# Capítulo 1

# Modelos Compartimentales

Los modelos compartimentales suelen ser modelos determinísticos, esto nos indica que las mismas entradas producirán las mismas salidas por lo que no se contempla el azar. Este tipo de modelos nos perminiten segmentar a la población en conjuntos específicos durante el desarrollo de la epidemia.

Su principal objetivo es describir y modelar cada uno de los estados por los que pasara la población al contraer la infección. Los compartimentos reciben su nombre del flujo que existe entre los diferentes conjuntos en los que se clasifica a la población y suelen ser expresados matematicamente por ecuaciones diferenciales (EDO).

Se pueden establecer principalmente tres compartimientos básicos que son los siguientes:

- Suceptible: Representa el número de personas suceptibles, personas sanas que al entrar en contacto con la enfermedad pueden contraer la infección.
- Infectado: Representa el número de personas infectadas, personas que adquirieron la enfermedad y puden transmitir la infección.
- Recuperado: Representa el número de personas recuperadas, personas que se han recuperado en su totalidad de la infección y puden o no generar inmunidad.

Para poder establecer un modelo compartimental, son necesarios dos parametros que estaran relacionados con los compartimentos básicos, que son:

- $\beta$ : Corresponde a la tasa de transmisión, la probabilidad de que una persona se infecte al tener contacto con una persona infectada.
- $\gamma$ : Corresponde a la tasa de recuperación, Son los días en las personas infectadas tardaran en recuperarse.

A partir de estos tres compartimientos junto con los dos parametros se pueden establecer los siguientes modelos compartimentales [1]

#### 1.1. Modelo SI

El modelo epidemiologico SI considera a los indiviuos de la población en un estado suceptible, una vez que que el individuo contrae la infección este permanecera infectado por lo que no se considera recuperación alguna. Así el modelo SI solo considera dos compartimentos suceptible e infectados.

Algunos ejemplos de enfermedades en el que podemos usar este modelo compartimental es el Herpes, Sida.

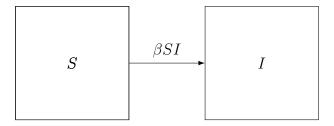


Figura 1.1: Modelo Compartimental SI

Las respectivas ecuaciones diferenciales que modelan este compartimiento son:

$$S' = -\beta S(t) I(t) \tag{1.1}$$

$$I' = \beta S(t) I(t) \tag{1.2}$$

Algunas enfermedades que pueden implementar este modelo es el VIH [3].

### 1.2. Modelo SIS

En este modelo epidemiológico solo hay dos compartimientos, suceptible e infectado, por lo que este modelo plantea que la población puede pasar de un estado suceptible a infectado pero no puede adquirir una inmunidad por lo que paso nuevamente a suceptible , el modelo compartimental se plantea de la siguiente manera:

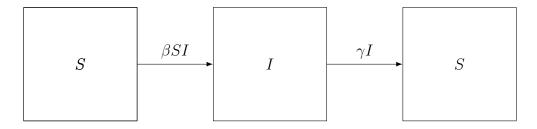


Figura 1.2: Modelo Compartimental SIS

y sus respectivas ecuaciones diferenciales que modelan este compartimiento son:

$$S' = -\beta S(t) I(t) + \gamma I \tag{1.3}$$

$$I' = \gamma I(t) - \gamma I \tag{1.4}$$

Algunas de las enfermedades que podrían implementar este modelo son con las gripes comunes, gastritis, infeciones estomacales, por mencionar algunas.

1.3. MODELO SIR 3

#### 1.3. Modelo SIR

El modelo epidemiológico SIR esta constituido por tres compartimientos, suceptible, infectado y recuperado, por lo que considera que toda la población comienza en un estado suceptible, luego de infectarse pasara al compartimiento de los infectados y la diferencia con el modelo SIS es que en esta ocación la persona si puede generar una inmunidad a la enfermedad por lo que pasa al compartimiento de los recuperados, por lo que su modelo compartimental es de la siguiente manera.

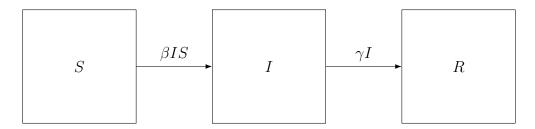


Figura 1.3: Modelo Compartimental SIR

y las ecuaciones diferenciales que corresponden a cada compartimiento son las siguiente:

$$S' = -\beta S(t) I(t) \tag{1.5}$$

$$I' = \beta S(t) I(t) - \gamma I(t)$$
(1.6)

$$R' = \gamma I(t) \tag{1.7}$$

Este modelo se ha usado con mayor frecuencía para conocer el comportamiento de las epidemias, un ejemplo reciente fué la pandemia provocada por el SARS-COV2 [2].

Una parte fundamental de los modelos compartimentales son sus parametros en este caso  $\beta$  (tasa de contagio) y  $\gamma$ (tasa de recuperación), ya que estos parametros son los que nos proporcionaran la información sobre el comportamiento de la enfermedad que buscamos modelar.

## 1.4. Tasa de recuperación $\gamma$

Para poder encontrar un valor aproximado al parametro  $\gamma$ , asumiremos que no se estan generando nuevas personas infectadas, por lo que el flujo de personas que entra a este compartimento ha parado obteniendo la siguiente ecuación.

$$I' = -\beta I, \qquad I(0) = I_0$$
 (1.8)

Al resolver la ecuación 1.8 por variables separables, se puede deducir la cantidad de personas que aún se encuentra en el compartimento de los infectados durante el tiempo t, lo cual esta dado por:

$$I(t) = I_0 e^{-\beta t} \tag{1.9}$$

y por consecuencia podemos deducir.

$$\frac{I(t)}{I_0} = e^{-\beta t} (1.10)$$

Con estas ecuaciones previamente obtenidas podemos calcular de forma probabilistica la cantidad de personas que han abandonado el compartimento de los infectados.

$$F(t) = 1 - e^{-\beta t} \qquad t \ge 0 \tag{1.11}$$

definiendo la función de desidad en el intervalo [0,t) de la siguiente forma.

$$F(t) = \begin{cases} f(t) = \beta e^{-\beta t} & t \ge 0\\ f(t) = 0 & t < 0 \end{cases}$$

y dado que el tiempo promedio pasado en el compartimento de los infectados está dado por valor esperado obtenemos que el parametro  $\gamma$  se encuentra definido por lo siguiente:

$$E[X] = \int_{0}^{\infty} tf(t)dt = \int_{0}^{\infty} t\beta e^{-\beta t}dt = \frac{1}{\gamma}$$
(1.12)

# Bibliografía

- [1] Brauer, F., Castillo-Chavez, C., Feng, Z. (2019). Mathematical Models in Epidemiology. Alemania: Springer New York.
- [2] Martcheva, M. (2015). An Introduction to Mathematical Epidemiology. Alemania: Springer US.
- [3] Montesinos-López, Osval Antonio, & Hernández-Suárez, Carlos Moisés. (2007). Modelos matemáticos para enfermedades infecciosas. Salud Pública de México, 49(3), 218-226.