A. GOMER_AUC														B. ENERGY_AUC																
ZLAB	0.63	0.95	0.83	0.9	0.97	0.94	1 0.9	91 0).86	0.97	0.84	0.94	0.88			ZLAB	0.65	0.93	0.82	0.9	0.97	0.93	0.9	0.83	0.96	0.85	0.93	0.88		
HOCOMOCO	0.76	0.94	0.79	0.89	0.93	0.92	2 0.8	B1 C).85	0.94	0.65	0.92	0.85		(HOCOMOCO	0.74	0.94	0.8	0.89	0.98	0.89	0.87	0.83	0.94	0.85	0.92	0.88		0.9
JASPAR	0.59	0.95	0.81	0.89	0.93	0.92	2 0.	9 0).83	0.95	0.66	0.91	0.85			JASPAR	0.63	0.94	0.81	0.88	0.98	0.9	0.9	0.82	0.95	0.85	0.88	0.87		
HOMER	0.59	0.94	0.81	0.87	0.84	0.84	3.0	34 C).85	0.93	0.79	0.94	0.84		(JOLMA	0.68	0.91	0.8	0.88	0.97	0.87	0.85	0.83	0.94	0.84	0.91	0.86		0.8
CIS-BP	0.62	0.93	0.81	0.89	0.79	0.92	2 0.	9 0).67	0.95	0.85	0.91	0.84			CIS-BP	0.64	0.94	0.81	0.88	0.98	0.9	0.9	0.69	0.95	0.83	0.88	0.86		0.7
JOLMA	0.68	0.71	8.0	0.88	0.86	0.9	0.	8 C).82	0.94	0.66	0.9	0.81			0.7 HOMER	0.61	0.94	0.81	0.89	0.98	0.83	0.84	0.85	0.92	0.81	0.93	0.86		
GUERTIN	0.6	0.94	0.5	0.9	0.97	0.94	0.	9 0).78	0.96	0.52	0.93	0.81			POUR	0.67	0.92	0.79	0.89	0.97	0.84	0.9	0.69	0.94	0.83	0.9	0.85		0.6
SWISSREGULON	0.61	0.9	0.74	0.72	0.82	0.78	3 0.7	77 C).75	0.93	0.54	0.84	0.76			GUERTIN	0.59	0.94	0.5	0.89	0.97	0.93	0.91	0.82	0.96	0.68	0.92	0.83		
POUR	0.61	0.92	0.79	0.56	0.6	0.73	3 0.8	39 0	0.69	0.82	0.65	0.91	0.74		(SWISSREGULON	0.6	0.88	0.8	0.71	0.98	0.79	0.77	0.82	0.95	0.69	0.81	0.8		0.5
TF2DNA	0.45	0.72	0.54	0.5	0.45	0.46	6 0.5	56 0).73	0.64	0.45	0.83	0.58			TF2DNA	0.47	0.69	0.53	0.55	0.44	0.5	0.59	0.79	0.66	0.46	0.83	0.59		
gata3 hnf4apou2f2 yy1 ctcf cebpbmef2a esrra prdm1 pax5 elf1Average gata3 hnf4apou2f2 C. CentriMo														2 yy1	tcf cebpbmef2a esrra prdm1 pax5 elf1AverageD. ENERGY_MNCP															
ZLAB	1	21	81	44			185	46	0	84	76	41	61			ZLAB	1.25	1.82	1.48	1.73		1.85				1.67	1.82	1.71		
HOCOMOCO	2	21	85	40	42	103	196	28	0	76	64	45	59		,	HOCOMOCO 160	1.48	1.85	1.45	1.69	1.96	1.78	1.69	1.60	1.88	1.67	1.79	1.71		1.8
JASPAR	0	16	82	36	45	103	177	44	0	72	75	40	58			JASPAR	1.22	1.86	1.47	1.69	1.97	1.79	1.77	1.56	1.89	1.67	1.70	1.69		
CIS-BP	0	16	82	36	46	99	177	44	0	72	66	40	57		, ,	CIS-BP	1.24	1.86	1.47	1.69	1.97	1.79	1.77	1.44	1.89	1.63	1.70	1.68		1.6
HOMER	2	14	78	39	44	101	167	50	0	83	58	43	57			HOMER	1.22	1.86	1.48	1.70	1.96	1.65	1.67	1.68	1.83	1.58	1.82	1.68		
JOLMA	3	18	85	42	39	81	191	32	0	68	73	42	56		8	JOLMA	1.34	1.78	1.45	1.68	1.95	1.71	1.67	1.55	1.87	1.65	1.76	1.67		1.4
POUR	0	20	82	28	40	76	135	45	3	91	65	46	53			POUR	1.31	1.82	1.43	1.69	1.94	1.66	1.78	1.39	1.88	1.65	1.75	1.66		
GUERTIN	1	16	0	41	44	103	169	45	0	82	3	47	46			GUERTIN 40	1.16	1.86	1.02	1.70	1.95	1.85	1.79	1.51	1.90	1.36	1.80	1.63		1.2
SWISSREGULON	1	14	63	34	43	96	99	33	0	84	13	32	43			SWISSREGULON	1.23	1.77	1.45	1.42	1.95	1.58	1.54	1.53	1.89	1.44	1.59	1.58		
TF2DNA	0	8	14	0	0	0	0	8	1	6	0	32	6			TF2DNA	1.01	1.38	1.14	1.13	0.93	1.07	1.26	1.54	1.45	0.96	1.64	1.23		1.0
,	gata3h	nnf4æ	ou2f2	yy1 r	nrf1 d	ctcf c	ebpb	nef2a	aesrra	prdm	1pax5	elf1/	verag	je	(gata3	gata3 hnf4apou2f2 yy1				ctcf cebpbmef2			a esrra prdm1 pax			elf1Average		