模型-评价主题-统计类评价-威尔科克森符号秩检验【gyi】

- 1. 模型名称
- 2. 适用范围
- 3. 形式
- 4. 求解方法
 - 4.2.1 小样本 单一样本的中位数检验
 - 4.2.2 小样本 配对样本的分布
 - 4.2.3 大样本 单一样本的符号秩检验
 - 4.2.4 大样本 配对样本的分布
- 5. 补充资料

模型-评价主题-统计类评价-威尔科克森符号秩检验【gyj】

1. 模型名称

威尔科克森符号秩经检验(Wilcoxon's Sign Rank Test)

2. 适用范围

- 对于一组样本,可以通过威尔科克森符号秩检验判断给定值与样本中位数的大小关系。
- 对于两组已经配对 ¹ 的样本:用威尔科克森符号秩检验**判断样本的分布情况如何,是否服从同一个 分布**。

3. 形式

- 单一样本或配对样本
- 样本大小:
 - \circ 小样本(n < 50): 查阅符号秩检验表
 - \circ 大样本(n > 50): 查阅正态分布表

【注】也有文献采用25作为区分大小样本的临界值,但无论如何,当样本数超过50就可以直接考虑 大样本情况了。

4. 求解方法

4.1 概念

- 单一样本的中位数检验:
 - o 对于一组样本 $X=(x_1,x_2,\cdot)$,如果我们想知道其**中位数是否为某个确定的值** m_0 或者**两者之间的大小关系**,可以采用威尔科克森符号秩检验。
- 配对样本的分布比较检验:
 - \circ 对于两组样本数相同的变量 $X = (x_1, x_2, \cdots), Y = (y_1, y_2, \cdots)$

4.2 步骤

- 4.2.1 小样本 单一样本的中位数检验
 - 提出假设: 设总体的中位数位 Me ,要检验 m_0 与 Me 之间的大小关系。
 - \circ 双尾检验: $egin{cases} H_0: Me = m_0 \ H_1: Me
 eq m_0 \end{cases}$ \circ 左尾检验: $egin{cases} H_0: Me = m_0 \ H_1: Me < m_0 \end{cases}$

。 右尾检验:
$$egin{cases} H_0: Me = m_0 \ H_1: Me > m_0 \end{cases}$$

上面三种假设分别对应了三种大小关系,遇到具体的题目选择合适的假设即可

- 取显著性水平: 一般令 $\alpha=0.05$
- 对样本中元素分配秩: 设 $D_i=x_i-m_0 (i=1,2,\cdots,n)$ 其中n为删除 $D_i=0$ 后的样本数。将 D_i 的绝对值从小到大排序,即从1到n的序号(若有 D_i 相同的其概况,则将对应的秩求和取均值。) 令 T^+ 表示符号为正的 D_i 的秩之和, T^- 表示符号为负的 D_i 的秩之和。
- 计算检验统计量:

$$T = egin{cases} min(T^+, T^-) & ext{双尾检验} \ T^+ & ext{左尾检验} \ T^- & ext{右尾检验} \end{cases}$$

• **确定拒绝域**: 查找<u>WILCOXON符号秩和检验的T临界值表</u>符号秩检验表得到临界值 $T_{\alpha/2,n}$ (双尾检验),或 $T_{\alpha,n}$ (单尾检验)

$$W = egin{cases} \{T|T \leq T_{lpha/2,n}\} & ext{双尾检验} \ \{T|T \leq T_{lpha,n}\} & ext{单尾检验} \end{cases}$$

• 根据求得的拒绝域W决定是否拒绝 H_0

4.2.2 小样本 - 配对样本的分布

• 提出假设: 设总体的中位数位 Me ,要检验 m_0 与 Me 之间的大小关系。

 o
 双尾检验: $\begin{cases} H_0: X$ 总体分布与Y总体分布相同 $H_1: X$ 总体分布与Y总体分布不同

 o
 左尾检验: $\begin{cases} H_0: X$ 总体分布与Y总体分布相同 $H_1: X$ 总体分布图像咋iY总体分布图像的左方

 o
 右尾检验: $\begin{cases} H_0: X$ 总体分布与Y总体分布相同 $H_1: X$ 总体分布图像在Y总体分布图像的右放

- 取显著性水平 α :─般取0.05
- 对样本中元素分配秩: 设 $D_i=x_i-m_0 (i=1,2,\cdots,n)$ 其中n为删除 $D_i=0$ 后的样本数。将 D_i 的绝对值从小到大排序,即从1到n的序号(若有 D_i 相同的其概况,则将对应的秩求和取均值。) 令 T^+ 表示符号为正的 D_i 的秩之和, T^- 表示符号为负的 D_i 的秩之和。
- 计算检验统计量:

$$T = egin{cases} min(T^+, T^-) & ext{双尾检验} \ T^+ & ext{左尾检验} \ T^- & ext{右尾检验} \end{cases}$$

• **确定拒绝域**: 查找符号秩检验表得到临界值 $T_{lpha/2,n}$ (双尾检验),或 $T_{lpha,n}$ (单尾检验)

$$W = egin{cases} \{T|T \leq T_{lpha/2,n}\} & ext{双尾检验} \ \{T|T \leq T_{lpha,n}\} & ext{单尾检验} \end{cases}$$

• 根据求得的拒绝域W决定是否拒绝 H_0

4.2.3 大样本 - 单一样本的符号秩检验

前面的过程都与小样本相同,在计算检验统计量时开始不同。步骤如下

• 计算检验统计量:

$$T = egin{cases} min(T^+, T^-) & ext{双尾检验} \ T^+ & ext{左尾检验} \ T^- & ext{右尾检验} \end{cases}$$

由于样本容量较大,此时的T近似服从正态分布,且有

$$E(T)=rac{n(n+1)}{4}$$

$$D(T)=rac{n(n+1)(2n+1)}{24}$$

构造检验统计量Z, 使得

$$Z = rac{T - E(T)}{\sqrt{D(T)}} \sim N(0,1)$$

• 确定拒绝域: 查标准正态分布的临界值表得到临界值 $Z_{\alpha/2}$ (双尾检验)或 Z_{α} (单尾检验),确定拒绝域W

$$W = egin{cases} \{Z|Z \geq Z_{lpha/2} & ext{或} \quad Z \leq -Z_{lpha/2} \} & ext{双尾检验} \ \{Z|Z \leq -Z_{lpha} \} & ext{右尾检验} \end{cases}$$

• 根据求得的拒绝域W决定是否拒绝 H_0

4.2.4 大样本 - 配对样本的分布

前四步与小样本的配对样本分布相同,后三步与4.2.3的步骤相同。

4.3 例子

题目:某位品检员想知道产品数据的中位数是否与之前记录的82克相同,他随机抽取了生产线上14件产品检验,得到如下数据:83.5,81.3,78.2,82,85.4,88.3,76.2,79.8,83.6,77.3,86.8,80.5,81.1,79.6.试在显著性水平 $\alpha=0.05$ 下用符号检验法进行检验。

• 提出假设:

$$egin{cases} H_0: Me = 82 \ H_1: Me
eq 82 \end{cases}$$

- $\alpha = 0.05$
- 对样本元素分配秩:

产品	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14
质量	83.5	81.3	78.2	82	85.4	88.3	76.2	79.8	83.6	77.3	86.8	80.5	81.1	79.6
D_i	1.5	-0.7	-3.8	0	3.4	6.3	-5.8	-2.2	1.6	-4.7	4.8	-1.5	-0.9	-2.4
$ D_i $	1.5	0.7	3.8	0	3.4	6.3	5.8	2.2	1.6	4.7	4.8	1.5	0.9	2.4
秩	3.5	1	9	-	8	13	12	6	5	10	11	3.5	2	7

$$T^+ = 3.5 + 8 + 13 + 5 + 11 = 40.5$$

$$T^- = 1 + 9 + 12 + 6 + 10 + 3.5 + 2 + 7 = 50.5$$

注意这里的 T^+ 和 T^- 是秩的和相加,不是正数(或负数)本身的大小相加

计算检验统计量:本题考察"产品数据的中位数与之前记录的82克是否相同",故采取双尾检验

$$T = min(T^+, T^-) = 40.5, n = 13$$

• 确定拒绝域:

查表得到
$$T_{\alpha/2,n} = T_{0.025,13} = 17 < T$$

4.4 代码实现

```
% 产品的质量
quality=[83.5, 81.3, 78.2, 82, 85.4, 88.3, 76.2, 79.8, 83.6, 77.3, 86.8, 80.5,
81.1, 79.6];
% 将产品质量、待检验值、显著性水平、检验模式(单尾/双尾)、样本规模输入wilcoxon()函数,得到检
验结果
[ H, n, T, Z, bound, T_p, T_n ] = wilcoxon( quality, 82, 0.05, 'both', 'auto')
% function [ H, n, T, Z, bound, T_p, T_n ] = wilcoxon( X, morY, alpha, tailType,
sizeType )
% Wilcoxon符号秩检验的MATLAB程序代码
% H 表示最终所接受的假设。若为0,表示接受原假设H0:若为1,拒绝原假设H0,接受H1。
% n 样本差值中删除0后剩余的样本数。
% T 检验统计量T。
% Z 检验统计量Z, 小样本检验中返回的Z=T。
% bound 拒绝域的边界值。小样本双尾检验时该值为T_{a/2,n},单尾检验为T_{a,n}。
                大样本双尾检验中该值为Z_{a/2},单尾检验为Z_a。
% T_p,T_n 分别为文档中的T^+,T^-。
% X 第一组样本。
% morY 确定值m0或第二组样本。单一样本中位数检验时为前者,配对样本分布比较检验为后者。
% alpha 显著性水平,默认0.05。
% tailType 验证类型,可取值:
          'both':双尾检验(默认)。
%
         'left': 左尾检验。
         'right': 右尾检验。
%
% sizeType 样本规模类型,可取值:
%
         'auto':自动识别(默认)。
          'small': 小样本检验。
%
         'large': 大样本检验。
%
% 注意事项:
% 1.X应为一维向量, morY应为标量或一维向量, 分别对应单一样本和配对样本两种情况。若为后者, 两者规
模应相同。
% 2.sizeType默认的自动识别以50为界限,即初始样本规模大于50采用'large',否则采用'small'。
function [ H, n, T, Z, bound, T_p, T_n ] = wilcoxon( X, morY, alpha, tailType,
sizeType )
% function [ H, n, T, Z, bound, T_p, T_n ] = wilcoxon( X, morY, alpha, tailType,
sizeType )
% Wilcoxon符号秩检验的MATLAB程序代码
% H 表示最终所接受的假设。若为0,表示接受原假设H0;若为1,拒绝原假设H0,接受H1。
% n 样本差值中删除0后剩余的样本数。
% T 检验统计量T。
% Z 检验统计量Z, 小样本检验中返回的Z=T。
% bound 拒绝域的边界值。小样本双尾检验时该值为T_{a/2,n},单尾检验为T_{a,n}。
                大样本双尾检验中该值为Z_{a/2},单尾检验为Z_a。
% T_p,T_n 分别为文档中的T^+,T^-。
% X 第一组样本。
% morY 确定值m0或第二组样本。单一样本中位数检验时为前者,配对样本分布比较检验为后者。
% alpha 显著性水平,默认0.05。
% tailType 验证类型,可取值:
         'both':双尾检验(默认)。
```

```
% 'left': 左尾检验。
%
         'right': 右尾检验。
% sizeType 样本规模类型,可取值:
%
         'auto':自动识别(默认)。
         'small': 小样本检验。
%
%
          'large': 大样本检验。
% 注意事项:
% 1. X应为一维向量, morY应为标量或一维向量, 分别对应单一样本和配对样本两种情况。若为后者, 两者规
% 2.sizeType默认的自动识别以50为界限,即初始样本规模大于50采用'large',否则采用'small'。
%% 以下为一般过程
%% 参数初始化。
if nargin<3
   alpha = 0.05; %默认显著性水平。
end
if nargin<4
   tailType = 'both'; %默认验证类型。
end
if nargin<5
   sizeType = 'auto'; %默认样本规模类型。
if ~isscalar(mory) && numel(X)~=numel(mory) %检验mory合法性。
   error('Bad parameters!');
end
if strcmpi(sizeType, 'auto') %自动识别样本规模类型。
   if numel(X)<=50
      sizeType = 'small';
   else
       sizeType = 'large';
   end
end
%% 计算样本差值并进行秩的分配。
diffxy = X(:)-morY(:); %样本差值。
epsdiff = eps(X(:))+eps(morY(:)); %epsilon, 用于判断O值。
% 删除0值。
zeromask = abs(diffxy) <= epsdiff;</pre>
diffxy(zeromask) = [];
n=length(diffxy); %删除0后剩余的样本数。
posMask = diffxy>0; %记录差值为正的样本下标。
tieRank = tiedrank(abs(diffxy)); %进行秩的分配,相同则分配均值。
%% 计算检验统计量T以及对概率进行转换。
T_p = sum(tieRank(posMask)); %计算T^+。
T_n = sum(tieRank(~posMask)); %计算T^-。
switch lower(tailType)
   case 'both' %双尾检验。
       T = min(T_p, T_n); %计算统计量T。
       P = 1-alpha/2; %用于后续调用的概率。
   case {'left','right'}
       if lower(tailType(1))=='l' %左尾检验。
          T = T_p;
```

```
else %右尾检验。
          T = T_n;
       P = 1-alpha;
   otherwise
       error('Unknown tail type!');
end
%% 计算统计量Z, 拒绝域边界bound以及给出决定H。
switch lower(sizeType)
   case 'small' %小样本。
       Z = T;
       bound = wilTable(n, 1-P); %拒绝域边界,调用函数wilTable。
       H = T<=bound; %最终决定H。
   case 'large' %大样本。
       ET = n*(n+1)/4; %计算E(T)。
       DT = n*(n+1)*(2*n+1)/24; %\(\text{\psi}D(T)\).
       Z = (T-ET)/sqrt(DT); %计算统计量Z。
       bound = norminv(P); %拒绝域边界,由正态分布的CDF反函数求出。
       switch lower(tailType) %最终决定H, 三种情况。
           case 'both'
              H = Z >= bound \mid \mid Z <= -bound;
           case 'left'
             H = Z \le -bound;
           case 'right'
              H = Z >= bound;
       end
   otherwise
       error('Unknown size type!');
end
%% 调用方式
% quality=[83.5, 81.3, 78.2, 82, 85.4, 88.3, 76.2, 79.8, 83.6, 77.3, 86.8, 80.5,
81.1, 79.6];
% [ H, n, T, Z, bound, T_p, T_n ] = wilcoxon( quality, 82, 0.05, 'both', 'auto'
)
end
function pbound = wilTable(n, P)
% function pbound = wilTable(n, P)
% 用于计算wilcoxon符号秩检验表,并查出相应值。
maxw = n*(n+1)/2; %秩和的最大可能值。
%% 由动态规划求出各个秩和出现的概率。
C = zeros(maxw+1,1); %动态规划数组,储存当前状态下各个秩和组合的数目。
C(1) = 1; %为0的秩和只有当所有秩均不参与求和一种组合(即样本差值为负值)。
for k = 1:n %动态规划过程,每个循环内C(J)代表考虑1-k的秩所能组合出秩和J-1的种类数。
   updateMask = (k:maxw)+1;
   C(updateMask) = C(updateMask)+C(updateMask-k);
end
C = C/(2^n);
             %将组合数转换为概率。
%% 计算累积概率,同时搜索与目标概率最相近的值。
if C(1)>P
   pbound = 0;
```

5. 补充资料

- 1. 数模官网 威尔科克森符号秩检验
- 2. WILCOXON符号秩和检验的T临界值表
- 3. 标准正态分布的临界值表
- 4. 上文中用到的其他知识点:

•

1. 已配对样本:两组变量的样本数要相同,样本间的元素也要两两配对。例,两个评分员对同一个产品的打分就可以配对等。 🖸