

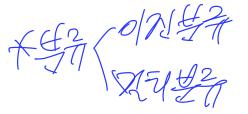
## **Aichemist Session**

CHAP 03 평가

### **CONTENTS**

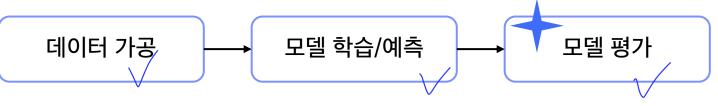
- 01. 정확도
- 02. 오차 행렬
- 03. 정밀도와 재현율
- 04. F1 스코어
- 05. ROC 곡선과 AUC

个的对于他们的 第121年生 AGG 17 RE



### 평가

: 머신러닝 과정 중, 머신러닝 모델의 ( 조네는 생들 )을 평가하는 단계



→ 평가 방법? ( )

- 정확도(Accuracy) - F1 스코어 - 오차행렬(Confusion Matrix) - ROC AUC - 정밀도(Precision) - 재현율(Recall) → 이번 챕터는 `( 이 성) 의 성능 평가 지표` 중심	분류	회귀	
	- 오차행렬(Confusion Matrix) - ROC AUC - 정밀도(Precision) - 재현율(Recall)		

VS

이진 분류 0,1,2개의 결정 클래스 값 멀티(다중) 분류 3개 이상의 결정 클래스 값

01. 정확도

### 정확도

: 실제 데이터에서 예측 데이터가 얼마나 ( 🎾 ) 지 판단하는 지표

구현 함수: accuracy\_score( 실제값, 예측값 )

직관적.

그러나, ( ) 레이블 데이터 세트 가진 이진 분류 모델의 성능 왜곡 가능성 존재 ex) 교재 예제: 무조건 특정 값으로 예측해도 높은 정확도 나타날 수 있음

→ 다른 성능 평가 지표들도 같이 봐야 한다!

다음 교재 예제를 통해 맹점을 살펴보자.

### 정확도 실습1 - 타이타닉 생존자

- (1) MyDummyClassifier 생성
- (2) 데이터 전처리 함수 정의
- (3) 학습/예측/평가

매우 단순한 분류 모델이어도 정확도가 높을 수 있다!

### 정확도 실습1 - 타이타닉 생존자

#### (1) MyDummyClassifier 생성

```
import numpy as np
from sklearn.base import BaseEstimator

class MyDummyClassifier(BaseEstimator):
    # fit( ) 메소드는 아무것도 학습하지 않음.
    def fit(self, X , y=None):
        pass

# predict( ) 메소드는 단순히 Sex feature가 1 이면 0 , 그렇지 않으면 1 로 예측함

def predict(self, X):
    pred = np.zeros( ( X.shape[0], 1 ))
    for i in range (X.shape[0]):
        if X['Sex'].iloc[i] == 1:
            pred[i] = 0
        else:
            pred[i] = 1

    return pred
```

Sex = 1 ⇒ 0 Sex = 0 ⇒ 1 매우 단순한 분류 모델

#### (2) 데이터 전처리 함수 정의

```
# 데이터 전처리 함수 정의
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
# Null 처리 함수
def fillna(df):
   df['Age'].fillna(df['Age'].mean(), inplace=True)
   df['Cabin'].fillna('N', inplace=True)
   df['Embarked'].fillna('N', inplace=True)
   df['Fare'].fillna(0. inplace=True)
   return df
# 머신러닝 알고리즘에 불필요한 피처 제거
def drop features(df):
   df.drop(['Passengerld', 'Name', 'Ticket'], axis=1, inplace=True)
   return df
# 레이블 인코딩 수행.
def format_features(df):
   df['Cabin'] = df['Cabin'].str[:1]
   features = ['Cabin', 'Sex', 'Embarked']
   for feature in features:
       le = LabelEncoder()
       le = le.fit(df[feature])
       df[feature] = le.transform(df[feature])
   return df
# 앞에서 설정한 데이터 전처리 함수 호출
def transform features(df):
   df = fillna(df)
   df = drop features(df)
   df = format features(df)
   return df
```

### 정확도 실습1 - 타이타닉 생존자

#### (3) 학습/예측/평가

```
# 학습/예측/평가
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import
from sklearn.metrics import accuracy_score
# 원본 데이터를 재로딩, 데이터 가공, 학습 데이터/테스트 데이터 분할.
titanic_df = pd.read_csv('./titanic_train.csv')
y titanic df = titanic df['Survived']
X titanic df= titanic df.drop('Survived', axis=1)
X_titanic_df = transform_features(X_titanic_df)
X_train, X_test, y_train, y_test=train_test_split(X_titanic_df, y_titanic_df,
                                              test_size=0.2, random_state=0)
# 위에서 생성한 Dummy Classifier를 이용해 학습/예측/평가 수행.
myclf = Mu Dymmy classiff
myclf.fit(X train, v train)
mypredictions = myclf.predict(X_test)
print('Dummy Classifier의 정확도는: {0:.4f}'.format(accuracy_score(
Dummy Classifier의 정확도는: 0.7877
```

→ 매우 단순한 분류 모델임에도 정확도가 꽤 높음 정확도를 평가 지표로 사용할 때는 신중해야.

### 정확도 실습2 - MNIST

- (1) MyFakeClassifier 정의, 데이터 준비
- (2) 데이터 분포도 확인
- (3) 학습/예측/평가

불균형한 레이블 데이터 세트에서 정확도의 맹점

### 정확도 실습2 - MNIST

digits.target == 7

array([False, False, False, ..., False, False, False])

#### (1) MyFakeClassifier 정의, 데이터 준비

```
from sklearn.datasets import load_digits
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.base import BaseEstimator
from sklearn.metrics import accuracy score
import numpy as np
import pandas as pd
# 다 0으로 예측하는 Classifier
class MvFakeClassifier(BaseEstimator):
   def fit(self,X,y):
       pass
   # 입력값으로 들어오는 X 데이터 셋의 크기만큼 모두 O값으로 만들어서 반환
   def predict(self.X):
       return np.zeros( (len(X), 1) , dtype=bool)
# 사이킷런의 내장 데이터 셋인 load_digits( )를 이용하여 MNIST 데이터 로딩
digits = load_digits()
# digits번호가 7번이면 True이고 이를 astype(int)로 1로 변환, 7번이 아니면 False이고 0으로 변환
y = (digits.target == 7).astype(int)
X train, X test, y train, y test = train test split( digits.data, y, random state=11)
```

- astype(): Numpy 라이브러리에서 배열의 데이터 타입 변경할 때 사용
- digits.target == 7: digits.target 배열에서 숫자 7이면 True, 아니면 False
- astype(int): True를 1로, False를 0으로 변환
- y: 7이면 타겟 레이블이 1인 이진 분류 레이블 배열

#### (2) 데이터 분포도 확인

```
# 불균형한 레이블 데이터 분포도 확인
print('레이블 테스트 세트 크기:', y_test.shape)
print('테스트 세트 레이블 0 과 1의 분포도')
print(pd.Series(y_test). 세분 전에())
레이블 테스트 세트 크기: (450,)
테스트 세트 레이블 0 과 1의 분포도
0 405
1 45
dtype: int64
```

불균형한 데이터 세트 생성 완료

### 정확도 실습2 - MNIST

#### (3) 학습/예측/평가

```
# Dummy Classifier로 학습/예측/정확도 평가 fakecIf = MyFakeClassifier() fakecIf.fit(X_train , y_train) fakepred = fakecIf.predict(X_test) print('모든 예측을 0으로 하여도 정확도는:{:.3f}'.format(ਕਾਰਾ (y_sour) (y_test , fakepred))) 모든 예측을 0으로 하여도 정확도는:0.900
```

단순한 예측에도 매우 높은 정확도 보임

불균형한 레이블 데이터 세트에서 정확도를 성능 평가 수치로 사용하면 안된다.

02.오차행렬

### 오차행렬

: 학습된 분류 모델의 예측 오류가 어떤 유형으로, 얼마나 발생하는지 함께 나타내는 지표

예	측	こし	ŀ

		Negative(0)	Positive(1)
실제값	Negative(0)	(True Negative)	(False Positive)
	Positive(1)	(False Negative)	(True Positive)

구현 함수: confusion\_matrix( 실제값, 예측값)

TN : Negative 로 예측, 예측이 맞음

FN: Negative 로 예측, 예측이 틀림

TP: Positive 로 예측, 예측이 맞음

FP: Positive 로 예측, 예측이 틀림

N/P T/F

(예측값) (예측이 맞음/틀림)

### 오차행렬 실습

### # *오차행렬*

from sklearn.metrics import (MAN) MONTH

# 정확도 실습2의 예측 결과인 fakepred와 실제 결과인 y\_test의 Confusion Matrix출력 confusion\_matrix(y\_test , fakepred)

array([[405, 0],

[ 45, 0]], dtype=int64)

#### 예측값

		Negative(0)	Positive(1)
실제값	Negative(0)	TN (405)	FP (0)
	Positive(1)	<b>FN</b> (45)	TP (0)

다 0으로 예측하여 FP, TP 값이 0임

### 오차행렬을 이용한 정확도(Accuracy) 재정의

		예측값	
		Negative	Positive
실제값	Negative	<b>TN</b> (True Negative)	<b>FP</b> (False Positive)
	Positive	<b>FN</b> (False Negative)	<b>TP</b> (True Positive)

### 정확도의 맹점

( (생생생 ) 레이블 데이터 세트 가진 이진 분류 모델의 성능 왜곡 가능성

보통, 중점적으로 찾아야 하는 매우 적은 수의 결괏값에 Positive(1) 설정

- → 반대로, Negative가 많아짐.

  Negative(0) 로 예측 정확도가 높아지는 경향 발생
- → Positive에 대한 예측 정확도 판단하지 못한 채 Negative에 대한 예측 정확도만으로도 분류의 정확도가 ( ) 나타날 수 있다.

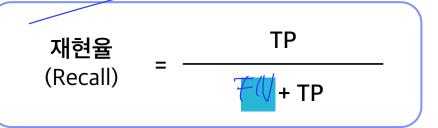
03.

정밀도와 재현율

### 정밀도와 재현율

: ( ) 클래스의 예측 성능에 더 초점을 맞춘 평가 지표, 불균형 데이터 세트에서 선호됨

- (內國人)이 Positive인 대상 중 예측과 실제값이 Positive로 일치한 데이터 비율
- TP↑, FP↓에 초점
- 실제 Negative 인 데이터 예측을 Positive로 잘못 판단 시 큰 영향 발생하는 경우 사용
- precision\_score(실제값, 예측값)



- ( ১০০০ )이 Positive인 대상 중 예측과 실제값이 Positive로 일치한 데이터 비율
- TP↑, FN↓에 초점
- 실제 Positive 인 데이터 예측을 Negative로 잘못 판단 시 큰 영향 발생하는 경우 사용
- recall\_score(실제값, 예측값)

### 정밀도/재현율 실습 - 타이타닉

(1) 평가 함수 get\_clf\_eval 정의

```
# 평가 함수 정의
from sklearn.metrics import accuracy_score, precision_score , recall_score , confusion_matrix

def get_clf_eval(y_test , pred):
    confusion = confusion_matrix( y_test, pred)
    accuracy = accuracy_score(y_test , pred)
    precision = precision_score (y_test , pred)
    recall = recall_score(U_TOT), print('오차 행렬')
    print('오차 행렬')
    print(confusion)
    print('정확도: {0:.4f}, 정밀도: {1:.4f}, 재현율: {2:.4f}'.format(accuracy , precision , recall))
```

### 정밀도/재현율 실습 - 타이타닉

#### (2) 로지스틱 회귀 모델로 학습/예측/평가

```
# 타이타닉 데이터를 로지스틱 회귀 모델로 학습/예측/평가
import numpy as np
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
# 원본 데이터를 재로당. 데이터 가공. 학습데이터/테스트 데이터 분할.
titanic_df = pd.read_csv('./titanic_train.csv')
y_titanic_df = titanic_df['Survived']
X_titanic_df = titanic_df.drop('Survived', axis=1)
# 이전 타이타닉 예제에서의 전처리 함수 사용
X titanic df = transform features(X titanic df)
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X_titanic_df, y_titanic_df, \#
                                               test_size=0.20, random_state=11)
#모텔 생성
Ir clf = LogisticRegression(solver='liblinear')
# 학/예/평
Ir_clf.fit(X_train , y_train)
pred = Ir_clf.predict(X_test)
    clf om (y_test , pred)
오차 행렬
[[108 10]
[ 14 47]]
정확도: 0.8659, 정밀도: 0.8246, 재현율: 0.7705
```

- 데이터 로딩
- 이전 예제의 transform\_features 함수로 데이터 전처리
- 학습/테스트용 데이터 분리
- 모델 생성
- 학습/예측/평가

### 정밀도/재현율 트레이드오프

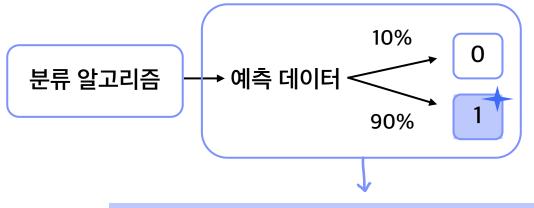
서로 ( 사람에서 ) 평가 지표

둘 다 높은 수치를 얻는 게 좋은 평가

둘 중 하나를 특별히 강조해야 할 경우,

) (Threshold) 조정해 수치 조절

- → 한 수치를 강제로 높이면 다른 수치가 떨어지기 쉬움
- → 정밀도/재현율 트레이드오프(Trade-off)



임곗값: 1(Positive)일 확률 기준

구현함수: predict\_proba( 테스트 피처 데이터 세트)

(1) predict\_proba(테스트 피처 데이터 세트) : 개별 데이터별로 예측 확률 반환 메서드

```
# predict_proba 와 predict 비교
pred_proba = Ir_clf. predict(X_test)
pred = Ir_clf.predict(X_test)
print('pred_proba()결과 Shape : {0}'.format(pred_proba.shape))
print('pred_proba array에서 앞 3개만 샘플로 추출 \(\mathreve{m}\):', pred_proba[:3])

# 예측 확률 array(pred)와 예측 결과값 array(pred_proba)를 concatenate 하여 예측 확률과 결과값을 한눈에 확인
pred_proba_result = np.concatenate([pred_proba , pred.reshape(-1,1)],axis=1)
print('두개의 class 중에서 더 큰 확률을 클래스 값으로 예측 \(\mathreve{m}\)', pred_proba_result[:3])
```

앞 예제 노트북 이어서

: [[0.44935228 0.55064772] [0.86335513 0.13664487] [0.86429645 0.13570355]]

21.

0.

0

pred\_proba: 첫 칼럼이 0일 예측 확률, 두번째 칼럼이 1일 예측 확률

predict: 더 큰 확률 값으로 최종 예측

#### (2) Binarizer 클래스

- Binarizer(threshold) 객체 생성
- 객체.fit\_transform(ndarray): 입력된 ndarray의 값을 threshold 값보다 작으면 0, 크면 1로 변환해 반환

```
# Binarizer 클래스 사용 예시
from sklearn.preprocessing import Binarizer

X = [[ 1, -1, 2],
        [ 2, 0, 0],
        [ 0, 1.1, 1.2]]

# threshold 기준값보다 같거나 작으면 0을, 크면 1을 반환
binarizer = Binarizer(threshold=1.1)
print(binarizer. 라는 (threshold=1.1)
[[ 0. 0. 1.]
[] [ 0. 0.]
[] [ 0. 0.]
```

(3) predict() 의사 코드 (predict\_proba와 Binarizer로 구현)

```
# predict 의사코드
from sklearn.preprocessing import Binarizer

#Binarizer의 threshold 설정값=분류 결정 임곗값
custom_threshold = 0.5

# predict_proba() 반환값의 두번째 컬럼, 즉 Positive 클래스 컬럼 하나만 추출하여 Binarizer를 적용
pred_proba_1 = pred_proba[:,1].reshape(-1,1)

binarizer = Binarizer(threshold=custom_threshold).fit(pred_proba_1)
custom_predict = binarizer.transform(pred_proba_1)

get_clf_eval(y_test, custom_predict)

오차 행렬
[[108 10]
[ 14 47]]
정확도: 0.8659, 정밀도: 0.8246, 재현율: 0.7705
```

앞 예제의 predict() 결과와 지표 정확히 일치

#### (4) 분류 결정 임곗값 조정

```
# 테스트를 수행할 모든 임곗값을 리스트 객체로 저장.

thresholds = [0.4, 0.45, 0.50, 0.55, 0.60]

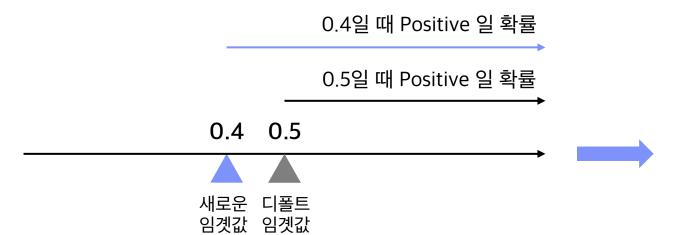
def get_eval_by_threshold(y_test , pred_proba_c1, thresholds):
  # thresholds /ist객체내의 값을 차례로 iteration하면서 Evaluation 수행.
  for custom_threshold in thresholds:
      binarizer = Binarizer(threshold=custom_threshold).fit(pred_proba_c1)
      custom_predict = binarizer.transform(pred_proba_c1)
      print('임곗값:',custom_threshold)
      get_clf_eval(y_test , custom_predict)

get_eval_by_threshold(y_test ,pred_proba[:,1].reshape(-1,1), thresholds )
```

```
분류 결정 임곗값 낮추니,
정밀도 ( ), 재현율 ( )
```

```
임곗값: 0.4
오차 행렬
[[97 21]
[11 50]]
정확도: 0.8212. 정밀도: 0.7042. 재현율: 0.8197
임곗값: 0.45
오차 행렬
[[105 13]
[ 13 48]]
정확도: 0.8547, 정밀도: 0.7869, 재현율: 0.7869
임곗값: 0.5
오차 행렬
[[108 10]
 [ 14 47]]
정확도: 0.8659, 정밀도: 0.8246, 재현율: 0.7705
임곗값: 0.55
오차 행렬
정확도: 0.8715, 정밀도: 0.8654, 재현율: 0.7377
임곗값: 0.6
오차 행렬
     4411
정확도: 0.8771, 정밀도: 0.8980, 재현율: 0.7213
```

### 임곗값(Threshold) 조정



임곗값: 1(Positive)일 확률 기준

#### 임곗값 ↓

- → Positive로 예측 (↓/↑)
- → True 값 (↓/↑)
- $\rightarrow$  FN ( $\downarrow$ / $\uparrow$ )
- → 정밀도↓, 재현율↑

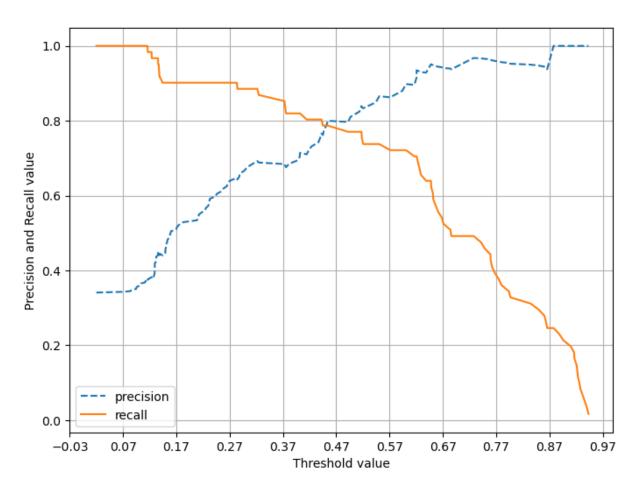
(5) precision\_recall\_curve()

앞에서 구현한 get\_eval\_by\_threshold() 유사한 API

	y_true: 실제 클래스값 배열	
입력 파라미터	probas_pred: Positive 칼럼의	
	예측 확률 배열	
반환값	정밀도, 재현율	
	: 값을 임곗값 별 각각 배열로 반환	

```
# precision_recall_curve()
from sklearn.metrics import precision recall curve
# 레이블 값이 1일때의 예측 확률을 추출
pred proba class1 = Ir clf.predict proba(X test)[:, 1]
# 실제값 데이터 셋과 레이블 값이 1일 때의 예측 확률을 precision_recall_curve 인자로 입력
precisions, recalls, thresholds = precision_recall_curve(y_test, pred_proba_class1)
print('반환된 분류 결정 임곗값 배열의 Shape:', thresholds.shape)
print('반환된 precisions 배열의 Shape:', precisions.shape)
print('반환된 recalls 배열의 Shape:', recalls.shape)
print("thresholds 5 sample:", thresholds[:5])
print("precisions 5 sample:", precisions[:5])
print("recalls 5 sample:", recalls[:5])
#반환된 임계값 배열 로우가 147건이므로 샘플로 10건만 추출하되. 임곗값을 15 Step으로 추출
thr index = np.arange(0, thresholds.shape[0], 15)
print('샘플 추출을 위한 임계값 배열의 index 10개:', thr index)
print('샘플용 10개의 임곗값: ', np.round(thresholds[thr_index], 2))
# 15 step 단위로 추출된 임계값에 따른 정밀도와 재현율 값
print('샘플 임계값별 정밀도: ', np.round(precisions[thr_index], 3))
print('샘플 임계값별 재현율: ', np.round(recalls[thr_index], 3))
반환된 분류 결정 임곗값 배열의 Shape: (165.)
반환된 precisions 배열의 Shape: (166.)
반환된 recalls 배열의 Shape: (166,)
thresholds 5 sample: [0.01974987 0.06956413 0.08402808 0.08474207 0.0892016 ]
precisions 5 sample: [0.34078212 0.34269663 0.34463277 0.34659091 0.34857143]
recalls 5 sample: [1, 1, 1, 1, 1,]
          위한 임계값 배열의 index 10개: [ 0 15 30 45 60 75 90 105 120 135 150]
색플용 10개의 임곗값: [0.02 0.11 0.13 0.14 0.16 0.24 0.32 0.45 0.62 0.73 0.87]
                   [0.341 0.372 0.401 0.44 0.505 0.598 0.688 0.774 0.915 0.968 0.938]
샘플 임계값별 재현율: [1. 1. 0.967 0.902 0.902 0.902 0.869 0.787 0.705 0.492 0.246]
```

#### (6) 시각화



#### 정밀도와 재현율의 맹점

- 임곗값에 따라 정밀도, 재현율 조정 가능
- 하나만 올리는 극단적 수치 조작이 가능하나,
   그건 성능이 나쁜 분류임!
- 두 수치를 ( )할 수 있는 수준에서 적용, 단순히 하나를 높이기 위한 수단으로 사용X

**04.** F1 스코어

### F1 스코어

: ( 게 )와 ( 게 )을 결합한 지표

F1 Score = 
$$\frac{2}{\frac{1}{\text{recall}} + \frac{1}{\text{precision}}} = 2* \frac{\text{precision * recall}}{\text{precision}}$$

정밀도, 재현율이 한쪽으로 (ܐУУУУ) 않는 수치를 나타낼 때 상대적으로 높은 값 가짐

구현 함수: f1\_score( 실제값, 예측값)

### F1 스코어 실습 - 타이타닉 (앞 예제 이어서)

#### (1) 사용법

```
# F1 스코어 사용법
from sklearn.metrics import f1_score
f1 = 뭐____(v_test , pred)
print('F1 스코어: {0:.4f}'.format(f1))
F1 스코어: 0.7966
```

#### (2) 평가 함수에 F1 스코어 추가

```
# 평가 함수에 F1 스코어 추가
def get_clf_eval(y_test , pred):
   confusion = confusion_matrix( y_test, pred)
   accuracy = accuracy_score(y_test , pred)
   precision = precision_score(y_test , pred)
   recall = recall_score(y_test , pred)
   #F1 스코어 추가
   f1 = f1_score(y_test,pred)
   print('오차 행렬')
   print(confusion)
   # f1 score print 추가
   print('정확도: {0:.4f}, 정밀도: {1:.4f}, 재현율: {2:.4f}, F1:{3:.4f}
         .format(accuracy, precision, recall, f1))
thresholds = [0.4, 0.45, 0.50, 0.55, 0.60]
pred_proba = Ir_clf.predict_proba(X_test)
get_eval_by_threshold(y_test, pred_proba[:,1].reshape(-1,1), thresholds)
```

```
임곗값: 0.4
오차 행렬
[[97 21]
[11 50]]
정확도: 0.8212, 정밀도: 0.7042, 재현율: 0.8197, F1:0.7576
임곗값: 0.45
오차 행렬
[[105 13]
[ 13 48]]
정확도: 0.8547, 정밀도: 0.7869, 재현율: 0.7869, F1:0.7869
임곗값: 0.5
오차 행렬
[[108 10]
[ 14 47]]
정확도: 0.8659, 정밀도: 0.8246, 재현율: 0.7705, F1:0.7966
임곗값: 0.55
오차 행렬
[[111 7]
[ 16 45]]
정확도: 0.8715, 정밀도: 0.8654, 재현율: 0.7377, F1:0.7965
임곗값: 0.6
오차 행렬
[[113 5]
[ 17 44]]
정확도: 0.8771, 정밀도: 0.8980, 재현율: 0.7213, F1:0.8000
```

05.

ROC 곡선과 AUC

### ROC 곡선과 AUC

#### ROC 곡선

: ( )이 변할 때 ( )이 어떻게 변하는지를 나타내는 곡선 구현 함수 : roc\_curve( 실제값, 예측확률 )

- FPR(False Positive Rate)
- TPR(True Positive Rate) : 민감도, 실제값 Positive가 정확히 예측돼야 하는 수준
- TNR(True Negative Rate) : 특이성, 실제값 Negative가 정확히 예측돼야 하는 수준

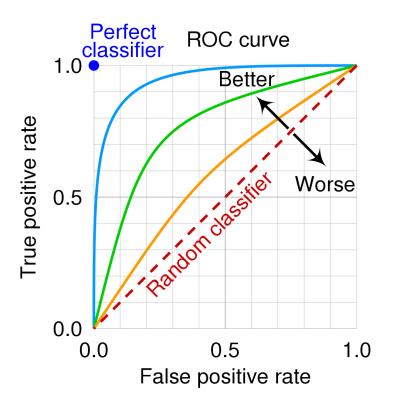
### ROC 곡선과 AUC

#### FPR 0~1로 변경하며 TPR 변화 값을 구함

#### AUC

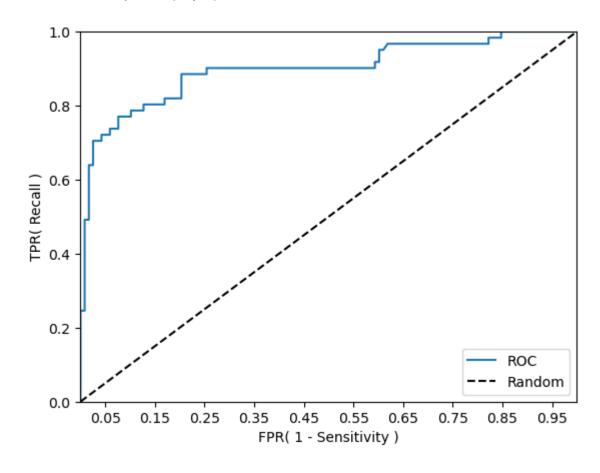
분류의 성능 지표, ( )에 가까울수록 좋은 수치

$$FPR = FP/(FP + TN)$$



### ROC-AUC 실습 - 타이타닉 (앞 예제 이어서)

#### (1) ROC 곡선 시각화



#### (2) 사용법

```
# roc_auc 사용

from sklearn.metrics import roc_auc_score

pred_proba = Ir_clf.predict_proba(X_test)[:, 1]

roc_score = (1)( ____QU(__)(V_test, 1)(V_test, 1
```

#### (3) 평가 함수 get\_clf\_eval 완성 (앞으로 사용!)

# 수고하셨습니다