

**UNIVERSIDADE FEDERAL DO RIO GRANDE DO NORTE**  
**IDCA3703 - PROGRAMAÇÃO PARALELA**

**TAREFA 16 - COMUNICAÇÃO COLETIVA COM MPI**  
**RELATÓRIO DE EXECUÇÃO**

ERNANE FERREIRA ROCHA JUNIOR

NATAL/RN, 15 DE MAIO DE 2025

## SUMÁRIO

1. INTRODUÇÃO .....	3
2. METODOLOGIA .....	4
3. RESULTADOS .....	6
Figure 1: Tempo de execução vs. Tamanho da matriz .....	6
Figure 2: Tempo de Execução vs. Número de Processos .....	7
Figure 3: Speedup vs. Número de processos .....	8
4. CONCLUSÃO .....	9
5. ANEXOS .....	10

## 1. INTRODUÇÃO

O aumento da demanda computacional em aplicações científicas e de engenharia tem impulsionado o uso de processamento paralelo como solução para problemas de grande escala. Entre os diversos paradigmas de paralelismo, o modelo baseado em troca de mensagens, como o MPI (*Message Passing Interface*), é amplamente utilizado em ambientes de computação de alto desempenho (*HPC*), permitindo a distribuição eficiente de tarefas entre múltiplos processos.

Neste contexto, o presente trabalho tem como objetivo implementar e avaliar o desempenho de um programa paralelo em MPI para o cálculo do produto de uma matriz por um vetor, definido como  $y = A \cdot x$ , onde  $A$  é uma matriz de dimensão  $M \times N$  e  $x$  é um vetor de tamanho  $N$ . O problema foi resolvido distribuindo-se as linhas da matriz  $A$  entre os processos utilizando *MPI\_Scatterv*, enquanto o vetor  $x$  é transmitido integralmente a todos os processos com *MPI\_Bcast*. Após o cálculo local de cada processo, os resultados parciais são reunidos no processo mestre utilizando *MPI\_Gatherv*.

Para avaliar o desempenho do algoritmo, foram realizados experimentos variando o número de processos MPI e o tamanho da matriz, com medições precisas de tempo de execução. A análise baseia-se em métricas como o tempo médio de execução e o *speedup* obtido com o aumento do paralelismo, permitindo observar a escalabilidade do algoritmo implementado em diferentes configurações computacionais. Os experimentos foram conduzidos no ambiente do NPAD/UFRN (Núcleo de Processamento de Alto Desempenho da Universidade Federal do Rio Grande do Norte), explorando de forma prática o potencial do paralelismo distribuído para operações matriciais.

## 2. METODOLOGIA

A metodologia adotada neste trabalho compreende três etapas principais: a implementação do algoritmo paralelo utilizando *MPI*, a configuração dos testes no ambiente *HPC* do *NPAD/UFRN* e a análise dos dados obtidos por meio de medições de desempenho. O que queremos fazer exatamente é:

$$y = A \cdot x$$

Onde:

- $A \in \mathfrak{R}^{M \times N}$
- $x \in \mathfrak{R}^N$
- $y \in \mathfrak{R}^M$

Cada elemento de  $y$  é dado por:

$$y_i = \sum_{j=1}^N A_{ij} \cdot x_j, \text{ para } i = 1, 2, \dots, M$$

Como temos  $P$  processos *MPI*, e queremos dividir as  $M$  linhas da matriz  $A$  entre eles. Então:

- Cada processo  $p \in \{0, 1, \dots, P-1\}$  recebe um subconjunto de linhas da matriz:

$$A^{(p)} \in \mathfrak{R}^{M_p \times N}$$

com  $\sum_{p=0}^{P-1} M_p = M$ .

- Com o vetor  $x \in \mathfrak{R}^N$  realizamos o *broadcast* para todos os processos:

$$\forall p, x^{(p)} = x$$

- Cada processo calcula seu bloco local de  $y$ , denotado por:

$$y^{(p)} = A^{(p)} \cdot x$$

Dessa forma, depois que todos os processos calcularam seus  $y^{(p)}$ , o processo mestre realiza o *gather* (reunião em  $y$ )

$$y = \begin{bmatrix} y^{(0)} \\ y^{(1)} \\ \vdots \\ y^{(P-1)} \end{bmatrix}$$

Ou seja,

$$y = \bigcup_{p=0}^{P-1} (A^{(p)} \cdot x) \text{ onde } A^{(p)} \in \mathfrak{R}^{M_p \times N}, \sum_p M_p = M$$

Temos uma distribuição das partes de  $A$ , realização de *broadcast* do valor presente em  $x$ , a realização

do cálculo das partes individuais em  $y$  (locais) e uma reunião desses valores obtidos no  $y$  da master em suas respectivas localidades.

A implementação desse algoritmo foi realizada em linguagem *C*, utilizando a biblioteca *MPI* para a comunicação entre processos. O problema central consiste no cálculo do produto vetor-matriz  $y = A \cdot x$ , onde  $A$  é uma matriz  $M \times N$  e  $x$  um vetor de tamanho  $N$ . A matriz foi dividida entre os processos *MPI* por linhas, utilizando a função *MPI\_Scatterv* para distribuir de forma balanceada (mesmo em casos em que  $M$  não é divisível por  $P$ , número de processos). O vetor  $x$ , comum a todos os processos, foi distribuído com *MPI\_Bcast*, garantindo que todos os processos possuísem os dados necessários para realizar o cálculo local do produto escalar. Após os cálculos locais, os vetores parciais resultantes foram reunidos no processo mestre por meio da função *MPI\_Gatherv*.

Os elementos da matriz  $A$  e do vetor  $x$  foram preenchidos com valores aleatórios uniformes entre 0 e 1, utilizando a função *rand\_r* para garantir independência e reprodutibilidade entre os processos. A medição do tempo de execução foi realizada com *MPI\_Wtime*, com início após a distribuição dos dados e término após o recolhimento dos resultados no processo mestre. O resultado do vetor  $y$  não foi impresso para evitar impacto na performance e no tamanho dos logs.

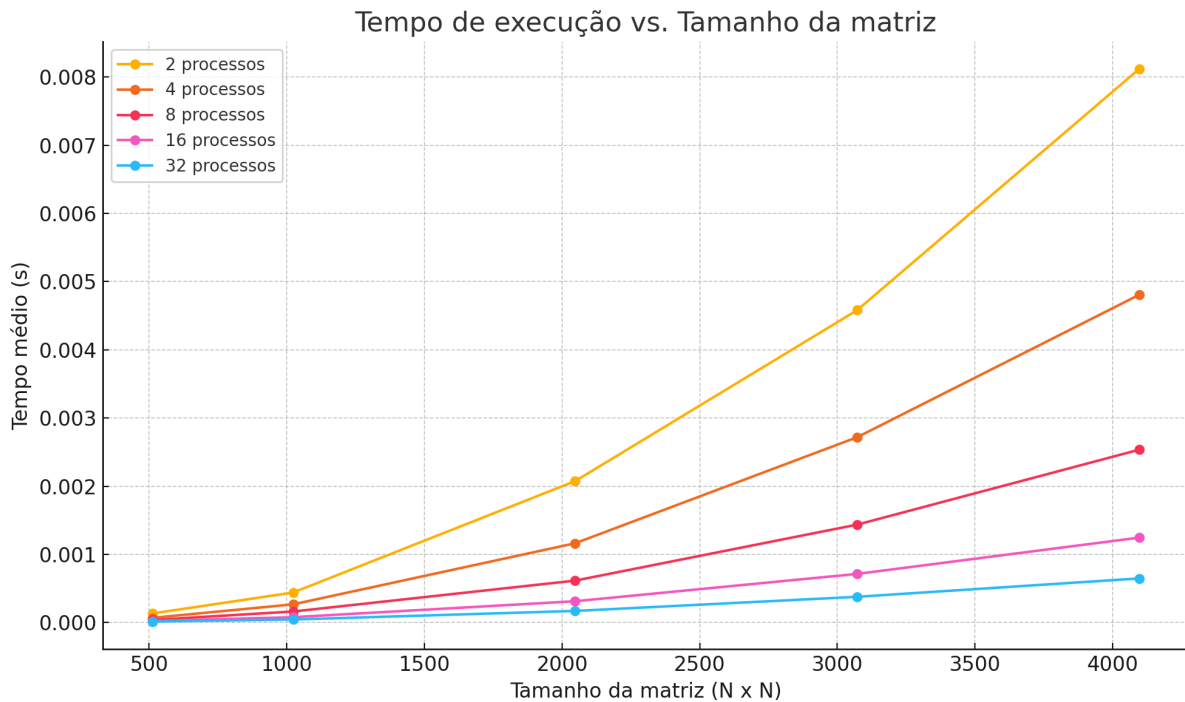
Os testes foram executados no ambiente de computação de alto desempenho do *NPAD/UFRN*, utilizando um *script SLURM* para submissão de *jobs*. Foram utilizados até 32 processos *MPI*, e testados tamanhos de matrizes quadradas de  $512 \times 512$  até  $4096 \times 4096$ . Para cada combinação de número de processos e tamanho de matriz, o experimento foi repetido três vezes, permitindo o cálculo de tempo médio de execução e desvio padrão. Os resultados foram registrados automaticamente no *log* de saída, posteriormente extraídos e organizados em uma planilha no formato *CSV* para análise estatística.

Por fim, as métricas de desempenho foram visualizadas por meio de gráficos gerados com *Python* (bibliotecas *pandas* e *matplotlib*). Foram construídos gráficos de tempo de execução em função do número de processos e do tamanho da matriz, bem como gráficos de *speedup*, permitindo avaliar a escalabilidade do algoritmo.

### 3. RESULTADOS

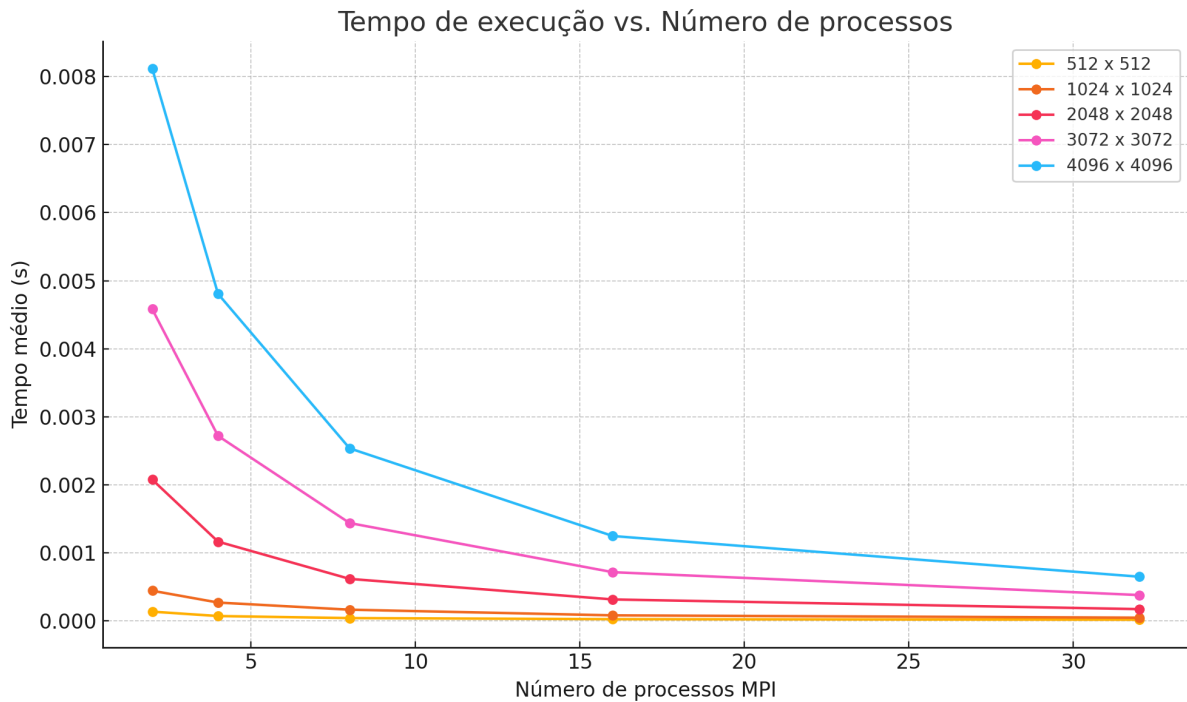
A avaliação do desempenho da implementação *MPI* para o produto  $y = A \cdot x$  foi conduzida por meio de uma série de experimentos variando o número de processos (2, 4, 8, 16 e 32) e o tamanho da matriz quadrada ( $512 \times 512$  até  $4096 \times 4096$ ). Cada configuração foi executada três vezes consecutivas, e o tempo de execução foi medido utilizando *MPI\_Wtime*. A média dos tempos foi utilizada como referência para análise.

Os resultados obtidos mostraram que, como esperado, o tempo de execução tende a aumentar proporcionalmente ao tamanho da matriz, e a diminuir com o aumento do número de processos. Esse comportamento é ilustrado no gráfico abaixo, que mostra uma tendência de crescimento quase linear para cada número fixo de processos. Esse crescimento é mais acentuado para configurações com menor grau de paralelismo, o que evidencia a limitação do processamento sequencial ou parcialmente paralelo quando lidando com grandes volumes de dados.



**Figure 1:** Tempo de execução vs. Tamanho da matriz

No gráfico abaixo, observa-se uma queda significativa no tempo de execução à medida que mais processos são utilizados, especialmente nas matrizes maiores. Esse resultado reforça a eficácia da distribuição das linhas da matriz entre os processos *MPI*. Contudo, nas matrizes menores, como  $512 \times 512$  e  $1024 \times 1024$ , o ganho com o aumento de processos se torna marginal ou até negligenciável a partir de certo ponto, devido ao custo de comunicação entre processos superar o ganho computacional — um comportamento típico em aplicações com baixa carga de trabalho por processo.



**Figure 2:** Tempo de Execução vs. Número de Processos

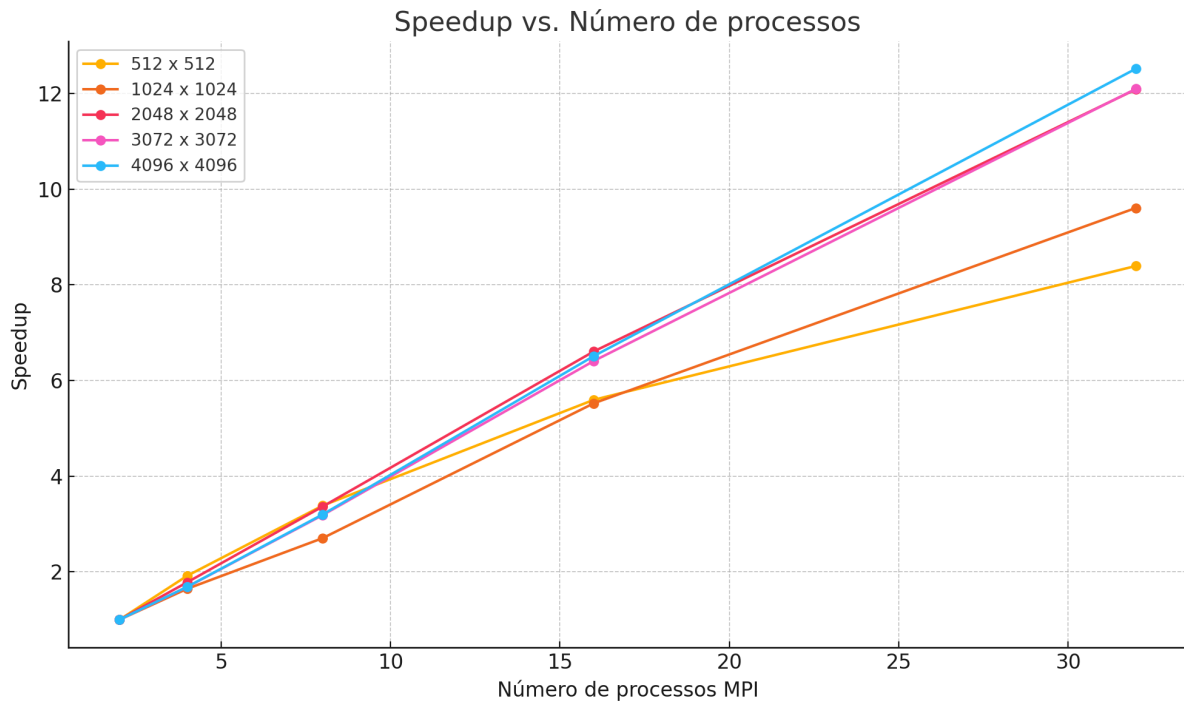
O gráfico mais revelador, ilustrado abaixo, apresenta uma visão clara da escalabilidade da aplicação. O *speedup* é definido como a razão entre o tempo de execução com 2 processos e o tempo com  $P$  processos, e representa o ganho de desempenho relativo ao aumento do paralelismo. Ou seja:

$$Speedup(p) = \frac{T_{base}}{T(p)}$$

Onde,

- $T_{base}$ : tempo de referência (nesse caso, 2 processos);
- $T(p)$ : tempo com  $p$  processos.

Em configurações com matrizes maiores, como  $3072 \times 3072$  e  $4096 \times 4096$ , o *speedup* se aproxima de uma curva quase linear, atingindo valores acima de 12 quando se utilizam 32 processos — o que evidencia excelente escalabilidade para esses casos. Já para matrizes menores, o *speedup* cresce mais lentamente, revelando que o uso intensivo de paralelismo só é vantajoso quando há carga computacional suficiente para justificar a sobrecarga da comunicação *MPI*.



**Figure 3:** Speedup vs. Número de processos

Com base nos dados empíricos, pode-se afirmar que a implementação atinge seu melhor desempenho com o uso de 32 processos e matrizes de tamanho acima de  $2048 \times 2048$ . Nessas configurações, o tempo de execução é reduzido drasticamente em relação à configuração com apenas 2 processos, validando a eficiência da divisão de carga via *MPI\_Scatterv*, a difusão do vetor  $x$  com *MPI\_Bcast* e a coleta dos resultados com *MPI\_Gatherv*.



## 4. CONCLUSÃO

O experimento realizado demonstrou com clareza a efetividade do paralelismo via *MPI* para o cálculo do produto matriz-vetor  $y = A \cdot x$  em ambientes de computação de alto desempenho. A implementação aproveitou adequadamente os recursos do modelo de troca de mensagens, utilizando *MPI\_Scatterv* para distribuir as linhas da matriz *A*, *MPI\_Bcast* para replicar o vetor *x* entre os processos e *MPI\_Gatherv* para reunir os resultados no processo mestre.

A análise dos tempos de execução evidenciou que o desempenho do programa melhora substancialmente com o aumento do número de processos, sobretudo para matrizes de grande porte. Os gráficos mostraram que, em cenários com matrizes maiores, a escalabilidade se aproxima do ideal, com *speedup* quase linear. Por outro lado, para matrizes pequenas, os ganhos de desempenho são limitados devido à sobrecarga de comunicação, revelando o ponto em que o custo do paralelismo supera os seus benefícios.

Os resultados indicam que o modelo proposto é eficaz e adequado para aplicações que envolvem grandes volumes de dados e que se beneficiam da divisão de tarefas entre múltiplos processos. Além disso, o uso do ambiente de *HPC* do *NPAD/UFRN* permitiu explorar o comportamento do código em um cenário real de computação paralela, contribuindo para uma análise mais robusta e prática. Este experimento reforça a importância do paralelismo no contexto de aplicações científicas e a utilidade do *MPI* como ferramenta essencial para o desenvolvimento de soluções escaláveis.

## 5. ANEXOS

- Repositório no Github com o programa desenvolvido: <https://github.com/ErnaneJ/parallel-programming-dca3703>

