A. GOMER_AUC							_	1 .0		B. ENERGY_AUC						
НОСОМОСО	0.97	1	1	1	0.85	0.96			JOLMA	0.97	1	0.98	0.92	0.95	0.96	
JOLMA	0.92	0.97	0.99	0.76	1	0.93		ı	UNIPROBE	0.99	0.92	0.94	1	0.97	0.96	0.96
HOMER	1	0.9	0.74	0.86	0.87	0.88		0.9	JASPAR	0.95	0.98	0.93	0.92	0.92	0.94	
TF2DNA	0.83	0.75	0.66	0.83	1	0.81		НС	осомосо	0.96	0.98	1	0.91	0.83	0.94	0.88
JASPAR	0.77	0.88	0.69	0.9	0.81	0.81		0.8	HOMER	1	0.99	0.9	0.92	0.85	0.93	
GUERTIN	0.92	0.86	0.8	0.9	0.55	0.8			REGULON	0.98	0.94	0.9	0.88	0.92	0.92	
SWISSREGULON	0.68	0.73	0.9	0.93	0.77	0.8			TF2DNA	0.92	0.91	0.77	0.98	1	0.92	0.80
ZLAB	0.54	0.93	0.68	0.97	0.87	0.8		0.7	GUERTIN	0.98	0.98	0.88	0.91	0.69	0.89	
UNIPROBE	0.98	0.71	0.52	0.93	0.72	0.77			ZLAB	0.78	0.92	0.9	0.93	0.91	0.89	0.72
3DFOOTPRINT	0.54	nan	0.9	0.82	nan	0.75		0.6	CIS-BP	0.77	0.71	0.87	0.91	0.92	0.84	
POUR	0.6	0.65	0.62	0.95	0.83	0.73		0.6	POUR	0.96	0.71	0.86	0.86	0.74	0.83	
CIS-BP	0.57	0.63	0.71	0.88	0.81	0.72		3DF	OOTPRINT	0.94	nan	0.89	0.62	nan	0.82	0.64
'	egr1	esrra	gata3	hnf4a	pou2f2	Average				egr1	esrra	gata3	hnf4a	pou2f2	Average	
											_		a) (1 4) (
LINIIDDODE				ER_MNC		0.00		1.0	IOLMA	0.05		ENER(0.00	
UNIPROBE	1	A.	GOME 0.91	1	0.94	0.96			JOLMA	0.95	1.00	0.98	0.92	0.94	0.96	
UNIPROBE HOCOMOCO	0.98			1 0.93		0.96 0.95			JOLMA UNIPROBE	0.95					0.96 0.95	0.96
			0.91	1	0.94						1.00	0.98	0.92	0.94		0.96
носомосо	0.98	0.94	0.91	0.93	0.94	0.95		0.9	UNIPROBE	0.98	1.00 0.88	0.98	0.92 1.00	0.94 0.96	0.95	0.96
HOCOMOCO JOLMA	0.98	0.94 1 0.98	0.91 1 0.99	0.93	0.94 0.86 1	0.95 0.94		0.9 H0	UNIPROBE JASPAR	0.98	1.00 0.88 0.98	0.98 0.93 0.93	0.92 1.00 0.94	0.94 0.96 0.90	0.95 0.94	
HOCOMOCO JOLMA HOMER	0.98 0.95	0.94 1 0.98 0.91	0.91 1 0.99 0.83	0.93 0.77 0.9	0.94 0.86 1 0.88	0.95 0.94 0.9		0.9	UNIPROBE JASPAR OCOMOCO	0.98 0.93 0.95	1.00 0.88 0.98 0.99	0.98 0.93 0.93 1.00	0.92 1.00 0.94 0.91	0.94 0.96 0.90 0.82	0.95 0.94 0.93	
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR	0.98 0.95 1 0.85	0.94 1 0.98 0.91 0.92	0.91 1 0.99 0.83 0.79	0.93 0.77 0.9	0.94 0.86 1 0.88	0.95 0.94 0.9 0.86		0.9 H0	UNIPROBE JASPAR DCOMOCO HOMER	0.98 0.93 0.95 1.00	1.00 0.88 0.98 0.99	0.98 0.93 0.93 1.00	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84	0.95 0.94 0.93 0.93	0.90
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR ZLAB	0.98 0.95 1 0.85	0.94 1 0.98 0.91 0.92 0.94	0.91 1 0.99 0.83 0.79	1 0.93 0.77 0.9 0.88	0.94 0.86 1 0.88 0.86	0.95 0.94 0.9 0.86 0.84		0.9 H0	JASPAR DCOMOCO HOMER TF2DNA	0.98 0.93 0.95 1.00	1.00 0.88 0.98 0.99 1.00	0.98 0.93 0.93 1.00 0.90	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84	0.95 0.94 0.93 0.93	0.90
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR ZLAB TF2DNA	0.98 0.95 1 0.85 0.66	0.94 1 0.98 0.91 0.92 0.94	0.91 1 0.99 0.83 0.79 0.76	1 0.93 0.77 0.9 0.88 0.92	0.94 0.86 1 0.88 0.86 0.91 0.99	0.95 0.94 0.9 0.86 0.84		0.9 H0 0.8 SWISS	JASPAR DCOMOCO HOMER TF2DNA SREGULON	0.98 0.93 0.95 1.00 0.92 0.97	1.00 0.88 0.98 0.99 1.00 0.93 0.91	0.98 0.93 0.93 1.00 0.90 0.80 0.93	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93 0.98	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84 1.00 0.91	0.95 0.94 0.93 0.93 0.93	0.90
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR ZLAB TF2DNA GUERTIN	0.98 0.95 1 0.85 0.66 0.87	0.94 1 0.98 0.91 0.92 0.94 0.81	0.91 1 0.99 0.83 0.79 0.76 0.68	1 0.93 0.77 0.9 0.88 0.92 0.85	0.94 0.86 1 0.88 0.86 0.91 0.99	0.95 0.94 0.9 0.86 0.84 0.84		0.9 H0 0.8 SWISS 0.7	JASPAR DCOMOCO HOMER TF2DNA SREGULON GUERTIN	0.98 0.93 0.95 1.00 0.92 0.97	1.00 0.88 0.98 0.99 1.00 0.93 0.91 0.97	0.98 0.93 0.93 1.00 0.90 0.80 0.93 0.88	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93 0.98 0.88	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84 1.00 0.91 0.69	0.95 0.94 0.93 0.93 0.93 0.92 0.88	0.90
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR ZLAB TF2DNA GUERTIN SWISSREGULON	0.98 0.95 1 0.85 0.66 0.87 0.95	0.94 1 0.98 0.91 0.92 0.94 0.81 0.91	0.91 1 0.99 0.83 0.79 0.76 0.68 0.84	1 0.93 0.77 0.9 0.88 0.92 0.85 0.91	0.94 0.86 1 0.88 0.86 0.91 0.99 0.54 0.8	0.95 0.94 0.9 0.86 0.84 0.83		0.9 H0 0.8 SWISS 0.7	JASPAR DCOMOCO HOMER TF2DNA SREGULON GUERTIN ZLAB	0.98 0.93 0.95 1.00 0.92 0.97 0.96	1.00 0.88 0.98 0.99 1.00 0.93 0.91 0.97 0.90	0.98 0.93 0.93 1.00 0.90 0.80 0.93 0.88 0.89	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93 0.98 0.88 0.92	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84 1.00 0.91 0.69	0.95 0.94 0.93 0.93 0.93 0.92 0.88 0.86	0.90
HOCOMOCO JOLMA HOMER JASPAR ZLAB TF2DNA GUERTIN SWISSREGULON CIS-BP	0.98 0.95 1 0.85 0.66 0.87 0.95 0.76 0.68	0.94 1 0.98 0.91 0.92 0.94 0.81 0.91 0.8	0.91 1 0.99 0.83 0.79 0.76 0.68 0.84 0.89 0.78	1 0.93 0.77 0.9 0.88 0.92 0.85 0.91 0.88	0.94 0.86 1 0.88 0.86 0.91 0.99 0.54 0.8	0.95 0.94 0.9 0.86 0.84 0.83 0.83 0.78		0.9 H0 0.8 SWISS 0.7	JASPAR DCOMOCO HOMER TF2DNA SREGULON GUERTIN ZLAB OOTPRINT	0.98 0.93 0.95 1.00 0.92 0.97 0.96 0.72 0.95	1.00 0.88 0.98 0.99 1.00 0.93 0.91 0.97 0.90 nan	0.98 0.93 0.93 1.00 0.90 0.80 0.93 0.88 0.89 0.90	0.92 1.00 0.94 0.91 0.93 0.98 0.88 0.92 0.92	0.94 0.96 0.90 0.82 0.84 1.00 0.91 0.69 0.89 nan	0.95 0.94 0.93 0.93 0.92 0.88 0.86 0.85	0.90