



COPIE INTERNE 29/10/2024

Dr CRENER KURT CUB HOPITAL ERASME ROUTE DE LENNIK 808

1070 ANDERLECHT

Prescripteur: Dr CRENER KURT

Centre d'Anatomie Pathologique H.U.B.

Rue Meylemeersch 90 - 1070 Anderlecht Mijlemeerschstraat 90 – 1070 Anderlecht

> **Directrice de Service** Pr Myriam Remmelink

Equipe Médicale

Dr Nicolas de Saint Aubain
Pr Nicky D'Haene
Dr Maria Gomez Galdon
Dr Chirine Khaled
Pr Denis Larsimont
Dr Laetitia Lebrun
Dr Calliope Maris
Pr Jean-Christophe Noël
Pr Isabelle Salmon
Dr Anne-Laure Trépant
Pr Laurine Verset

Consultant (e) s

Dr Sarah Bouri Dr Xavier Catteau Dr Roland de Wind Dr Valérie Segers Dr Anne Theunis Dr Marie-Paule Van Craynest

Secrétariat Médical

T. +32 (0)2 541 73 23 +32 (0)2 555 33 35

 $\underline{SecMed.AnaPath@hubruxelles.be}$

Secrétariat Direction

T. +32 (0)2 555 31 15 Mme Kathia El Yassini Kathia.elyassini@hubruxelles.be

Mme Véronique Millecamps

PATIENT:

ID:

Réf. Externe : 24BB11466 EXAMEN : 24EM03451

Prélevé le 01/08/2024 à 01/08/2024

Reçu le 07/08/2024

RECHERCHE PAR « NEXT GENERATION SEQUENCING » DE MUTATIONS DANS 17 GENES IMPLIQUES DANS LES TUMEURS DE L'OVAIRE, DE L'ENDOMETRE ET DU SEIN.

HUB – Centre d'Anatomie Pathologique – est accrédité par BELAC sous le numéro de certificat B-727 MED

I. Renseignements anatomopathologiques

N° du prélèvement : 24BB11466 07

Date du prélèvement : 01/08/24

Origine du prélèvement : HUB

Type de prélèvement : Tumeur de la granulosa

II. Evaluation de l'échantillon

- % de cellules tumorales : 30%
- Qualité du séquençage : Optimale (coverage moyen > 1000x)
- Les exons à considérer comme non contributifs sont détaillés dans le tableau ci-dessous (point III).
- Commentaires : Code de prélèvement non-conforme : PNC DEM *

Nous attirons votre attention sur le fait que le délai de fixation n'est pas indiqué sur la feuille de demande. Un délai de fixation supérieur à 1h pourrait éventuellement avoir un impact sur les résultats.

Nous attirons votre attention sur le fait que la durée de fixation est inférieure à 6h ou supérieure à 72h et que ceci pourrait éventuellement avoir un impact sur les résultats.

III. Méthodologie (effectué par : NADN, NIDH)

- Extraction ADN à partir de coupes paraffinées après macrodissection des zones tumorales ou à partir de frottis.
- Détection par « Next Generation Sequencing » (sur Ion Gene Studio S5, Ion Torrent avec Kit AmpliSeq) de mutations dans 17 gènes liés aux tumeurs de l'ovaire, de l'endomètre et du sein :

| Gene | RefSeq | Exons testés | Exons non contributifs (coverage < 250x)* |
|--------|-----------|--------------|--|
| AKT1 | NM_05163 | 3, 7 | |
| BRAF | NM_004333 | 11, 15 | |
| CTNNB1 | NM_001904 | 3 | |
| CDKN2A | NM_000077 | 2 | |
| DICER | NM_030621 | 25, 26 | |
| ERBB2 | NM_004448 | 19-21 | |
| ESR1 | NM_00125 | 5-8 | |
| FBXW7 | NM_033632 | 5, 8-11 | |
| FGFR2 | NM 000141 | 7, 9, 12 | |

| Gene | RefSeq | Exons testés | Exons non contributifs (coverage < 250x)* |
|--------|-----------|---------------------------------|--|
| FOXL2 | NM_023067 | 1 | |
| KRAS | NM_033360 | 2, 3, 4 | |
| PIK3CA | NM_006218 | 1, 4, 6, 7, 9, 13, 18, 20 | |
| PIK3R1 | NM_181523 | 7-13 | |
| POLE | NM_006231 | 9-14 | |
| PTEN | NM_000314 | 1, 3, 5-8 | |
| RB1 | NM_000321 | 4, 6, 10, 11, 14, 17, 18, 20-22 | |
| TP53 | NM_000546 | 2-11 | |

^{*} Un coverage < 250x induit une perte de sensibilité et de spécificité de la méthode.

Sensibilité: la technique utilisée détecte une mutation si l'échantillon contient > 4% d'ADN mutant. Seules les mutations rapportées dans COSMIC et avec une fréquence supérieure à 4% et un variant coverage >30x sont rapportées.

IV. Résultats

Liste des mutations détectées :

| Gène | Exon | Mutation | Coverage | % d'ADN muté | | | | |
|--|------|----------|----------|--------------|--|--|--|--|
| Mutations avec impact clinique indéterminé | | | | | | | | |
| FOXL2 | 1 | p.C134W | 879 | 25% | | | | |

V. Discussion

Les mutations du gène FOXL2 sont décrites dans plus de 90% des tumeurs de la granulosa. Leur impact clinique est indéterminé.

VI. Conclusion: (NADN le 21/08/2024)

Présence de la mutation C134W du gène FOXL2.

N.B. Pour les prélèvements d'histologie et de cytologie ainsi que pour les examens complémentaires de biologie moléculaire, merci d'utiliser les nouvelles prescriptions disponibles sur le site internet du HUB:

https://www.hubruxelles.be/sites/default/files/2024-03-04_demande%20analyse%20anapath%20cytologie%20v3.pdf https://www.hubruxelles.be/sites/default/files/FO-HUB-BM-11%20Demande%20de%20biologie%20mol%C3%A9culaire-IPD%20v1.doc

Dr N D'HAENE

Dr REMMELINK MYRIAM