تا از محدودیت هایی که از طرف فروشنده های خاص آن داده یا تکنولوژی های اختصاصی، تحمیل می شود، فرار کنند.

تصویربرداری پزشکی، استانداردی مانند تصویربرداری دیجیتال و ارتباطات در پزشکی ^{۴۹} (DICOM) دارد که به گروه رادیولوژی اجازه این را می دهد که داده های فروشنده های مختلف را در یک فرمت واحد ذخیره کنند. زیرشاخه تصویربرداری عصبی نیز فرمت مخصوص خود یعنی طرح فناوری اطلاعات انفورماتیک عصبی ^{۵۰} (NIIfTI) را دارند که پروژه های وسیعی با آن فرمت ها انجام شده است. اما این فرمت ها برای استفاده از عملیات بازسازی تصویر زیاد مناسب نیستند چرا که اطلاعات علمی که الگوریتم های بازسازی با آنها کار می کنند را شامل نمی شوند. برای کارکردن با فرمت خام بازسازی، فرمت داده خام ISMRM ^{۵۱} (ISMRMRD) پیشنهاد شده است که مفصلان در مورد آن صحبت خواهد شد.

۱-۴-۱ فرمت ذخیره سازی ISMRMRD

انجمن بین المللی تشدید مغناطیسی در پزشکی ^{۵۲} (ISMRM) یک انجمن غیرانتفاعی است که نظم در زمینه های توسعه و نوآوری و کاربرد های تشدید مغناطیسی فعالیت هایی را در سطح جهانی ترویج می دهد. [۲۶] استاندارد ISMRMRD توسط یک زیرکمیته از ISMRM در سال ۲۰۱۳ توسعه می یابد.

فرمت خامی که این انجمن معرفی کرده است مخصوص داده های خام MRI پیش از هرگونه عملیات بازسازی، پدینگ صفر ^{۵۳} ، درون یابی، فیلتر کردن و یا تبدیل فوریه گرفتن، می باشد. ایت فرمت طراحی شده است تا اطلاعات مربوط به بازسازی را مستقل از فروشنده های مختلف MRI در اختیار محققان قرار

⁴⁸Discipline-Specific data format

⁴⁹Digital Imaging and COmmunication in Medicine

⁵⁰Neuroimaging Informatics Technology Initiative

⁵¹ISMRM Raw Data format

⁵²International Society for Magnetic Resonance in Medicine

⁵³Zero padding

ISMRMRD Dataset

XML Header

```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8" standalone="no" ?>
<!DOCTYPE ismmrdrdHeader xmlns="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
  xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
  xsi:schemaLocation="http://www.ismmr.org/ISMMRDRD ismmrdrd.xsd">

<encoding>
  <encodedSpace>
    <matrixSize>
      <x>>12</x><y>256</y><z>1</z>
    </matrixSize>
    <fieldOfView_mm>
      <x>600</x><y>300</y><z>6</z>
    </fieldOfView_mm>
  </encodedSpace>
  <reconSpace>
    <matrixSize>
      <x>>256</x><y>256</y><z>1</z>
    </matrixSize>
    <fieldOfView_mm>
      <x>300</x><y>300</y><z>6</z>
    </fieldOfView_mm>
  </reconSpace>
  <encodingLimits>
    <kspcse_encoding_step_1>
      <minimum>0</minimum>
      <maximum>255</maximum>
      <center>128</center>
    </kspcse_encoding_step_1>
    <repetition>
      <minimum>0</minimum>
      <maximum>1</maximum>
      <center>0</center>
    </repetition>
  </encodingLimits>
  <trajectory>cartesian</trajectory>
</encoding>

</ismmrdrdHeader>

```

source: doi:10.1002/mrm.26089

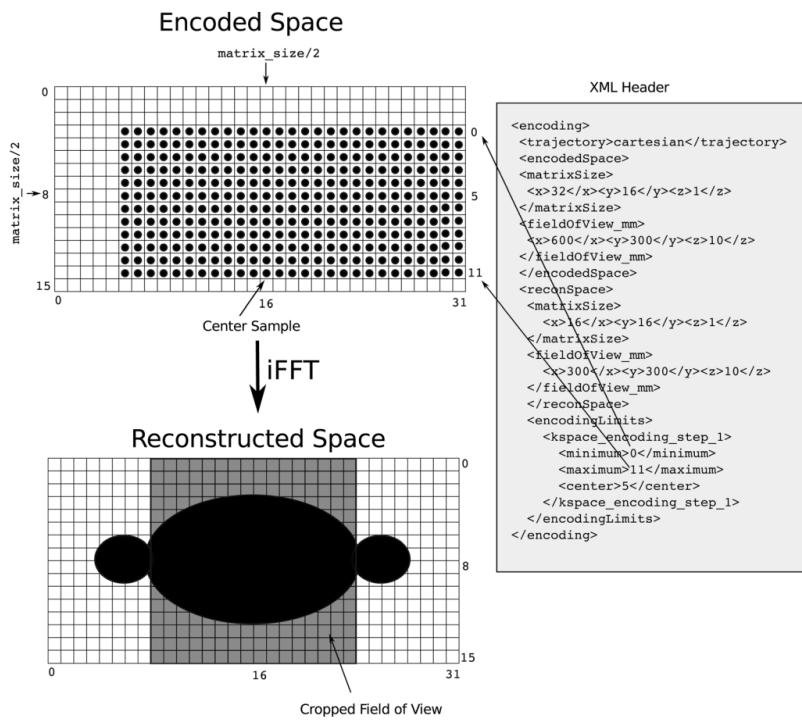
Raw Data

شکل ۱-۳۲: دیتاست فرمت ISMRMRD

دهد چرا که تا پیش از آن هریک از آن فروشنده‌گان فرمت اختصاصی خود را داشته‌اند. همچنین ابزارهایی جهت تبدیل داده‌های فروشنده‌گان مختلف را به این فرمت در گیت هاب خود ارایه داده‌اند. از این فرمت می‌توان در زبان‌های برنامه نویسی متلب، پایتون و سی پلاس پلاس استفاده کرد. [۱۳]

دیتاست ارایه شده در شکل ۱-۳۲ از دو قسمت اصلی تشکیل شده است:

- XML هدر یک .
 - خام داده ی .



شکل ۱-۳۳:

ISMRRMD	Bruker	GE	Philips	Siemens
kspace_encode_step_1	encode step 1	Frame	e1	Line
kspace_encode_step_2	encode step 2	—	e2	Partition
Average	—	—	Measurement	Acquisition
Slice	Slice	Slice	Location	Slice
Contrast	Echo	Echo	Echo	Echo
Phase	—	—	Cardiac phase	Phase
Repetition	Repetition	Repetition	Dynamic scan	Repetition
Set	—	—	Row	Set
Segment	—	—	—	Segment

جدول ۱-۷:

بخش ۲

مروارادبیات

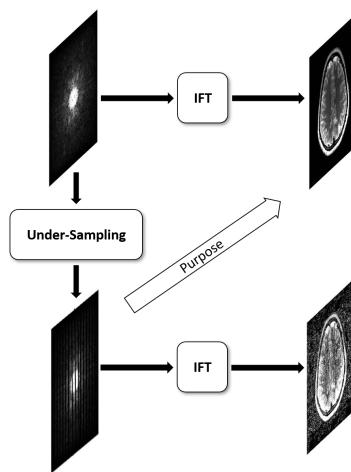
۱-۲ مقدمه

در بخش ۱-۱ توضیح داده شد که چرا تصویر برداری MRI طولانی و احتیاج به سپری شدن زمان دارد. برای کاهش این زمان باید یا میدان مغناطیسی و اندازه گرادیان ها را افزایش داد و یا از تعداد نمونه های مورد پردازش کاست. از آنجا که افزایش میدان مغناطیسی علاوه بر خطراتی که دارد، از لحاظ مهندسی نیز کار ساده ای نیست، روش هایی که مبنی بر کاهش تعداد نمونه ها هستند اهمیت بیشتری پیدا کرده اند.

به طور کلی، می توان هدف این گونه پردازش ها را در شکل ۱-۲، مشاهده نمود. سعی بر آن است که داده های مورد پردازش را کاهش داد. در اثر این اقدام، تصویر باز سازی شده دچار تداخل^۱ می شود. اما هدف این گونه پردازش ها این است که این مشکلات ایجاد نشود و تصویری با همان کیفیت، ایجاد شود.

برای این هدف، باید از اطلاعاتی اضافی در بازسازی تصاویر استفاده کرد. در بخش پردازش های سیگنالی از این حقیقت استفاده می شود که تصاویر ما حقیقی هستند و در بخش تصویر برداری موازی، از اطلاعات سیم پیچ های مختلف استفاده می کنند. اما در بخش حسگری فشرده و یادگیری عمیق از اطلاعات خود تصویر به گونه ای استفاده می شود تا کیفیت آن کاهش پیدا نکند.

¹ Aliasing



شکل ۱-۲:

۲-۲ روش‌های متداول پردازش سیگنال

در بخش ۱ در مورد نحوه تصویر برداری MRI صحبت شد و دیدم که نمونه‌ها از فضای فوریه تصویر برداشته می‌شوند که آن فضا k -space نام دارد. اما تصویر در نهایت یک تصویر حقیقی است و نه مختلط و موهمی، بنابراین می‌توان از این خاصیت استفاده کرد تا تعداد اخذ نمونه را به 50° درصد کاهش داد. البته در این روش باعث می‌شود که در مورد آن نیز صحبت خواهد شد.

قضیه‌ی ۱-۲ (فوریه توابع حقیقی). اگر یک تابع حقیقی $s(x, y)$ در اختیار داشته باشیم در این صورت داریم:

$$S(k_x, k_y) = \mathcal{F}[s(x, y)](k_x, k_y) \Rightarrow S(k_x, k_y) = S^*(-k_x, -k_y)$$

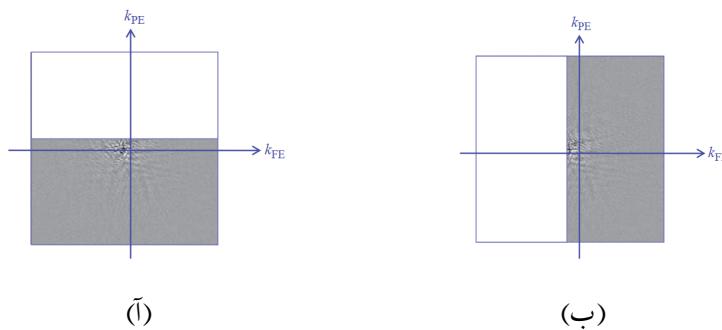
بنابراین طبق قضیه ۱-۲ می‌توان این طور گفت که توابع حقیقی در حوزه فوریه (k -space) تقارن 180° درجه دوران دارند. این یعنی گوشه بالا سمت راست k -space با گوشه پایین سمت چپ تصویر برابر است.

از این تکنیک به نام‌های «نیم فوریه^۲»، «نیمسکن^۳» و یا «نیم نکس^۴» نیز یاد می‌شود. در هر کدام، صرفاً کمی بیشتر از نصفی از دادگان اخذ می‌شود. در واقع توسط این روش نصف گام‌های گرادیان کدکردن فاز حذف می‌شود. در مورد k -space نیز می‌توان گفت که مانند شکل ۲-۲^(آ) صرفاً نیمه

²half Fourier

³halfscan

⁴half NEX



source: doi:10.1017/CBO9780511545405

شکل ۲-۲:

پایینی (یا بالایی) فضا را اخذ می‌کنیم و نیمه بعدی را با توجه به قضیه‌ی ۱-۲ از آن نیمه، باز سازی می‌کنیم. به قضیه ۱-۲، ساخت مزدوج^۵ نیز گفته می‌شود.

هر چند با این تکنیک تقریباً ۵۰ درصد از لحاظ زمانی صرفه جویی می‌شود و خیلی روی رزولوشن مکانی تاثیر نمی‌گذارد، اما تقریباً ۳۰ درصد SNR را کاهش می‌دهد.^[۱۹] برای درک بهتر این موضوع، توجه داشته باشید که درست است که از لحاظ تئوری نیمه بالایی k-space از نیمه پایینی بدست می‌آید اما هردو نیمه دو نویز ناهمبسته حس می‌کنند که این اتفاق باعث می‌شود اطلاعات این دو نیمه باهم متفاوت باشد. در حقیقت SNR با ضریب $\frac{1}{\sqrt{2}}$ کاهش پیدا می‌کند و این مقدار کاهش برابر با $0.2928 = \sqrt{1 - \frac{1}{2}}$ می‌باشد. بنابراین این روش هرچند سادگی ریاضیاتی خاص خود را دارد اما باعث کاهش SNR می‌شود و باید به دنبال روش‌های مناسب تری بود که از اطلاعات بیشتری استفاده کنند.

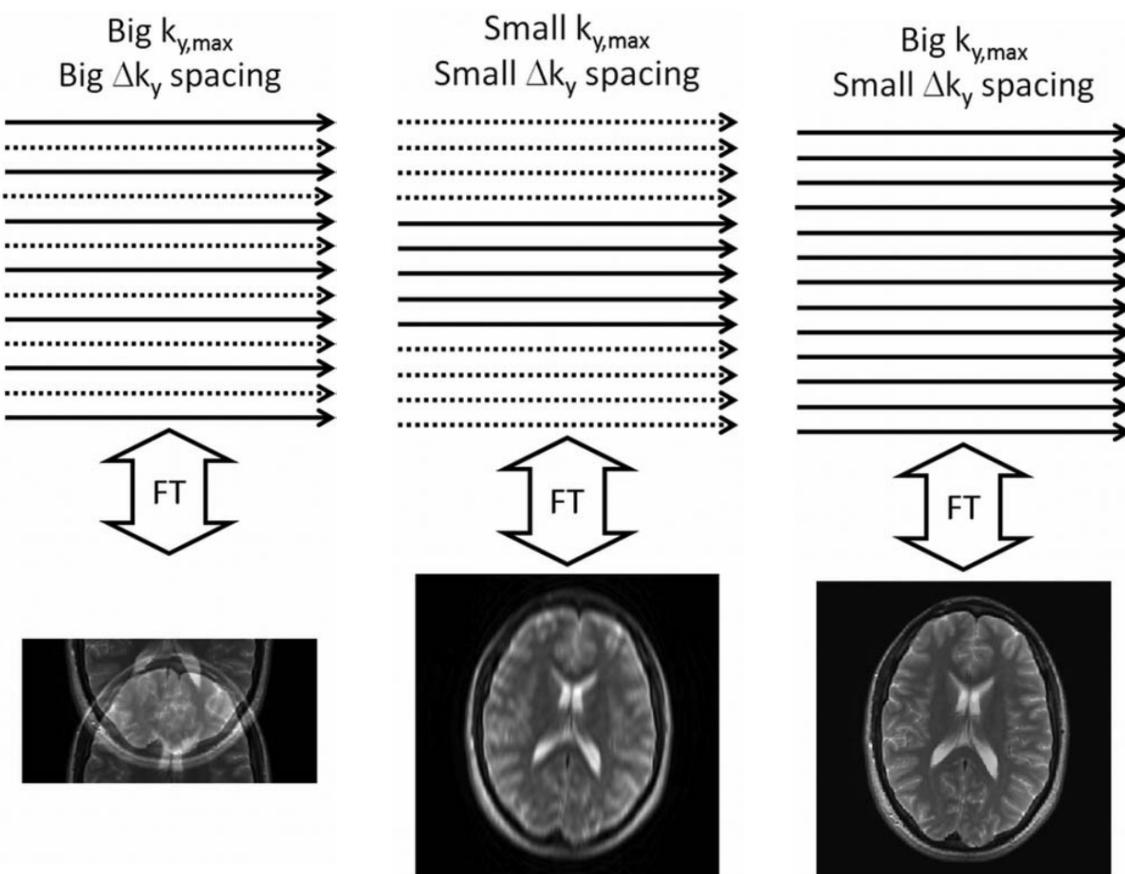
۳-۲ تصویر برداری موازی

در این قسمت برای سرعت بخشیدن به فرایند تصویر برداری MRI روش‌هایی معرفی می‌شود که به تصویر برداری موازی^۶ موسوم هستند. در تصویر برداری MRI دادگان مستقیماً از تصویر برداشته نمی‌شوند بلکه از فضای فوریه‌ی تصویر موسوم به k-space اخذ می‌شوند. (شکل ۳-۲)

سیگنال‌های بدست آمده عموماً در جهت k_x به صورت فرکانسی کد می‌شوند و در جهت k_y به صورت خطوطی از کد کردن فاز می‌باشند. همچنین اگر تصویر برداری سه بعدی مدنظر باشد یک کد

⁵conjugate synthesis

⁶Parallel Imaging



(آ) میدان دید کامل و رزولوشن کامل (ب) میدان دید کامل و رزولوشن کمتر (ج) میدان دید کمتر و رزولوشن کامل

source: doi:[10.1002/jmri.23639](https://doi.org/10.1002/jmri.23639)

شکل ۲-۳:

کردن دوم فاز نیز در جهت k_z صورت می‌گیرد. زمان کل اخذ داده^۴ (T_A) برای یک اسکن دو بعدی به صورت زیر می‌باشد.

$$T_A = T_R \times N_{PE} \quad (1-2)$$

که T_R زمان تکرار^۵ یا زمانی که نیاز است تا یک خط از k -space در طول k_x دریافت شود می‌باشد. همچنین N_{PE} نیز تعداد خطوط کد کردن فاز در جهت k_y می‌باشد. در یک تصویر برداری سه بعدی، تعداد کد کردن پارتیشن‌ها^۶ (N_{PART}) نیز باید به حاصل ضرب اضافه کرد.

⁷Total acquisition time⁸Repetition time⁹Partition encoding

T_R کمک می‌کند که کنتراست تصویر را تنظیم کنیم و N_{PE} روزولوشن تصویر در جهت کدکردن فاز را تعیین می‌کند.

برای کاهش زمان استخراج داده، یا باید داده‌های k-space سریع‌تر استخراج شود (که به معنی کاهش زمان T_R است) و یا تعداد داده‌کمتری استخراج شود (که به معنای کاهش N_{PE} می‌باشد).

سرعت جمع آوری داده‌های k-space، کنتراست مطلوب تصویر را تنظیم می‌کند. برای بعضی از انواع اسکن مانند اسپین اکو^{۱۰}، T_R باید به اندازه‌ای باشد تا کنتراست مطلوب تصویر تولید شود. در باقی انواع اسکن مانند گرادیان^{۱۱} یا سری‌های تقدیمی آزاد حالت ماندگار متعادل^{۱۲}، کاهش زمان T_R با حفظ کنتراست تصویر ممکن است.

اما یک محدودیت فیزیکی نیز وجود دارد. قطع و وصل کردن سریع گرادیان با میدان قوی می‌تواند یک جریان الکتریکی در بدن بیمار القا کند که آن نیز می‌تواند بالقوه باعث ایجاد تحریکات عصبی حاشیه‌ای^{۱۳} شود^[۶].

دیدگاه دیگر برای کاهش زمان T_A ، کاهش تعداد داده‌های جمع آوری شده می‌باشد. یک راه برای این کاهش، کاهش ساده‌ی $k_{y,\max}$ می‌باشد در حالی که فاصله‌ی Δk_y حفظ شده است (شکل ۳-۲(ب)). از آن جا که طبق رابطه ۹-۱ روزولوشن در جهت y با معکوس $k_{y,\max}$ متناسب است، این کار باعث کاهش روزولوشن تصویر و مات شدن آن می‌شود. اگر روزولوشن تصویر بخاطر مسایل کلینیکالی بخواهد ثابت بماند، یک راه آن است که مانند شکل ۳-۲(ج) برخی از خطوط کدکردن فاز حذف شوند. با این کار Δk_y زیاد می‌شود و مطابق رابطه ۹-۱ باعث کاهش در میدان دید تصویر می‌شود که در صورتی که ابعاد شیء از ابعاد میدان دید بزرگتر باشد، می‌تواند باعث ایجاد اختلاط مکانی^{۱۴} می‌شود. در حقیقت FOV (که توسط فاصله‌ی خطوط کد کردن فاز تعیین می‌شود)، باید حداقل به بزرگی ابعاد شیء مورد تصویر برداری باشد. این الزام بر روی FOV و محدوده‌ی نمونه برداری k-space به عنوان نرخ نایکوییست^{۱۵} شناخته می‌شود. اگر نرخ نایکوییست در هردو جهت k_x و k_y رعایت شود، تصویر می‌تواند مانند شکل ۳-۲(آ) بدون اختلاط مکانی بازسازی شود^[۶].

¹⁰Spin Echo

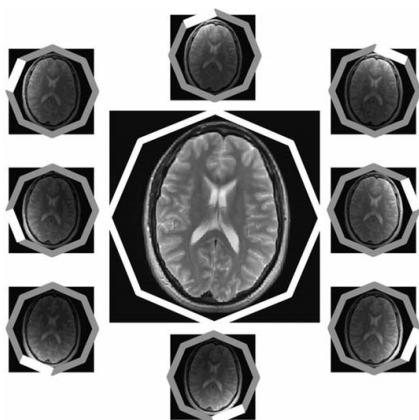
¹¹Spoiled Gradient Echo

¹²Balanced Steady-State Free-Precession Sequences

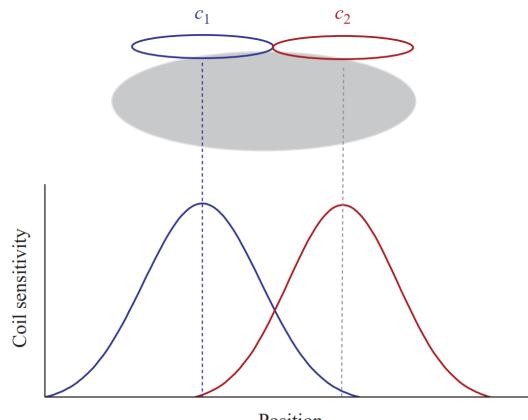
¹³Peripheral Nerve Stimulation

¹⁴Spatial Aliasing

¹⁵Nyquist criterion



source: doi:10.1002/jmri.23639



source: doi:10.1017/CBO9780511545405

(ب)

(آ)

شکل ۴-۲:

۱-۳-۲ روش های تصویربرداری موازی

هنجاری که سرعت بخشیدن به جمع آوری داده های MRI با جمع آوری تعداد کمتری خطوط کدکردن فاز ممکن است که قبل از استفاده تصاویر در کاربردهای کلینیکی، اختلاط مکانی آنها حذف شود. روش های تصویربرداری موازی در راستای حل کردن این مشکل، ایجاد شده اند. همه روش های تصویربرداری موازی سه مشخصه زیر را مشترک دارند^[۶]:

۱. داده های k -space در جهت کدکردن فاز برای کاهش زمان اسکن، زیر نرخ نمونه برداری شده اند (در تصویربرداری های سه بعدی می تواند در جهت کدکردن پارتبیشن نیز چنین باشد). فاکتور شتاب^{۱۶} یا فاکتور کاهش^{۱۷} R به صورت نسبت مقدار دیتای k -space برای نمونه برداری کامل تصویر به مقدار جمع آوری شده در یک استخراج تسریع یافته^{۱۸}، تعریف می شود. اگر نرخ نایکوییست رعایت نشود و میدان دید کمتر اندازه های شیع باشد، تصویری دارای اختلاط را نتیجه می دهد.

۲. داده های بوسیله ای کانال های دریافت کننده همگن حجمی بزرگ (شکل ۴-۲(ب)) بدست می آیند. هریک از این سیم پیچ های دریافت کننده به حجمی که به آنها نزدیک تر است حساس ترند. (شکل ۴-۲(آ)) که این یعنی که آن سیم پیچ ها یک منبع اضافه از اطلاعات مکانی جهت بازسازی تصویر را فراهم می کنند.

¹⁶ Acceleration factor

¹⁷ Reduction factor

¹⁸ Accelerated acquisition

۳. یک الگوریتم مخصوص که به اطلاعات حساسیت سیمپیچ های مختلف برای بازسازی احتیاج دارد، برای ترکیب داده های زیر نرخ نمونه برداری شده از هر سیمپیچ دریافت کننده استفاده می شود تا یک تصویر نمونه برداری با میدان دید کامل بدون اختلاط بدست آید.

چیزی که باید به آن توجه کرد این است که تصویربرداری موازی یک سری پالس خاص نیست. تعداد کanal های دریافت کننده در آرایه ای از سیم پیچ ها، مقدار ماکسیمم فاکتور شتاب را محدود می کند. به طور کلی، فاکتور شتاب نمی تواند از تعداد سیمپیچ های آرایه بیشتر شود. هرچند این پارامتر معمولاً خیلی کمتر انتخاب می شود تا تصویری با کیفیت مطلوب تولید شود.

روش های مختلفی در تصویربرداری موازی وجود دارد و آن سه مشخصه‌ی مذکور بین شان مشترک است. این الگوریتم ها را می توان به دو دسته تقسیم کرد. (۱) آنها یی که با تصاویر دارای اختلاط کار می کنند (مانند SENSE) و (۲) آنها یی که داده های از دست رفته‌ی k-space را بازسازی می کنند (مانند GRAPPA).

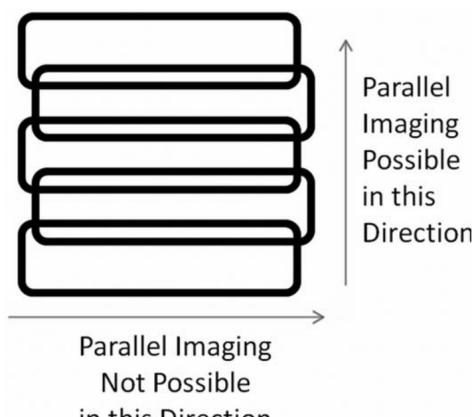
۲-۳-۲ آرایه های سیمپیچ های دریافت کننده

قبل از بحث در مورد متعدد های مختلف تصویربرداری موازی مهم است که در مورد یک سخت افزار اساسی در تصویربرداری موازی یا به عبارت دیگر آرایه دریافت کننده چند کanal^{۱۹}، صحبت کرد. حساسیت یک کanal دریافت کننده تکی در یک آرایه به سیگنال هایی که از یک منطقه مکانی خاص می آیند، محدود می شود که در شکل ۲-۴ قابل مشاهده است. این حساسیت معمولاً به شیء درون سیمپیچ های دریافت کننده بستگی دارد و بنابراین از یک بیمار به بیمار دیگر می تواند تغییر کند.

پروفایل های حساسیت، میدان دید مطلوب را پوشش می دهد. هنگامی که یک اسکن با چندین سیم پیچ دریافت کننده انجام می شود، تصاویر نتیجه شده از هر سیمپیچ باید با یکدیگر ترکیب شوند. این کار می تواند با استفاده از مجموع مربعات (و یا سایر تکنیک هایی که یک سیگنال همگن را پس از ترکیب نتیجه می دهند) انجام داد.

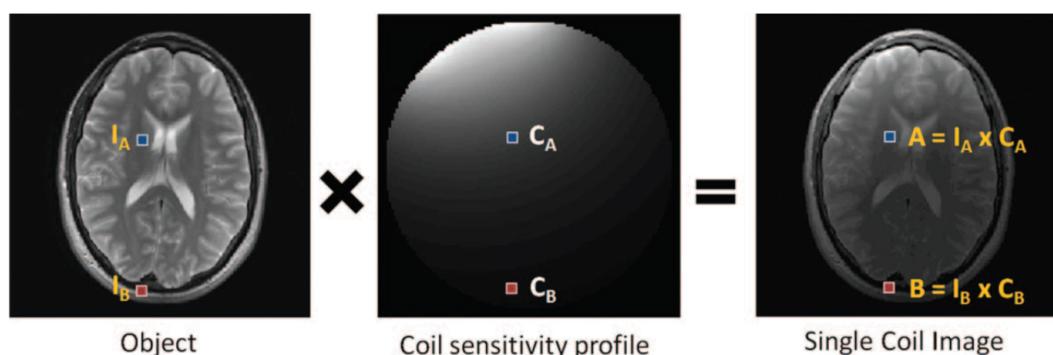
آرایه های متداول در کاربردهای کلینیکالی از ۴ تا بیشتر از ۳۲ کanal مستقل را شامل می شود و حساسیت های متنوعی را در دو یا سه بعد دارند. از آنجایی که تصویربرداری موازی به این تفاوت های حساسیت سیمپیچ ها تکیه دارد، سرعت بخسیدن صرفا در جهت تغییرات حساسیت می تواند اعمال شود.

¹⁹multichannel receiver array



source: doi:10.1002/jmri.23639

شکل ۵-۲:



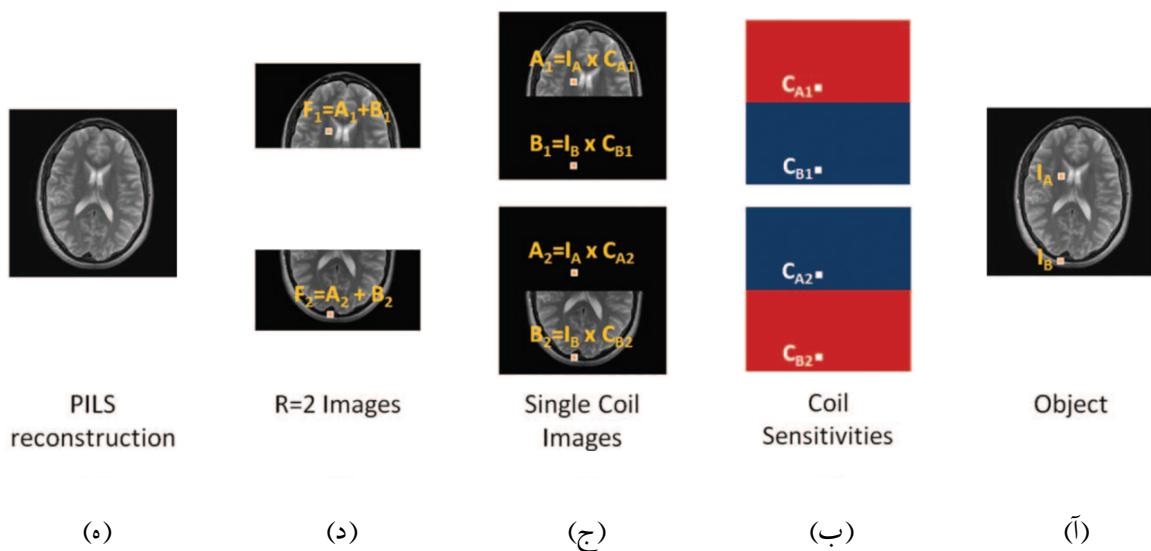
source: doi:10.1002/jmri.23639

شکل ۶-۲:

برای مثال اگر پنج سیم پیچ مانند شکل ۲-۵ در یک خط قرار گیرند، صرفا در جهت خط آرایه (جهتی که حساسیتی بین سیم پیچ ها تغییر می کند)، سرعت بخشیدن می تواند اتفاق بیفتد. [۶]

شکل ۶-۲ که چگونه یک حساسیت ناهمگن سیم پیچ می تواند یک تصویر MR را تغییر دهد. به زبان ریاضی، هر نقطه در تصویر شیع در نقطه متناظرش در نقشه حساسیت^{۲۰} ضرب می شود. بنابراین نقطه A و B در تصویر سمت راست در شکل ۶-۲ به ترتیب با $A = C_A \times I_A$ و $B = C_B \times I_B$ برابر هستند. بنابراین تصویر هر سیم پیچ برابر با ضرب تصویر شیع در نقشه حساسیت آن سیم پیچ می باشد.

²⁰Sensitivity Map



source: doi:[10.1002/jmri.23639](https://doi.org/10.1002/jmri.23639)

شکل ۲-۷: مثال ساده‌ای از pMRI

۳-۳-۲ یک مثال ساده از pMRI

فرض کنید یک آرایه از $N_c = 2$ سیم پیچ دریافت کننده در اختیار داریم که به صورت خیلی ایده‌آل هریک از آن‌ها دقیقاً نیمی از میدان دید FOV را پوشش می‌دهد. مطابق شکل ۲-۷(ج) سیم پیچ اول صرفاً نیمه‌ی بالایی شیء و سیم پیچ دوم نیمه‌پایینی شیء را شناسایی می‌کند. با این تکنیک می‌توان با ضریب کاهش ۲، تعداد خطوط کدکردن فاز را کاهش داد. چرا که مطابق شکل ۲-۷(ب)، سیم پیچ اول سیگنال‌هایی که نیمه‌پایینی شیء می‌آیند را دریافت نمی‌کند و سیم پیچ دوم نیز سیگنال‌هایی که نیمه‌ی بالایی شیء می‌آیند را دریافت نمی‌کند. بنابراین می‌توان این دو نیمه را همزمان با یکدیگر اندازه‌گیری کرد که باعث می‌شود زمان لازم برای استخراج داده نصف شود. در گام آخر نیز به سادگی دو نیمه بدست آورده را در کنار یکدیگر قرار می‌دهیم و یک تصویر با رزولوشن و میدان دید کامل بدست می‌آوریم. در تصویر خروجی نسبت سیگنال به نویز با ضریب \sqrt{R} و تعداد خطوط کدکردن فاز نیز با فاکتور کاهش R کاهش می‌یابد.

این ساده سازی و ایده‌آل نگری یک جهان واقعی را بازتاب نمی‌دهد چرا که در واقعیت حساسیت‌های C به صورت نرم^{۲۱} بر روی میدان دید FOV تغییر می‌کنند و به صورت عادی یکدیگر در برخی از محتوا اشتراک دارند. اما به هر حال این مثال ساده چند خصوصیت و الزامات مهم تصویربرداری موازی را نشان

²¹Smooth

می‌دهد. [۳]

۱. چندین سیم‌پیچ دریافت کننده با حساسیت‌های مختلف بر روی FOV باید وجود داشته باشند.

۲. هر کدام از سیم‌پیچ‌ها بایستی مسیر خود را تهیه کنند.

۳. در بازسازی تصویربرداری موازی، اطلاعات دقیقی از حساسیت‌های سیم‌پیچ‌ها می‌خواهد لازم است.

۴. نسبت سیگنال به نویز در یک تصویربرداری موازی، حداقل با ضریب \sqrt{R} کاهش می‌یابد.

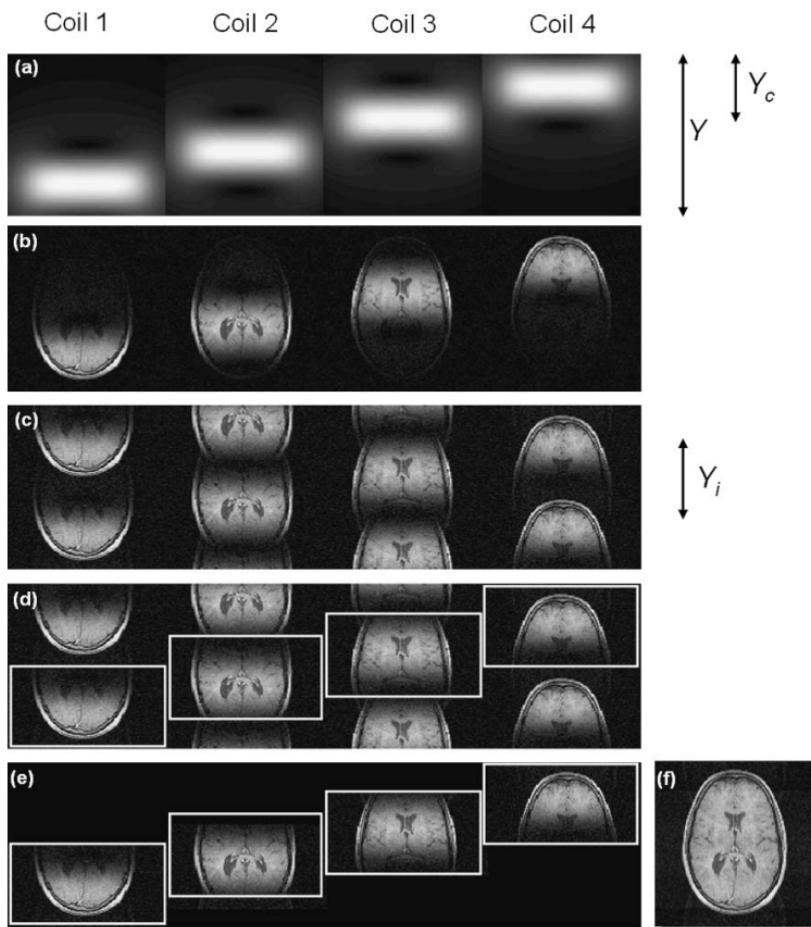
۴-۳-۲ تصویربرداری موازی جزئی با حساسیت‌های محلی شده (PILS)

تصویربرداری موازی جزئی با حساسیت‌های محلی شده^{۲۲} (PILS) که در سال ۲۰۰۰ معرفی شده است [۸]، ملاحظات قبلی را به شرایط جهان واقعی گسترش می‌دهد. مطابق شکل ۸-۲ هر یک از سیم‌پیچ‌های دریافت کننده، حساسیتی کاملاً محلی دارند بطوریکه در یک منطقه متمایز Y_c و در باقی جاها صفر است و بنابراین هریک از آن‌ها یک منطقه‌ی متمایز از Fov شیء را تحت پوشش قرار می‌دهند.

یک تصویربرداری موازی همراه با کاهش در جهت کدکردن فاز، تصاویر جزئی متناظبی را نتیجه می‌دهد. مادامی که FOV کاهش یافته Y_i بیشتر از منطقه‌ی محدود حساسیت انتخاب شود ($Y_c < Y_i$)، آن تصاویر جزئی به صورت کاملاً جداگانه از یکدیگر در FOV ظاهر می‌شوند. به وسیله دانستن مکان دقیق هریک از سیم‌پیچ‌ها درون یک آرایه خطی، می‌توانیم تصویر جزئی متناظر را در مکان درست استخراج کرد و در نهایت این زیر تصویر‌ها با یکدیگر ادغام می‌شوند و یک تصویر کامل با رزولوشن کامل را نتیجه می‌دهند. [۳]

PILS محدود به ترکیب کافی سیم‌پیچ‌ها می‌شود به طوری که هر کدام از سیم‌پیچ‌ها درون میدان دید و در جهت کدکردن فاز قرار داشته باشند. SNR بهینه دست‌پیدا می‌کند که یعنی SNR صرفا با ضریب مورد انتظار \sqrt{R} کاهش می‌یابد و SNR تلفات دیگری ندارد چرا که تصویر نهایی از ورژن‌های شیفت یافته‌ی تصاویری با FOV کاهش یافته ساخته شده است. این واضح است که PILS شدیداً به سیم‌پیچ‌هایی با حساسیت‌های محلی احتیاج دارد در بخش بعدی با روش‌های عمومی‌تر آشنا می‌شویم.

²²partially Parallel Imaging with Localized Sensitivities



source: doi:[10.1097/01.rmr.0000136558.09801.dd](https://doi.org/10.1097/01.rmr.0000136558.09801.dd)

شکل ۲-۸: روش PILS

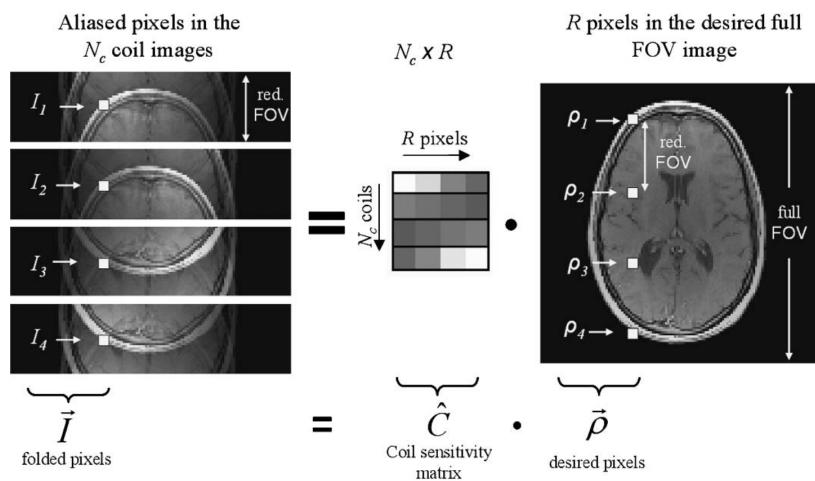
۵-۳-۲ کدکردن حساسیت (SENSE)

روش کدکردن حساسیت^{۲۳} (SENSE) در سال ۱۹۹۹ معرفی شد^[۲۱] و یکی از روش‌هایی است که در کاربردهای تجاری مورد استفاده قرار می‌گیرد.

روش بازسازی SENSE را می‌توان به طور خلاصه به عنوان یک الگوریتم بازکردن^{۲۴} در حوزه‌ی تصویر، دسته بندی کرد. [۳] به شکل ۹-۲ دقت کنید. تصویر ایجاد شده در هر یک سیمپیچ‌ها را می‌توان به صورت مجموع حاصل ضرب چگالی پروتون (تصویر حقیقی) در میزان حساسیت سیمپیچ در آن ناحیه نوشت. به عبارت دقیق‌تر، معادله‌ی زیر برای تصویر کاهش یافته‌ی سیم‌پیچ k^A برقرار است.

²³SENSEivity Encoding

²⁴Unfolding



source: doi:10.1097/01.rmr.0000136558.09801.dd

شکل ۲-۹: روش SENSE

$$I_k(x, y) = C_k(x, y)\rho(x, y) + C_k(x, y + \Delta y)\rho(x, y + \Delta y)$$

$$+ \dots + C_k(x, y + n_A \Delta y)\rho(x, y + n_A \Delta y) \quad (2-2)$$

$$= \sum_{n=0}^{n_A} C_k(x, y + n \Delta y)\rho(x, y + n \Delta y)$$

که در آن n_A تعداد سیگنال های اختلاطی است که از مکانی به مکان دیگر متفاوت است و به اندازه های شیء مورد تصویر برداری، بستگی دارد. اگر ابعاد شیء دقیقاً میدان دید بازسازی FOV_{rec} را پر کند، آنگاه $n_A = R$ در آن نقاط می شود و در باقی موارد $n_A \leq R$ می باشد. همچنین Δy نیز فاصله های اختلاطی^{۲۵} می باشد:

$$\Delta y = \frac{\text{FOV}_{\text{rec}}}{R} \quad (3-2)$$

اگر N_c تا سیمپیج داشته باشیم، معادله ۲-۲ را به ازای k های مختلف (از ۱ تا N_c) به صورت همزمان در یک ماتریس نوشت.

²⁵aliasing distance

$$\begin{bmatrix} I_1(x, y) \\ I_2(x, y) \\ \vdots \\ I_{N_c}(x, y) \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} C_1(x, y) & C_1(x, y + \Delta y) & \cdots & C_1(x, y + n_A \Delta y) \\ C_2(x, y) & C_2(x, y + \Delta y) & \cdots & C_2(x, y + n_A \Delta y) \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ C_{N_c}(x, y) & C_{N_c}(x, y + \Delta y) & \cdots & C_{N_c}(x, y + n_A \Delta y) \end{bmatrix} \cdot \begin{bmatrix} \rho(x, y) \\ \rho(x, y + \Delta y) \\ \vdots \\ \rho(x, y + n_A \Delta y) \end{bmatrix} \quad (4-2)$$

و بنابراین معادله‌ی ۴-۲ را می‌توان با نماد ساده شده زیر نوشت. [۲۰]

$$\vec{I}_{N_c \times 1} = \mathbf{C}_{N_c \times n_A} \cdot \vec{\rho}_{n_A \times 1} \quad (5-2)$$

حال به یک دستگاه معادلات خطی تبدیل شود. جواب بهینه برای این معادله را می‌توان با عملیات شبه‌وارون^{۲۶} پیدا کرد. همچنانی باید توجه داشت که $n_A \leq R \leq N_c$ برقرار است. (هرچند R در این جا می‌تواند بیشتر از N_c نیز شود تا جایی‌که n_A با N_c برابر شود.)

$$\vec{\rho} = \mathbf{C}^\dagger \cdot \vec{I} = (\mathbf{C}^H \mathbf{C})^{-1} \mathbf{C}^H \cdot \vec{I} \quad (6-2)$$

برای باز کردن تصویر اختلاطی کافیست که معادله‌ی ۶-۲ را به ازای تمامی نقاط اجرا کنیم. بر خلاف روش PILS در روش SENSE برای تنظیمات دلخواه سیم‌پیچ‌ها می‌توان پردازش موازی را انجام داد اما هزینه آن کاهش اضافی SNR است که به هندسه‌ی آرایه‌ای از سیم‌پیچ‌ها بستگی دارد. [۳]

$$\text{SNR}_{\text{SENSE}} = \frac{\text{SNR}_{\text{full}}}{g \cdot \sqrt{R}} \quad (7-2)$$

دلیل کاهش SNR با ضریب \sqrt{R} بیشتر توضیح داده شده است اما یک ضریب اضافی g نیز وجود دارد که فاکتور هندسه^{۲۷} و یا فاکتور^{۲۸} g ، نامیده می‌شود و همواره بیشتر و یا مساوی با ۱ مقدار دارد. اگر حساسیت دو سیم‌پیچ دریافت کننده به شدت به یکدیگر همبسته باشند، تصاویر اختلاطی سخت تر از یکدیگر جدا شده و باعث کاهش SNR می‌شود. هر چند این مشکل خودش را در معادله‌ی ۶-۲ خود را نشان نداده است اما در کاهش SNR ظاهر می‌شود و از پیکسلی به پیکسل دیگر تغییر می‌کند و معمولاً در مرکز تصویر مقادیر بیشتری را دارد چراکه در آنجا تعداد بیشتری از تصاویر همپوشانی دارند و حساسیت سیم‌پیچ‌های دریافت کننده شبیه به هم دیگر است.

²⁶Pseudo Inverse

²⁷geometry factor

²⁸g-factor

مشکل اصلی بازسازی به روش SENSE این است که به حساسیت دقیق سیم پیچ‌ها احتیاج دارد. هرگونه خطای در نقشه حساسیت سیم پیچ‌ها باعث ایجاد آرتیفیکت‌هایی به شکل اختلاط باقی‌مانده در تصویر بازسازی شده، می‌شود. [۶]

پروفایل‌های حساسیت سیم پیچ‌های مختلف به مکان آن‌ها نسبت به آناتومی شئ مورد تصویربرداری بستگی دارد و بنابراین نیاز به یک پیش اسکن دارد. اگر بیمار حین عملیات تصویربرداری جابجا شود، حساسیت سیم پیچ‌ها ممکن است تغییر کند و نتایجی توأم با آرتیفیک را نتیجه دهد. این آرتیفیکت‌ها را می‌توان با جمع آوری اطلاعات لازم برای محاسبه‌ی مجدد نقشه حساسیت سیم پیچ‌ها، تسکین داد. همچنین در نواحی‌ای که سیگنال ضعیف است مانند ریه‌ها و سینوس‌ها، تعیین حساسیت سیم پیچ‌ها به دلیل وجود نویز بالا در این مناطق می‌تواند سخت باشد.

اگرچه در تعیین نقشه حساسیت، چالش‌های بالقوه‌ای در روش SENSE وجود دارد اما SENSE و ورژن مختلف آن مانند mSENSE و یا ASSET به صورت روزانه در اسکن‌های تسریع یافته‌ی کلینیکی استفاده می‌شود. [۶]

SMASH ۶_۳_۲

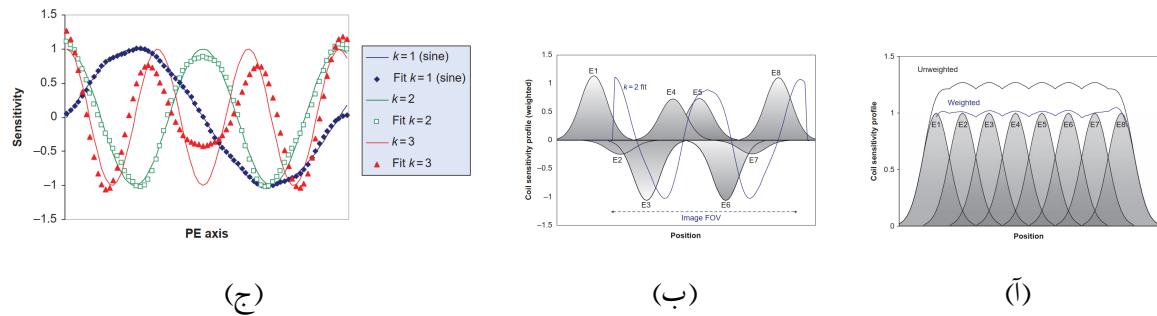
از نظر تاریخی، جمع آوری داده‌های هارمونیک‌های مکانی به طور همزمان^{۲۹} (SMASH)، اولین تکنیک تصویربرداری موازی به حساب می‌آید (سال ۱۹۹۷) [۲۳]. عبارت زیر هارمونیک‌های مکانی که در واقع همان فرکانس‌های مکانی هستند، به این موضوع اشاره دارد که این الگوریتم در حوزه‌ی k-space کار می‌کند که بر خلاف دو روش SENSE و PILS می‌باشد. این روش از ترکیب حساسیت سیم پیچ‌های مختلف استفاده می‌کند تا کدکردن فاز معجازی بسازد. برای این منظور ضرایب $n_k^{(m)}$ به گونه‌ای انتخاب می‌شوند تا ترکیبی‌شان یک پروفایل مرکب حساسیت^{۳۰} بسازد که به شکل یک سینوسی مرتبه m در مکان تغییر کند یعنی:

$$C_m^{\text{comp}}(x, y) = \sum_{k=1}^{N_c} n_k^{(m)} C_k(x, y) \cong e^{i \frac{2\pi}{\text{FOV}} m \Delta k_y y} \quad (8-2)$$

که در آن رابطه، $\Delta k_y = \frac{2\pi}{\text{FOV}}$ می‌باشد و k نیز بین ۱ تا N_c تغییر می‌کند. حال برای سیگنال سیم پیچ $^{k\text{ام}}$ را می‌نویسیم

²⁹SiMultaneous Acquisition of Spatial Harmonics

³⁰Composite sensitivity profile



source: doi:[10.1017/9781107706958](https://doi.org/10.1017/9781107706958)

شکل ۲-۱۰: روش SMASH

$$S_k(k_x, k_y) = \iint \rho(x, y). C(x, y). \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right). \exp(i\pi x k_x). \exp(i\pi y k_y). dx dy \quad (9-2)$$

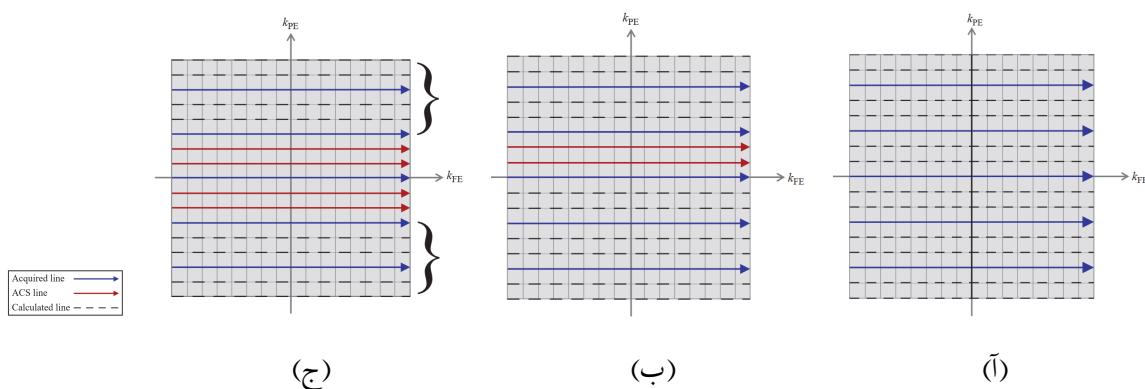
این رابطه مشابه رابطه ۱-۱۵ است اما در آن جمله‌ی $C(x, y)$ نیز در نظر گرفته شده است. اگر این سیگنال‌ها را با ضرایب $n_k^{(m)}$ با یکدیگر ترکیب کنیم، خواهیم داشت:

$$\begin{aligned} \sum_{k=1}^{N_c} n_k^{(m)} S_k(k_x, k_y) &= \iint \rho(x, y). \left(n_k^{(m)} \sum_{k=1}^{N_c} C(x, y) \right) . \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right) \\ &\quad \exp(i\pi x k_x). \exp(i\pi y k_y). dx dy \\ &= \iint \rho(x, y). C_m^{\text{COMP}}. \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right). \exp(i\pi x k_x). \exp(i\pi y k_y). dx dy \end{aligned} \quad (10-2)$$

در صورتی که این رابطه را با رابطه ۸-۲ ادغام کنیم، داریم:

$$\begin{aligned} \sum_{k=1}^{N_c} n_k^{(m)} S_k(k_x, k_y) &\cong \iint \rho(x, y). \exp\left(\frac{-t}{T^*_\gamma}\right) \\ &\quad e^{i\pi x k_x}. e^{i\pi y (k_y + m\Delta k_y)}. dx dy \\ &= S^{\text{COMP}}(k_x, k_y + m\Delta k_y) \end{aligned} \quad (11-2)$$

در حقیقت در روش SMASH نشان داده شده است که این ترکیب خطی از سیگنال‌های سیمپیچ‌های مختلف می‌تواند به وطر مجازی داده‌های k -space را یک شیفت فرکانسی در جهت کدکردن فاز دهد و به شدت به تنظیمات سیمپیچ‌های مختلف وابسته است تا بتواند هارمونیک مکانی مطلوب را تولید کند.



source: doi:10.1017/9781107706958

شکل ۱۱-۲

۷-۳-۲ معرفی روش‌های خود تنظیم

مشکل روش‌هایی مثل SMASH و SENSE این است که به اطلاعات دقیقی از حساسیت سیم پیچ‌های مختلف احتیاج دارند که از بیماری به بیمار دیگر متفاوت است و حتی اگر بیمار جابجا نیز شود این حساسیت تغییر می‌کند. برای بدست آوردن این حساسیت ابتدا و پیش از اسکن یک تصویر با رزو لوشن پایین از شیع می‌گیرند و از آن به عنوان حساسیت استفاده می‌کنند. این اسکن مقدماتی حدود ۲۰ ثانیه ای به طول می‌انجامد و به تعداد کمی از خطوط کد کردن فاز اما با فاصله‌های یکسان نسبت به اسکن نهایی در میانه‌ی k-space احتیاج دارد و این اسکن مقدماتی برای هر تعداد اسکن دیگر اما با شرایط یکسان می‌توان بکار برد. این خطوط اضافه سیگنال تنظیم^{۳۱} شناخته می‌شوند.

در برخی دیگر از روش‌ها موسوم به تکنیک خود تنظیم^{۳۲} بجای یک اسکن مقدماتی در حین همان اسکن نهایی، تعدادی از خطوط کد کردن فاز در حوالی مرکز k-space را اخذ می‌کند. این خطوط اضافه، سیگنال خود تنظیم^{۳۳} (ACS) نام دارند که در روش‌های mSENSE، AUTO-SMASH و VD-AUTO-SMASH به کار رفته اند.

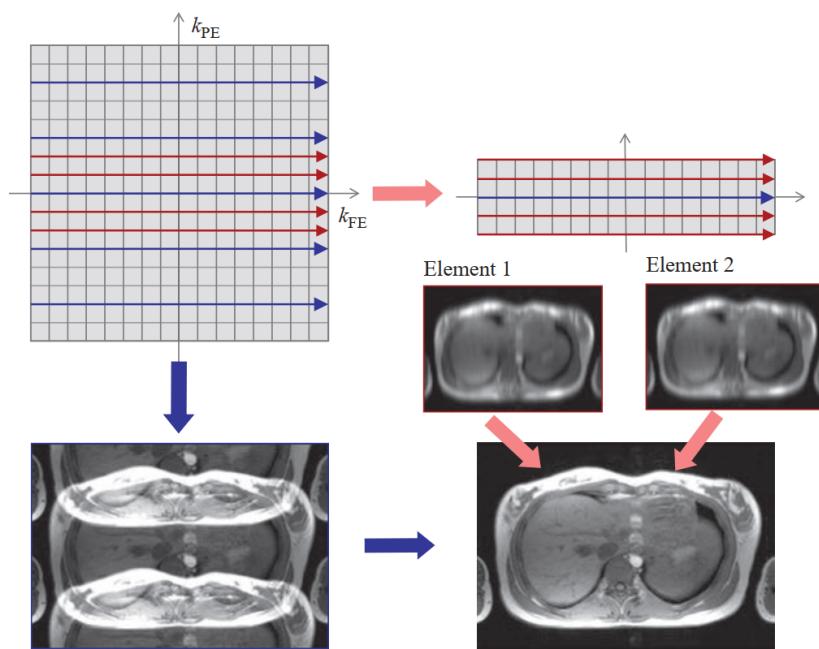
روش mSENSE^{۳۴} ورژن خود تنظیم الگوریتم SENSE است. شکل ۱۲-۲ این روش را به تصویر می‌کشد. مشابه SENSE، روش SMASH نیز نسخه خود تنظیم دارد. دو روش AUTO-SMASH (در سال ۱۹۹۸) و VD-AUTO-SMASH (در سال ۲۰۰۱) به این منظور طراحی شده‌اند. در روش

³¹Calibration Signal

³²self-calibrating technique

³³AutoCalibration Signal

³⁴modified-SENSE



source: doi:10.1017/9781107706958

شکل ۱۲-۲: روش خودتنظیم mSENSE

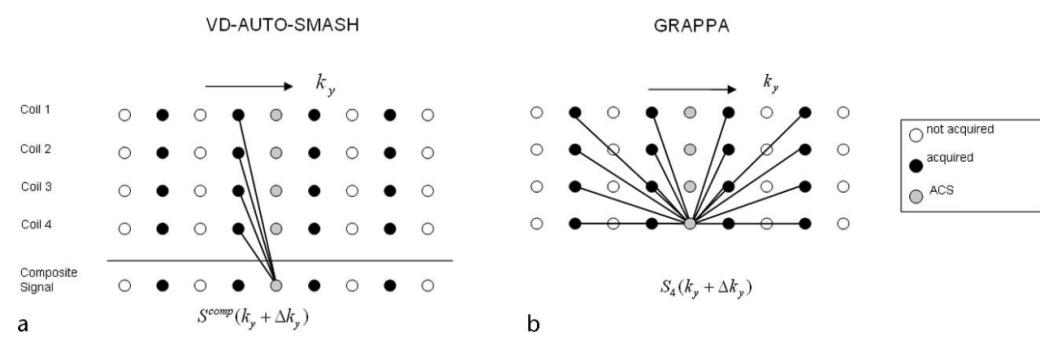
AUTO-SMASH (شکل ۱۱-۲(ب))، به ازای فاکتور شتاب R به تعداد $1 - R$ خط ACS دریافت می‌شود. بخاطر وجود نویز در این روش نقشه حساسیت سیمپیچ‌ها با خط تخمین زده می‌شود که این خط به شکل کمی اختلاط در تصویر باز سازی باقی می‌ماند. در روش AUTO-SMASH با چگالی متغیر یا همان VD-AUTO-SMASH (شکل ۱۱-۲(ج))، از تعداد ACS‌های بیشتری و به طور متقاضی نسبت به مرکز k -space استفاده شده است اما همین مقادیر کم تاثیر زیادی در کاهش آرتفکت‌ها شده است و دقت بسیار خوبی را منجر می‌شود.

ARC و GRAPPA ۸-۳-۲

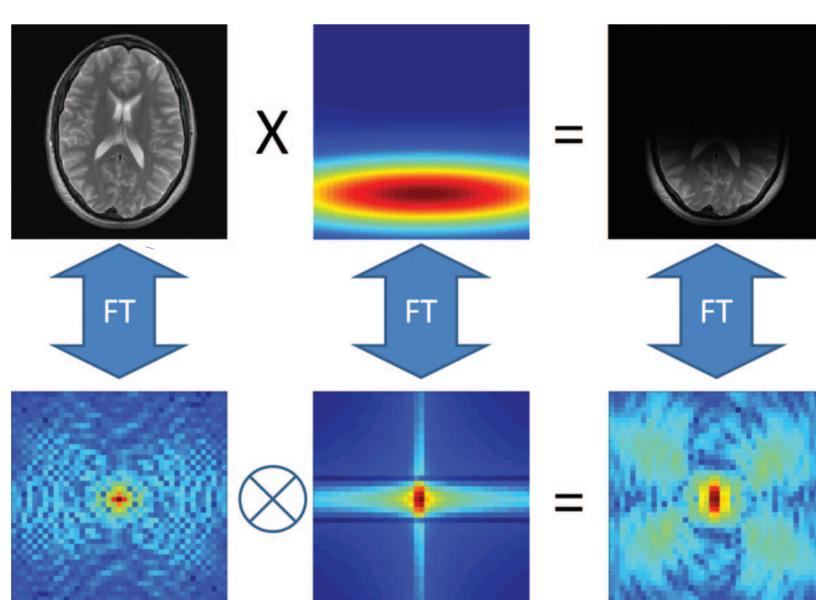
دریافت جزئی مواری خودتنظیم تعمیم داده شده^{۳۵} (GRAPPA)، نام روشی است که در سال ۲۰۰۲ معرفی شده است. [۴] این روش نیز بر خلاف SENSE، سعی می‌کند تا داده‌های از دست داده k -space را بازسازی کند. از این رو این روش به اصطلاح در k -space زیرنرخ نمونه داری شده^{۳۶} کار می‌کند در حالی که SENSE، بر روی تصاویر اختلاطی فعالیت دارد.

³⁵Generalized Autocalibrating Partially Parallel Acquisitions

³⁶Undersampled k -space



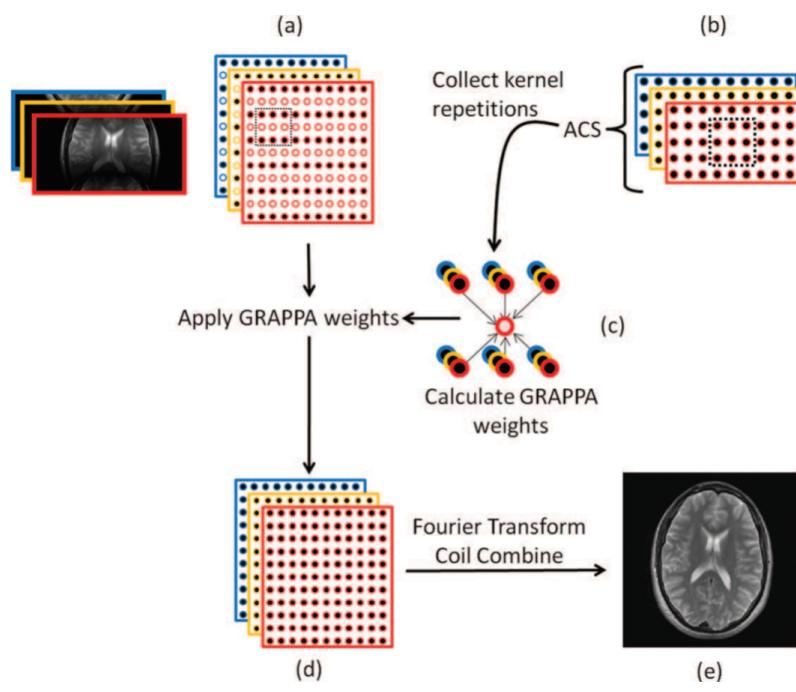
شکل ۱۳-۲



شکل ۱۴-۲

نحوه نمونه برداری در روش GRAPPA نیز مشابه VD-AUTO-SMASH (شکل ۱۱-۲(ج)) می باشد. اما در باسازی داده های از دست رفته به شکلی کاملاً متفاوت عمل می کند. برای درک بهتر این موضوع شکل ۱۳-۲ را در نظر بگیرید. در خانواده روش های SMASH ، با استفاده از یک ترکیب خطی بهینه، داده های از دست رفته در یک شیفت فرکانسی را بدست می آوریم. اما در روش GRAPPA در آن ترکیب خطی از همسایگان بیشتری استفاده می کند که پاسخی روابط تر حاصل می شود.

برای دید بهتر، تصویر ۱۴-۲ را ملاحظه کنید. از آنجایی که حوزه تصویر، حساسیت در تصویر حقیقی شیع ضرب می شود، بنابراین در حوزه k-space (که تبدیل فوریه ای حوزه تصویر محسوب می شود) به شکل عملگر کانولوشن ظاهر می شود. بنابراین اطلاعات حساسیت سیمپیچ ها در درون



source: doi:[10.1002/jmri.23639](https://doi.org/10.1002/jmri.23639)

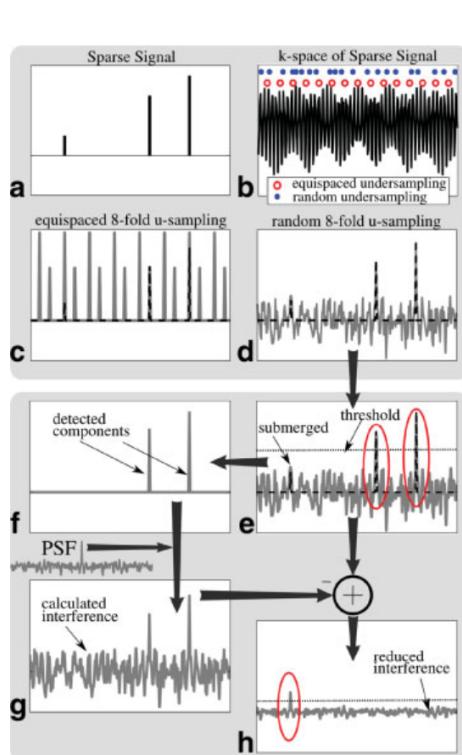
شکل ۱۵-۲ :

حوزه‌ی k-space با یکدیگر مخلوط شده است. بنابراین برخی از اطلاعات در مورد نقاط k-space داده شده، همسایگان خود را نیز شامل می‌شود. بنابراین اطلاعات نقاط از دست رفته را می‌توان با ترکیبی از اطلاعات همسایگان آن نقاط بازیابی کرد.

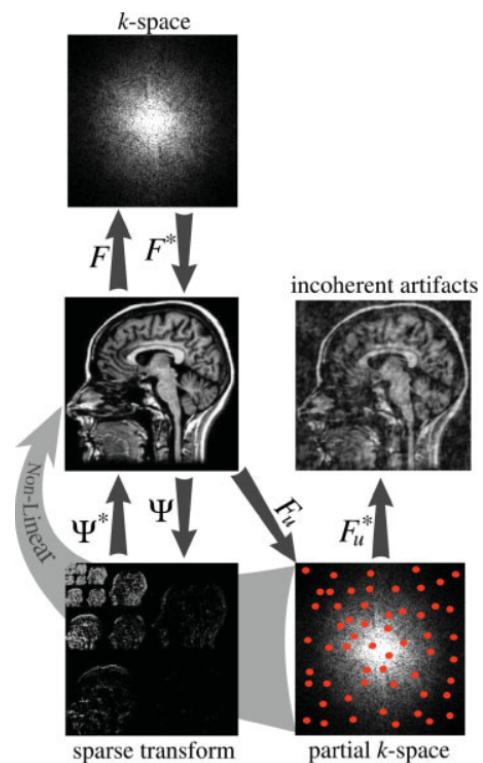
این الگوی مخلوط شده^{۳۷} در درون بخش ACS نیز وجود دارد بنابراین می‌توان مانند شکل ۱۵-۲ یک کرنل برای محاسبه وزن‌ها در نظر گرفت که از اطلاعات سیم‌پیچ‌های مختلف در درون یک همسایگی در آن نقاط استفاده می‌کند و سپس با استفاده از آن ACS‌ها، وزن‌های کرنل مورد استفاده در GRAPPA را بدست آورد. یک نکته مهم این است که خطوط ACS می‌تواند با استفاده از یک روش با کانتراست متفاوت جهت سرعت بخشیدن به دریافت اطلاعات این بخش استفاده کرد.

زمانی که وزن‌های کرنل محاسبه شوند، از آن کرنل در درون k-space زیر نرخ نمونه برداری شده، استفاده می‌شود تا خطوط از دست رفته کد کردن فاز را پر کند. این کار برای تک تک سیم‌پیچ‌ها تکرار می‌شود و با یک تبدیل فوریه، به حوزه تصویر منتقل می‌شود. پس از آن باید تصویر بدست آمده با یکدیگر ترکیب شوند که این کار نیز با استفاده از همان روش مجموع مربعات که در بازسازی معمولی مورد استفاده قرار می‌گیرد، انجام می‌پذیرد. [۶] روش GRAPPA به صورت گسترده در کاربردهای کلینیکی

³⁷Smearing pattern



(ب)



(د)

شکل ۱۶-۲:

استفاده می‌شود و نسبت به تغییرات حساسیت‌های سیم پیچ‌ها مختلف مقاوم است.

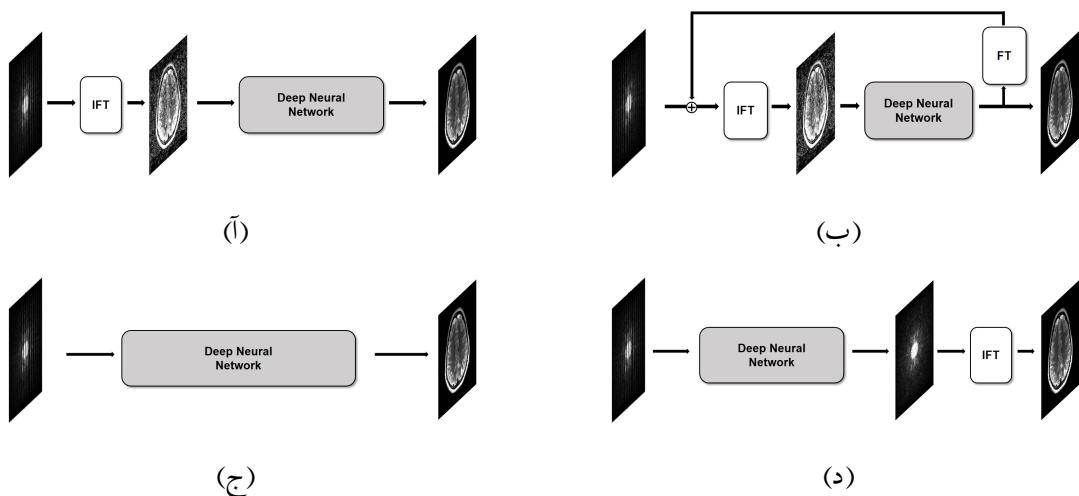
روش ARC^{۳۸} نیز یک پیاده سازی از GRAPPA در سه بعد است که در درون اسکنر های GE مورد استفاده قرار گرفته است.

۴-۲ حسگری فشرده

۱-۴-۲ CS-MRI معرفی

[۱۸]

³⁸ Auto-calibrating Reconstruction



doi:10.1109/tmi.2019.2927101

شکل ۱۷-۲

۲-۴-۲ معرفی روش ALOHA

ماتریس ساختاریافته هنکل^{۳۹} را می‌توان به شکل زیر تعریف کرد.

$$\mathcal{H}(\mathbf{x}) = \begin{bmatrix} x[0] & x[1] & \cdots & x[d-1] \\ x[1] & x[2] & \cdots & x[d] \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ x[n-d] & x[n-d+1] & \cdots & x[n-1] \end{bmatrix} \quad (12-2)$$

۵-۲ یادگیری عمیق

با توسعه‌ی الگوریتم‌های یادگیری ماشین و یادگیری عمیق در حوزه‌های مختلف فناوری و مهندسی، بازسازی تصاویر MRI نیز از این مقوله مستثنა نبوده است. اخیراً مقالات زیادی در این زمینه با استفاده از یادگیری عمیق انجام شده است.

روش کلی در تمامی این مقالات این است که با داشتن داده‌های کامل نمونه برداری شده^{۴۰} و k-space متضاظر آن، ابتدا داده‌هایی با نرخ کمتر تولید می‌کنند و سپس این جفت دادگان را به یک شبکه

³⁹Structured Hankel Matrix

⁴⁰fully-sampled data

یادگیری ماشین می‌دهند به گونه‌ای که سیستم طراحی شده در ورودی خود دادگان k-space نمونه برداری شده با نرخ کمتر و در خروجی خود تصویر MRI با نرخ نمونه برداری کامل را ببیند و سیستم طراحی شده سعی کند که رابطه بین ورودی و خروجی را کشف کند. شکل ۱۷-۲ به نقل از [۱۰] حالت های ممکن مورد بررسی در این روش‌ها را بیان می‌کند.

۱-۵-۲ استفاده از اتوانکدود در حوزه‌ی k-space

تبدیل فوریه مکانی^{۴۱} یک سیگنال دلخواه $\mathbb{R}^2 \rightarrow \mathbb{R}$

$$\hat{x}(\mathbf{k}) = \mathcal{F}[x](\mathbf{k}) := \int_{\mathbb{R}^d} e^{-i\mathbf{k} \cdot \mathbf{r}} x(\mathbf{r}) d\mathbf{r} \quad (13-2)$$

$$\mathbf{y} = \mathcal{P}_\Lambda[\hat{\mathbf{x}}] \quad (14-2)$$

$$[\mathcal{P}_\Lambda[\hat{\mathbf{x}}]]_i = \begin{cases} \hat{x}[i], & i \in \Lambda \\ 0, & \text{سایر موارد} \end{cases} \quad (15-2)$$

$$\hat{\mathbf{x}} = [\hat{x}[0] \quad \dots \quad \hat{x}[N-1]], \quad \text{where} \quad \hat{x}[i] = \hat{x}(\mathbf{k}_i) \quad (16-2)$$

در ساختار CS-MRI تلاش می‌شود که مسئله‌ی بهینه سازی زیر حل شود تا از اسپارسیتی در یک حوزه تبدیل بتوان به منظور بازسازی تصویر از روی نقاط باقیمانده کند. مشکل اصلی این کار که در مقاله [۱۸] راه حل حسگری فشرده آن مورد بررسی قرار گرفت، این است که به بخارط مفهوم مطلوب ناهمدوسی^{۴۲} مجبور به آپدیت کردن بین هردو حوزه‌ی تصویر و حوزه k-space است.

$$\min_{\hat{z} \in \mathbb{C}^N} \|\mathcal{T}z\|_1 \quad (\tilde{17}-2)$$

$$\text{s.t. } \mathcal{P}_\Lambda([\hat{x}]) = \mathcal{P}_\Lambda([\hat{z}]) \quad (17-2\text{ب})$$

همان‌گونه که در بخش ۱-۴-۲ نیز توضیح داده شد، مقاله [۱۵] توانست نشان دهد که بین اسپارسیتی در یک حوزه تبدیل از تصویر (یا FRI^{۴۳}) و حوزه k-space ارتباطی وجود دارد و این

⁴¹Spatial Fourier Transform

⁴²Incoherency

⁴³Finite Rate Inovation

ارتباط به رنک پایین بودن^{۴۴} ماتریس ساختاریافته هنکل^{۴۵} در حوزه k-space بر میگردد. به عبارت دیگر اگر سیگنال ورودی یک سیگنال FRI باشد، ماتریس ساختاریافته هنکل آن در حوزه فوریه، رنک پایین خواهد بود.

بنابراین مسیله CS-MRI را میتوان به شکل زیر در آورد که در [۱۵] از آن به نام ALOHA یاد برده است.

$$\min_{\hat{z} \in \mathbb{C}^N} \text{Rank}(\mathcal{H}_d(\hat{z})) \quad (18-2)$$

$$\text{s.t. } \mathcal{P}_{\Lambda}([\hat{x}]) = \mathcal{P}_{\Lambda}([\hat{z}]) \quad (18-2\text{ب})$$

حال میخواهیم این مسیله را به یک مسیله یادگیری عمیق^{۴۶} تبدیل کنیم. از آنجایی که ما از ساختار شکل ۲-۱۷(ج) استفاده میکنیم، مساعد است که یک تابع هزینه را روی حوزه تصویر تشکیل دهیم از این رو الگوریتم ALOHA را به شکل زیر ویرایش میکنیم.

$$\min_{\hat{z} \in \mathbb{C}^N} \|x - \mathcal{F}^{-1}\hat{z}\| \quad (19-2)$$

$$\text{s.t. } \text{Rank}(\mathcal{H}_d(\hat{z})) = s, \quad (19-2\text{ب})$$

$$\mathcal{P}_{\Lambda}([\hat{x}]) = \mathcal{P}_{\Lambda}([\hat{z}]) \quad (19-2\text{ج})$$

که در آن s یک تخمینی از رنک ماتریس ساختاریافته هنکل است. توجه داریم که تابع (\cdot) یک قید غیر کانوکس^{۴۷} است. در مقاله [۱۵] به پیشنهاد از روش تکمیل ماتریس [۵] استفاده از رنک هسته‌ای^{۴۸} را برای حل این مشکل توصیه کرده است اما این مقاله روش دیگری را برای غلبه بر این مشکل را اتخاذ کرده است.

در ابتدا از اعداد مختلط خود را خلاص میکنیم. این کار به سادگی با تعریف اپراتور $\mathbb{R}(z) : \mathbb{C} \rightarrow \mathbb{R}^2$:

$$\mathbb{R}(z) = [\mathcal{R}e(z) \mathcal{I}m(z)]$$

روبرو امکان پذیر است:

در این صورت میتوان معادله ۱۹-۲ را به صورت زیر با نویسی نمود.

⁴⁴Low-Rankness

⁴⁵Structured Hankel Matrix

⁴⁶Deep-Learning

⁴⁷non-convex

⁴⁸nuclear norm

$$\min_{\hat{z} \in \mathbb{C}^N} \|x - \mathcal{F}^{-1}\hat{z}\| \quad (\tilde{A}20-2)$$

$$\text{s.t. } \text{Rank}(\mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z}))) = Q \leq 2s, \quad (20-2)$$

$$\mathcal{P}_\Lambda([\hat{x}]) = \mathcal{P}_\Lambda([\hat{z}]) \quad (20-2)$$

حال می خواهیم آن را به فرم یادگیری عمیق در بیاوریم. برای این کار چون از ساختار $\mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z}))$ ^{۴۹} استفاده کردیم و در این ساختار ورودی و خروجی، حوزه ای یکسان دارند، پس می توان از یک ساختار متقارن اتوانکو در ^{۵۰} استفاده کرد. که دارای المان های پولینگ ^{۵۱} و آنپولینگ ^{۵۲} است. این مقاله سعی می کند که آن قید رنک را در درون ساختار شبکه تزریق کند تا همیشه برآورده شود.

تجزیه SVD ماتریس $\mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z})) = U\Sigma V^T$ را در نظر بگیرد. میتوان دو بردار $\Psi, \tilde{\Psi} \in \mathbb{R}^{2d \times Q}$ به نحوی تعریف کرد که حاصل ضرب آن $\Psi \tilde{\Psi}^T = P_{\text{Range}(V)} \Psi$ شود. در این رابطه $P_{\text{Range}(V)}$ ماتریس پروژکشن روی بردار ماتریس V حاصل از تجزیه SVD مذکور خواهد بود. همچنین ماتریس های پولینگ و آنپولینگ $\Phi, \tilde{\Phi} \in \mathbb{R}^{M \times N}$ را تعریف کرد. چون که شبکه متقارن است پس میتوان عملکرد این دو را معکوس هم به شکل $\Phi \tilde{\Phi}^T = I_N$ دانست. از این رو روابط زیر را میتوان استخراج نمود.

$$\mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z})) = \Phi \tilde{\Phi}^T \mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z})) \Psi \tilde{\Psi}^T = \Phi C \tilde{\Psi}^T \quad (21-2)$$

$$C := \tilde{\Phi}^T \mathcal{H}_{d|\mathcal{V}}(\mathfrak{R}(\hat{z})) \Psi \quad (21-2)$$

حال می توان فضای برداری \mathcal{H} را به صورت زیر تعریف کرد.

$$\begin{aligned} \mathcal{H}(\Psi, \tilde{\Psi}) &= \{z \in \mathbb{C}^N \mid \mathfrak{R}[z] = \Phi^T(C \otimes g(\tilde{\Psi})) \\ &\quad C = (\tilde{\Phi} \mathfrak{R}[z]) \otimes h(\Psi)\} \end{aligned} \quad (23-2)$$

با این تعریف میخواهیم بهینه سازی را صرفا بر روی این فضا حل کنیم. بنابراین این مسیله به صورت زیر قابل بازنویسی است.

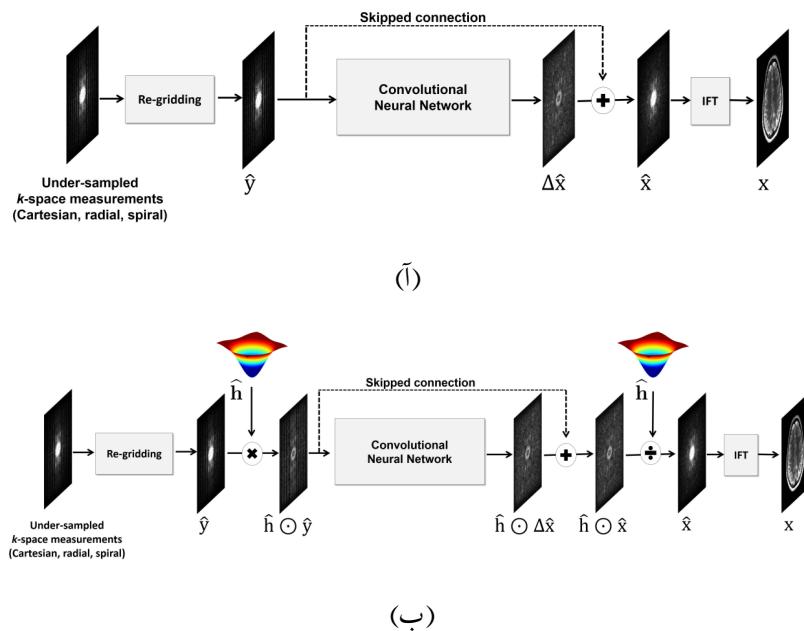
$$(P'_A) \quad \min_{\hat{z} \in \mathcal{H}(\Psi, \tilde{\Psi})} \min_{\Psi, \tilde{\Psi}} \|x - \mathcal{F}^{-1}\hat{z}\| \quad (\tilde{A}24-2)$$

$$\text{s.t. } \mathcal{P}_\Lambda([\hat{x}]) = \mathcal{P}_\Lambda([\hat{z}]) \quad (24-2)$$

⁴⁹ Auto-encoder

⁵⁰ Pooling

⁵¹ Unpooling

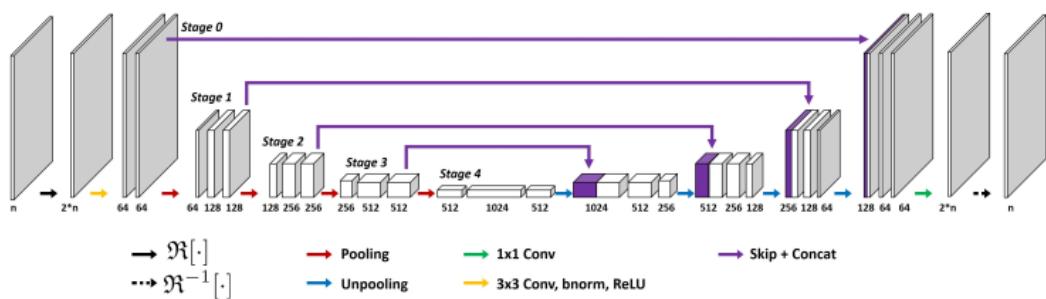


حال با این تعریف میتوان شبکه کانولوشنالی های در یک ساختار اتوانکودر را ایجاد کرد. در این مقاله دو ساختار موجود در شکل ۱-۵-۲ را مورد بررسی قرار داده است.

توجه داریم که در ساختار های ۱-۵-۲^{۵۲} از اسکیپ کانکشن از استفاده کرده است. این اسکیپ کانکشن کمک به ایجاد یک ساختار Residual و تولید ساختار های اسپارس تر در ورودی شبکه یادگیری عمیق است. بنابراین به اسپارسیتی ورودی آن افزوده میشود.

برای ساختار اتوانکودر نیز از ساختار معروف UNET استفاده شده است که تصویر ۲-۱۸ دارد. این ساختار متقارن و داری اسکیپ کانکشن های خود را نشان میدهد که بعنوان اتوانکودر بسیار کاربرد

⁵²Skip-Connection



شکل ۲-۱۸ :

بخش ۳

طراحی آزمایشات

۱-۳ آماده سازی

شبیه سازی های آورده شده در این قسمت با استفاده از زبان برنامه پایتون^۱ پیاده سازی شده است. از این رو چه در بخش های کار با داده و آماده سازی دادگان و چه در بخش های پردازش نیاز به دانلود و نصب برخی پکیج های مورد نیاز است. این موارد را به راحتی به کمک ابزار pip می توان نصب کرد. برای این کار ابتدا یک فایل به نام requirements.txt ایجاد کرده و داخل آن موارد نسبی را می نویسیم.

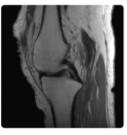
Listing 1: requirements.txt

```
1 folium==0.2.1
2 numpy
3 tensorflow>=2.3.0
4 ismrmrd
5 sigpy
6 mpi4py
7 mridata
8 wget
9 git+git://github.com/ismrmrd/ismrmrd-python-tools.git
```

برای نصب نیز کافیست که دستور زیر را در مسیر فایل requirements.txt اجرا کرد.

```
1 pip install -r requirements.txt
```

¹python



Project:	NYU machine learning data
Anatomy:	Knee
Fullysampled:	Yes
Uploader:	florianknoll
Tags:	<input type="text" value="Add a tag"/> <input type="button" value="Add"/>
^	
Download	
UUID	413469fd-9354-400c-88e3-b29e7c711a05
Downloads	2131
References	Hammerlik K, Klatzer T, Kobler E, Recht M, Sodickson D, Pock T, Knoll F. Learning a Variational Network for Reconstruction of Accelerated MRI Data. Magnetic Resonance in Medicine 79: 3055–3071 (2018)
Comments	This is part of the training and test data that was used for our 2017 MRM manuscript on learning a variational network to reconstruct accelerated MR data. The data accompanies the code repository at: https://github.com/VLOGroup/mri-varitionalnetwork .
Funding Support	NIH P41 EB017183
Protocol Name	SAG
Series Description	SAG
System Vendor	SIEMENS
System Model	Skyra
System Field Strength	2.89362 T
Receiver Bandwidth	0.793
Number of Channels	15
Coil Name	TxRx_15Ch_Knee:1:K5
Institution Name	HJD
Matrix Size	768 x 770 x 1
Field Of View	280 mm x 280.7 mm x 4.5 mm
Number of Averages	1
Number of Slices	31
Number of Phases	1
Number of Repetition	1
Number of Contrasts	1
Trajectory	cartesian
Parallel Imaging Factor	1.0 x 1.0
Repetition Time	2800 ms
Echo Time	22 ms
Inversion Time	100 ms
Flip Angle	150 °
Sequence Type	TurboSpinEcho
Echo Spacing	11.12 ms
Upload Date	Aug. 8, 2018, 7:12 a.m.

SOURCE: <http://mridata.org/list?project=NYU%20machine%20learning%20data>

شکل ۱-۳ :

۲-۳ دادگان آزمایش

در بخش ۴-۱ فرمت های گوناگون دادگان توضیح داده شد. در این آزمایش بخش مهمی از دادگان توسط سایت mridata.org تهیه شده است. در این سایت دیتابست های خام زیادی وجود دارد که با فرمت ismrmrd ذخیره شده اند. همان گونه که در بخش ۱-۴ اشاره شد، این نوع فرمت برای ذخیره دادگان خام جهت بازسازی مناسب هستند.

شکل ۱-۳ اطلاعات مورد نیاز جهت دانلود دیتاست مورد نظر را در اختیار ما قرار می‌دهد. ردیف داده‌ی شکل ۱-۳، آن می‌باشد که از آن جهت دانلود این دیتاست استفاده خواهیم کرد. همچنین در آن Parallel Imaging Factor و trajectory و میزان نمونه برداری زیر نرخ (در اینجا نمونه برداری کامل انجام شده است چرا که این پارامتر یک می‌باشد). را نشان می‌دهد.

برای استخراج جداولی مانند شکل ۱-۳ به شکل یک لیستی از دیتابریم‌های کتابخانه pandas از کد زیر استفاده شده است:

```

1 import pandas as pd
2 def mri_dataorg_to_pandas(url=
    'http://mri_data.org/list?project=NYU%20machine%20learning%20data'):
3     tables = pd.read_html(url)
4     tables = pd.concat([t.set_index(0).T for t in tables if
5         (len(t.columns)==2 and any(t.iloc[:,0].str.contains('UUID')))])
6     return tables

```

نحوه دانلود و خواندن داده‌ها

برای دانلود و استفاده از دادگان این سایت در پایتون بهترین کار این است که از کد زیر استفاده کرد.

```

1 import mri_data, pathlib
2 uuid = 'cc52722b-8649-45b0-a1ea-8727c1687ad5'
3 dir_output = 'data'
4 pathlib.Path(dir_output).mkdir(parents=True, exist_ok=True)
5 mri_data.download(uuid, folder=dir_output)

```

پکیج mri_data برای دانلود دیتاست‌ها از سایت mri_data.org استفاده می‌شود و به uuid دیتاست جهت انجام این کار نیاز دارد. سپس برای خواندن این فرمت باید به شیوه زیر عمل کرد:

```

1 import ismr_mrd, ismr_mrdtools
2 filename = os.path.join(dir_mri_data_org, uuid+'.h5')
3 dset = ismr_mrd.Dataset(filename, 'dataset', create_if_needed=False)
4 header = ismr_mrd.xsd.CreateFromDocument(dset.read_xml_header())
5 enc = header.encoding[0]

```

در کد بالا پکیج `ismrmrd` برای خواندن دادگان لازم است و پکیج `ismrmrdtools` برای بازسازی تصاویر خام به ما کمک می‌کند. سپس سایز های ماتریس ها را می‌خوانیم.

```

1 # Matrix size
2 eNx = enc.encodedSpace.matrixSize.x # 768
3 eNy = enc.encodedSpace.matrixSize.y # = 770
4 eNz = enc.encodedSpace.matrixSize.z # = 1
5 rNx = enc.reconSpace.matrixSize.x # = 384
6 rNy = enc.reconSpace.matrixSize.y # = 384
7 rNz = enc.reconSpace.matrixSize.z # = 1

```

با مقایسه‌ی این اندازه ماتریس فضای کد شده با ماتریس فضای باز سازی می‌توان دید که در جهت x و جهت y با دو برابر نرخ، نمونه برداری شده است که به اطلاع اورسمپلینگ^۲ نامیده می‌شود. سپس اندازه میدان دید را در این دو فضا برحسب میلی متر بدست می‌آوریم. در این صورت می‌توانیم ابعاد واقعی تصویر را مشخص کنیم.

```

1 # Field of View
2 eFOVx = enc.encodedSpace.fieldOfView_mm.x # = 280.0
3 eFOVy = enc.encodedSpace.fieldOfView_mm.y # = 280.700012
4 eFOVz = enc.encodedSpace.fieldOfView_mm.z # = 4.5
5 rFOVx = enc.reconSpace.fieldOfView_mm.x # = 140.0
6 rFOVy = enc.reconSpace.fieldOfView_mm.y # = 140.0
7 rFOVz = enc.reconSpace.fieldOfView_mm.z # = 3.0

```

و برای بدست آوردن سایر اطلاعات مفید مانند تعداد اسلائیس ها، تکرار ها و کنترast از کد زیر استفاده می‌کنیم.

```

1 # Number of Slices, Reps, Contrasts, etc.
2 ncoils = header.acquisitionSystemInformation.receiverChannels # = 15
3 if enc.encodingLimits.slice != None:
4     nslices = enc.encodingLimits.slice.maximum + 1 # = 36
5 else:
6     nslices = 1
7 if enc.encodingLimits.repetition != None:
8     nreps = enc.encodingLimits.repetition.maximum + 1 # = 1

```

²over sampling

```

9   else:
10      nreps = 1
11  if enc.encodingLimits.contrast != None:
12      ncontrasts = enc.encodingLimits.contrast.maximum + 1 # = 1
13  else:
14      ncontrasts = 1

```

نحوه بازسازی تصویر از داده خام

داده های ارایه شده توسط سایت mridata.org به صورت خام در فضای k-space و به فرمت فایل ismrmrda ذخیره شده است. از آنجایی که داده ها نمونه برداری کامل شده اند، نحوه بازسازی به اطلاعات بخش ۱ باز می‌گردد اما از آنجا که کار با این فرمت نیز به همان اندازه پیچیده است، در این قسمت مروی بر نحوه بازسازی با استفاده از پایتون خواهد شد.

```

1 import os
2 import ismrmrda, ismrmrda.xsd
3 import numpy as np
4 from ismrmrdtools import show, transform
5
6 remove_oversampling_x = True
7 # Initialize a storage array
8 all_data = np.zeros((nreps, ncontrasts, nslices, ncoils, eNx, eNy, rNx
9                     if remove_oversampling_x else eNx), dtype=np.complex64)
10
11 # Loop through the rest of the acquisitions and stuff
12 for acqnum in range(firstacq,dset.number_of_acquisitions()):
13     acq = dset.read_acquisition(acqnum)
14     # TODO: this is where we would apply noise pre-whitening
15     # Remove oversampling if needed
16     if eNx != rNx:
17         xline = transform.transform_kspace_to_image(acq.data, [1])
18         x0 = (eNx - rNx) // 2
19         x1 = (eNx - rNx) // 2 + rNx
20         xline = xline[:,x0:x1]
21         acq.resize(rNx,acq.active_channels,acq.trajectory_dimensions)

```

```

21     acq.center_sample = rNx//2
22     # need to use the [:] notation here to fill the data
23     acq.data[:] = transform.transform_image_to_kspace(xline, [1])
24     # Stuff into the buffer
25     rep = acq.idx.repetition
26     contrast = acq.idx.contrast
27     slice = acq.idx.slice
28     y = acq.idx.kspace_encode_step_1
29     z = acq.idx.kspace_encode_step_2
30     all_data[rep, contrast, slice, :, z, y, :] = acq.data

```

```

1 import os
2 import ismrrmrd
3 import ismrrmrd.xsd
4 import numpy as np
5 import matplotlib.pyplot as plt
6 from ismrrmrdtools import show, transform
7
8 # Initialize a storage array
9 # Reconstruct images
10 images = np.zeros((nreps, ncontrasts, nslices, eNz, eNy, rNx if
11     remove_oversampling_x else eNx), dtype=np.float32)
12 fig = plt.figure()
13 plt.xlim([0,1]); plt.ylim([0,1]);
14
15 # Loop through the rest of the acquisitions and stuff
16 for acqnum in range(firstacq,dset.number_of_acquisitions()):
17     acq = dset.read_acquisition(acqnum)
18
19     # Stuff into the buffer
20     rep = acq.idx.repetition
21     contrast = acq.idx.contrast
22     slice = acq.idx.slice
23     y = acq.idx.kspace_encode_step_1
24     z = acq.idx.kspace_encode_step_2
25     # print(y,z)
26     all_data[rep, contrast, slice, :, z, y, :] = acq.data

```

```

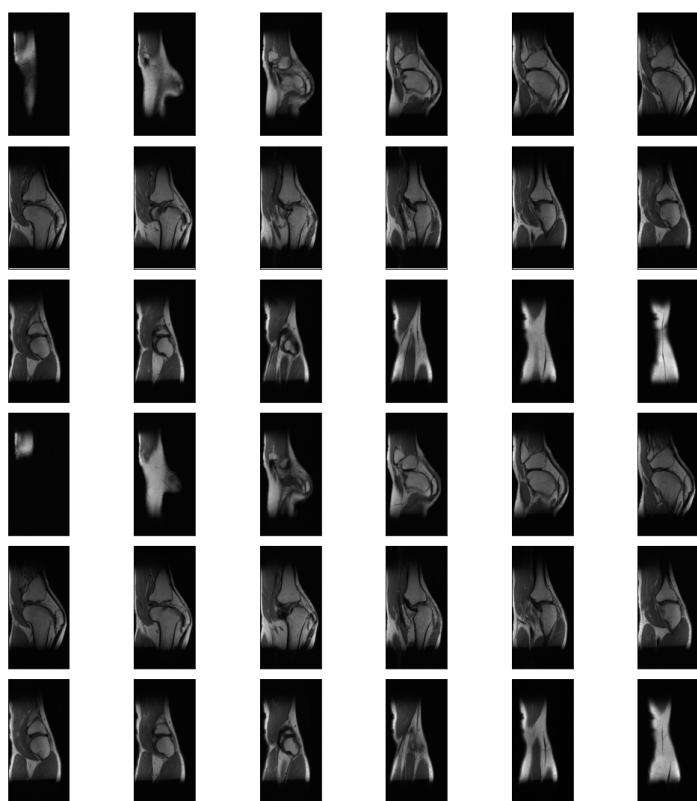
26 # display.clear_output(wait=True)
27 # x = np.arange(100)
28 # y = np.sin(x + np.random.rand())
29 # plt.plot(x, y, '-r')
30 # plt.show()

```

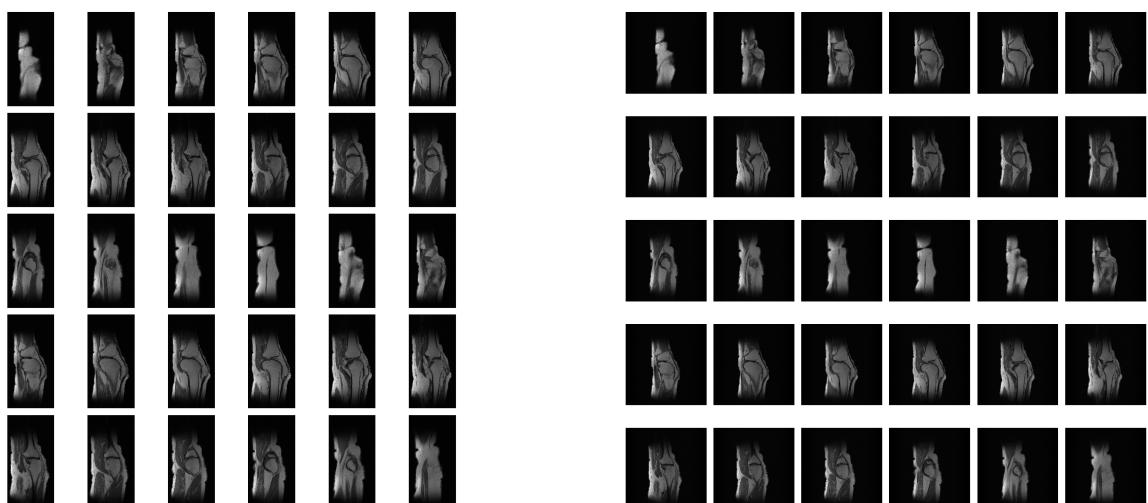
```

1 # Reconstruct images
2 images = np.zeros((nreps, ncontrasts, nslices, eNz, eNy, rNx),
   dtype=np.float32)
3 for rep in range(nreps):
4     for contrast in range(ncontrasts):
5         for slice in range(nslices):
6             # FFT
7             if eNz>1: #3D
8                 im = transform.transform_kspace_to_image(all_data[rep,
   contrast,slice,:,:,:], [1,2,3])
9             else: #2D
10                im = transform.transform_kspace_to_image(all_data[rep,
   contrast,slice,:,:,:], [1,2])
11             # Sum of squares
12             im = np.sqrt(np.sum(np.abs(im) ** 2, 0))
13
14             # Stuff into the output
15             if eNz>1: #3D
16                 images[rep,contrast,slice,:,:,:] = im
17             else: #2D
18                 images[rep,contrast,slice,0,:,:] = im
19             # Show an image
20             show.imshow(np.squeeze(images[0,0,0,:,:,:]))

```



شکل ۲-۲: تصاویر بازسازی شده از داده خام و نمونه برداری شده کامل



(ب) تصاویر بازسازی شده همراه با حذف نمونه
برداری بیش از حد

(آ) تصاویر بازسازی شده همراه با نمونه برداری بیش از
حد

شکل ۳-۳:

بخش ۴

نتایج

بخش ۵

جمع‌بندی

مراجع

- [1] Top ten diagnostic imaging device manufacturers. Available online: <https://www.hospitalmanagement.net/features/featuremedical-imaging-technology-diagnostic-device-manufacturers/>, (30 October 2012).
- [2] Available online: https://en.wikipedia.org/wiki/Magnetic_resonance_imaging, (accessed on 23 May 2021).
- [3] Martin Blaimer, Felix Breuer, Matthias Mueller, Robin M Heidemann, Mark A Griswold, and Peter M Jakob. SMASH, SENSE, PILS, GRAPPA. 15(4):223–236, aug 2004. [doi:10.1097/01.rmr.0000136558.09801.dd](https://doi.org/10.1097/01.rmr.0000136558.09801.dd).
- [4] Brown, A. Mark, Dale, M. Brian, Semelka, and C Richard. *MRI : basic principles and applications*. Wiley-Blackwell, 5 edition, 2015. URL: <http://gen.lib.rus.ec/book/index.php?md5=d76d7c27e312cdba3afe5caf952bb7e>.
- [5] Emmanuel J. Candès and Benjamin Recht. Exact matrix completion via convex optimization. *Found Comput Math*, 9(6):717–772, apr 2009. [doi:10.1007/s10208-009-9045-5](https://doi.org/10.1007/s10208-009-9045-5).
- [6] Anagha Deshmane, Vikas Gulani, Mark A. Griswold, and Nicole Seiberlich. Parallel MR imaging. 36(1):55–72, jun 2012. [doi:10.1002/jmri.23639](https://doi.org/10.1002/jmri.23639).
- [7] Mark A. Griswold, Peter M. Jakob, Robin M. Heidemann, Mathias Nittka, Vladimir Jellus, Jianmin Wang, Berthold Kiefer, and Axel Haase. Generalized autocalibrating partially parallel acquisitions (GRAPPA). *Magnetic Resonance in Medicine*, 47(6):1202–1210, June 2002. [doi:10.1002/mrm.10171](https://doi.org/10.1002/mrm.10171).
- [8] Mark A. Griswold, Peter M. Jakob, Mathias Nittka, James W. Goldfarb, and Axel Haase. Partially parallel imaging with localized sensitivities (PILS). *Magn*

- netic Resonance in Medicine*, 44(4):602–609, 2000. doi:10.1002/1522-2594(200010)44:4<602::aid-mrm14>3.0.co;2-5.
- [9] Justin P. Haldar. Low-rank modeling of local k-space neighborhoods (LORAKS) for constrained MRI. *IEEE Trans. Med. Imaging Transactions on Medical Imaging*, 33(3):668–681, mar 2014. doi:10.1109/tmi.2013.2293974.
- [10] Yoseo Han, Leonard Sunwoo, and Jong Chul Ye. *k*-space deep learning for accelerated MRI. *IEEE Trans. Med. Imaging Transactions on Medical Imaging*, 39(2):377–386, feb 2020. doi:10.1109/tmi.2019.2927101.
- [11] S.S. Hidalgo-Tobon. Theory of gradient coil design methods for magnetic resonance imaging. *Concepts in Magnetic Resonance Part A*, 36A(4):223–242, July 2010. doi:10.1002/cmr.a.20163.
- [12] Joseph P. Hornak. Chapter 4: Nmr spectroscopy. Available online: <https://www.cis.rit.edu/htbooks/mri/chap-4/chap-4.htm#4.1>, (accessed on 22 June 2021).
- [13] Souheil J. Inati, Joseph D. Naegele, Nicholas R. Zwart, Vinai Roopchansingh, Martin J. Lizak, David C. Hansen, Chia-Ying Liu, David Atkinson, Peter Kellman, Sebastian Kozerke, Hui Xue, Adrienne E. Campbell-Washburn, Thomas S. Sørensen, and Michael S. Hansen. ISMRM raw data format: A proposed standard for MRI raw datasets. 77(1):411–421, jan 2016. doi:10.1002/mrm.26089.
- [14] Dr. Iverson. NMR theory web handout. Available online: <http://iverson.cm.utexas.edu/courses/310N/Handouts/NMRhandout.html>, (accessed on 6 June 2021).
- [15] Kyong Hwan Jin, Dongwook Lee, and Jong Chul Ye. A general framework for compressed sensing and parallel MRI using annihilating filter based low-rank hankel matrix. *IEEE Trans. Comput. Imaging Transactions on Computational Imaging*, 2(4):480–495, dec 2016. doi:10.1109/tci.2016.2601296.
- [16] Bernd André Jung and Matthias Weigel. Spin echo magnetic resonance imaging. 37(4):805–817, mar 2013. doi:10.1002/jmri.24068.
- [17] Zongying Lai, Xiaobo Qu, Yunsong Liu, Di Guo, Jing Ye, Zhifang Zhan, and Zhong Chen. Image reconstruction of compressed sensing MRI using graph-

- based redundant wavelet transform. 27:93–104, January 2016. [doi:10.1016/j.media.2015.05.012](https://doi.org/10.1016/j.media.2015.05.012).
- [18] Michael Lustig, David Donoho, and John M. Pauly. Sparse MRI: The application of compressed sensing for rapid MR imaging. *Magn. Reson. Med.*, 58(6):1182–1195, 2007. [doi:10.1002/mrm.21391](https://doi.org/10.1002/mrm.21391).
- [19] Donald W. McRobbie, Elizabeth A. Moore, and Martin J. Graves. Getting in tune: Resonance and relaxation. In *MRI from Picture to Proton*, pages 124–143. Cambridge University Press, April 2017. [doi:10.1017/9781107706958.010](https://doi.org/10.1017/9781107706958.010).
- [20] Donald W. McRobbie, Elizabeth A. Moore, Martin J. Graves, and Martin R. Prince. *MRI from Picture to Proton*. Cambridge University Press, 3 edition, 2017. URL: <http://gen.lib.rus.ec/book/index.php?md5=21afe5cd85038f783f825b10e307a176>, [doi:10.1017/9781107706958](https://doi.org/10.1017/9781107706958).
- [21] Klaas P. Pruessmann, Markus Weiger, Markus B. Scheidegger, and Peter Boesiger. SENSE: Sensitivity encoding for fast MRI. 42(5):952–962, nov 1999. [doi:10.1002/\(sici\)1522-2594\(199911\)42:5<952::aid-mrm16>3.0.co;2-s](https://doi.org/10.1002/(sici)1522-2594(199911)42:5<952::aid-mrm16>3.0.co;2-s).
- [22] Water Science School. The water in you: Water and the human body. Available online: <https://www.usgs.gov/special-topic/water-science-school/science/water-you-water-and-human-body>, (accessed on 8 June 2021).
- [23] Daniel K. Sodickson and Warren J. Manning. Simultaneous acquisition of spatial harmonics (SMASH): Fast imaging with radiofrequency coil arrays. 38(4):591–603, oct 1997. [doi:10.1002/mrm.1910380414](https://doi.org/10.1002/mrm.1910380414).
- [24] Anuroop Sriram, Jure Zbontar, Tullie Murrell, C. Lawrence Zitnick, Aaron Defazio, and Daniel K. Sodickson. Grappanet: Combining parallel imaging with deep learning for multi-coil mri reconstruction, 2020. [arXiv:1910.12325](https://arxiv.org/abs/1910.12325).
- [25] Michael Unser, Pouya D. Tafti, Arash Amini, and Hagai Kirshner. A unified formulation of gaussian versus sparse stochastic processes—part II: Discrete-domain theory. *IEEE Trans. Inform. Theory Transactions on Information Theory*, 60(5):3036–3051, may 2014. [doi:10.1109/tit.2014.2311903](https://doi.org/10.1109/tit.2014.2311903).
- [26] Wikipedia. International Society for Magnetic Resonance in Medicine — Wikipedia, the free encyclopedia. http://en.wikipedia.org/w/index.php?title=International_Society_for_Magnetic_Resonance_in_Medicine&oldid=911111111

- [title=International%20Society%20for%20Magnetic%20Resonance%20in%20Medicine&oldid=1015865324](https://www.semanticscience.org/resource/title=International%20Society%20for%20Magnetic%20Resonance%20in%20Medicine&oldid=1015865324), 2021. [Online; accessed 08-September-2021].
- [27] Jure Zbontar, Florian Knoll, Anuroop Sriram, Tullie Murrell, Zhengnan Huang, Matthew J. Muckley, Aaron Defazio, Ruben Stern, Patricia Johnson, Mary Bruno, Marc Parente, Krzysztof J. Geras, Joe Katsnelson, Hersh Chandarana, Zizhao Zhang, Michal Drozdzał, Adriana Romero, Michael Rabbat, Pascal Vincent, Nafissa Yakubova, James Pinkerton, Duo Wang, Erich Owens, C. Lawrence Zitnick, Michael P. Recht, Daniel K. Sodickson, and Yvonne W. Lui. fastmri: An open dataset and benchmarks for accelerated mri, 2019. [arXiv:1811.08839](https://arxiv.org/abs/1811.08839).
- [28] Yanchun Zhu, Song Gao, Liuquan Cheng, and Shanglian Bao. Review: K-space trajectory development. IEEE, oct 2013. URL: <https://doi.org/10.1109/icmipe.2013.6864568>, doi:10.1109/icmipe.2013.6864568.