A. GOMER AUC														B. ENERG AUC															
ZLAB	0.63	0.95	0.83	0.9	0.97	0.94	1 0.9	91 0).86	0.97	0.84	0.94	0.88	١		ZLAB	0.65	0.93	0.82	0.9	0.97	0.93	0.9	0.83	0.96	0.85	0.93	0.88	
НОСОМОСО	0.76	0.94	0.79	0.89	0.93	0.92	2 0.8	31 0).85	0.94	0.65	0.92	0.85	١	0.9	НОСОМОСО	0.74	0.94	0.8	0.89	0.98	0.89	0.87	0.83	0.94	0.85	0.92	0.88	
JASPAR	0.59	0.95	0.81	0.89	0.93	0.92	2 0.9	9 0).83	0.95	0.66	0.91	0.85	١		JASPAR	0.63	0.94	0.81	0.88	0.98	0.9	0.9	0.82	0.95	0.85	0.88	0.87	
HOMER	0.59	0.94	0.81	0.87	0.84	0.84	1 0.8	34 0).85	0.93	0.79	0.94	0.84		0.8	JOLMA	0.68	0.91	0.8	0.88	0.97	0.87	0.85	0.83	0.94	0.84	0.91	0.86	
CIS-BP	0.62	0.93	0.81	0.89	0.79	0.92	2 0.9	9 0).67	0.95	0.85	0.91	0.84			CIS-BP	0.64	0.94	0.81	0.88	0.98	0.9	0.9	0.69	0.95	0.83	0.88	0.86	
JOLMA	0.68	0.71	0.8	0.88	0.86	0.9	0.8	8 0).82	0.94	0.66	0.9	0.81		0.7	HOMER	0.61	0.94	0.81	0.89	0.98	0.83	0.84	0.85	0.92	0.81	0.93	0.86	
GUERTIN	0.6	0.94	0.5	0.9	0.97	0.94	1 0.9	9 0).78	0.96	0.52	0.93	0.81			POUR	0.67	0.92	0.79	0.89	0.97	0.84	0.9	0.69	0.94	0.83	0.9	0.85	
SWISSREGULON	0.61	0.9	0.74	0.72	0.82	0.78	3 0.7	7 0).75	0.93	0.54	0.84	0.76		0.6	GUERTIN	0.59	0.94	0.5	0.89	0.97	0.93	0.91	0.82	0.96	0.68	0.92	0.83	
POUR	0.61	0.92	0.79	0.56	0.6	0.73	3 0.8	39 0).69	0.82	0.65	0.91	0.74		0.5	SWISSREGULON	0.6	0.88	0.8	0.71	0.98	0.79	0.77	0.82	0.95	0.69	0.81	0.8	
TF2DNA	0.45	0.72	0.54	0.5	0.45	0.46	6 0.5	56 0).73	0.64	0.45	0.83	0.58		0.5	TF2DNA	0.47	0.69	0.53	0.55	0.44	0.5	0.59	0.79	0.66	0.46	0.83	0.59	
	gata3	yy1					srra	prdm1	pax5	elf1	Average				gata3	hnf4a	pou2f2	yy1	ctcf				prdm1	pax5	elf1	Average			
							entr N																G M						
ZLAB	1	21	81	44	38	117	185	46	0	84	76	41	61			ZLAB	1.25	1.82	1.48	1.73	1.94	1.85	1.78	1.60	1.90	1.67	1.82	1.71	
НОСОМОСО	2	21	85	40	42	103	196	28	0	76	64	45	59	١	160	НОСОМОСО	1.48	1.85	1.45	1.69	1.96	1.78	1.69	1.60	1.88	1.67	1.79	1.71	
JASPAR	0	16	82	36	45	103	177	44	0	72	75	40	58	۰		JASPAR	1.22	1.86	1.47	1.69	1.97	1.79	1.77	1.56	1.89	1.67	1.70	1.69	
CIS-BP	0	16	82	36	46	99	177	44	0	72	66	40	57		120	CIS-BP	1.24	1.86	1.47	1.69	1.97	1.79	1.77	1.44	1.89	1.63	1.70	1.68	
HOMER	2	14	78	39	44	101	167	50	0	83	58	43	57			HOMER	1.22	1.86	1.48	1.70	1.96	1.65	1.67	1.68	1.83	1.58	1.82	1.68	
JOLMA	3	18	85	42	39	81	191	32	0	68	73	42	56		80	JOLMA	1.34	1.78	1.45	1.68	1.95	1.71	1.67	1.55	1.87	1.65	1.76	1.67	
POUR	0	20	82	28	40	76	135	45	3	91	65	46	53			POUR	1.31	1.82	1.43	1.69	1.94	1.66	1.78	1.39	1.88	1.65	1.75	1.66	
GUERTIN	1	16	0	41	44	103	169	45	0	82	3	47	46		40	GUERTIN	1.16	1.86	1.02	1.70	1.95	1.85	1.79	1.51	1.90	1.36	1.80	1.63	
SWISSREGULON	1	14	63	34	43	96	99	33	0	84	13	32	43			SWISSREGULON	1.23	1.77	1.45	1.42	1.95	1.58	1.54	1.53	1.89	1.44	1.59	1.58	
TF2DNA	0	8	14	0	0	0	0	8	1	6	0	32	6			TF2DNA	1.01	1.38	1.14	1.13	0.93	1.07	1.26	1.54	1.45	0.96	1.64	1.23	
	gata3	hnf4a	pou2f2	yy1	nrf1	ctcf o	cebpb	mef2a	esrra	prdm	1 pax5	elf1	Average		0		gata3	hnf4a	pou2f2	yy1	ctcf	cebpb	mef2a	esrra	prdm1	pax5	elf1	Average	

0.9

0.8

0.7

0.6

0.5

1.8

1.6

1.4

1.2

1.0