A. GOMER_AUC 1												.0					B.	ENER	RGY_A	AUC					1.0		
ZLAB	0.84	1	1	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.98		ZLAB	0.88	0.99	1	1	0.99	1	0.99	0.98	1	0.99	1	0.98	
НОСОМОСО	1	1	0.95	1	0.96	0.98	0.9	0.98	0.97	0.76	0.98	0.95	0	HOCOMOCO	1	0.99	0.98	0.99	1	0.95	0.95	0.98	0.98	1	0.99	0.98	0.9
JASPAR	0.78	1	0.98	0.99	0.95	0.98	0.99	0.97	0.99	0.77	0.96	0.94		JASPAR	0.85	1	1	0.98	1	0.96	0.99	0.97	0.99	1	0.95	0.97	
HOMER	0.78	0.99	0.98	0.97	0.87	0.9	0.92	0.99	0.96	0.93	1	0.94	0	JOLMA	0.92	0.97	0.98	0.98	0.99	0.93	0.93	0.98	0.98	0.99	0.98	0.97	0.8
CIS-BP	0.82	0.99	0.98	0.99	0.82	0.98	0.99	0.77	0.99	1	0.96	0.93		CIS-BP	0.87	1	1	0.98	1	0.96	0.99	0.82	0.99	0.98	0.95	0.96	
JOLMA	0.9	0.75	0.97	0.98	0.89	0.96	0.89	0.95	0.97	0.78	0.95	0.91	0	.7 HOMER	0.83	1	0.99	0.98	0.99	0.9	0.92	1	0.96	0.95	1	0.96	0.7
GUERTIN	0.79	0.99	0.61	1	0.99	1	1	0.9	0.99	0.61	0.99	0.9		POUR	0.91	0.97	0.96	0.98	0.99	0.9	0.99	0.81	0.98	0.98	0.96	0.95	
SWISSREGULON	0.81	0.95	0.89	0.8	0.84	0.83	0.85	0.87	0.96	0.63	0.89	0.85	0	.6 GUERTIN	0.8	1	0.61	0.99	0.99	1	1	0.97	1	0.8	0.99	0.92	0.6
POUR	0.8	0.98	0.95	0.63	0.61	0.78	0.99	0.79	0.85	0.76	0.97	0.83		SWISSREGULON	0.81	0.93	0.98	0.79	0.99	0.85	0.85	0.96	0.99	0.82	0.87	0.9	0.5
TF2DNA	0.6	0.76	0.66	0.56	0.46	0.49	0.62	0.85	0.67	0.53	0.88	0.64	0	.5 TF2DNA	0.64	0.74	0.65	0.61	0.45	0.53	0.65	0.93	0.68	0.54	0.89	0.66	0.5
gata3 hnf4a pou2f2 yy1 ctcf cebpb mef2a esrra prdm1 pax5 elf1 Average  C. CentriMo										9		gata3 hnf4a pou2f2 yy1					ctcf cebpb mef2a esrra prdm1 pax5  D. ENERGY MNCP						elf1 Average				
ZLAB	0.30	1.00	0.95	1.00	1.00	0.95	0.92	0.00	0.93	1.00	0.88	0.81		.0 HOCOMOCO	1.00	0.99	0.98	0.98	1.00				0.99	1.00	0.98	0.98	1.0
JOLMA	1.00	0.84	1.00	0.97	0.69	0.98	0.64	0.01	0.75	0.96	0.90	0.79		ZLAB	0.85	0.98	1.00	1.00	0.99	1.00	0.99	0.96	1.00	1.00	1.00	0.98	
POUR	0.01	0.95	0.97	0.65	0.65	0.69	0.90	1.00	1.00	0.86	0.97	0.79	0	.8 JASPAR	0.82	1.00	0.99	0.97	1.00	0.97	0.99	0.93	0.99	1.00	0.93	0.96	0.9
НОСОМОСО	0.61	1.00	1.00	0.92	0.88	1.00	0.55	0.00	0.83	0.84	0.96	0.78		JOLMA	0.91	0.96	0.98	0.97	0.99	0.92	0.93	0.93	0.98	0.99	0.97	0.96	0.8
HOMER	0.52	0.68	0.91	0.88	0.87	0.85	1.00	0.00	0.92	0.76	0.92	0.76	0	.6 HOMER	0.83	1.00	1.00	0.98	1.00	0.89	0.93	1.00	0.96	0.94	1.00	0.96	
JASPAR	0.00	0.77	0.96	0.83	0.88	0.91	0.87	0.00	0.80	0.98	0.85	0.71		CIS-BP	0.84	1.00	0.99	0.97	1.00	0.97	0.99	0.86	0.99	0.97	0.93	0.96	0.7
CIS-BP	0.09	0.76	0.96	0.83	0.85	0.91	0.87	0.00	0.80	0.86	0.85	0.71	0	.4 POUR	0.89	0.97	0.96	0.98	0.99	0.90	0.99	0.83	0.99	0.99	0.96	0.95	
GUERTIN	0.22	0.75	0.00	0.94	0.88	0.86	0.89	0.00	0.90	0.03	1.00	0.59		GUERTIN	0.79	1.00	0.69	0.98	0.99	1.00	1.00	0.90	1.00	0.81	0.99	0.92	0.6
SWISSREGULON	0.33	0.70	0.74	0.79	0.82	0.51	0.66	0.00	0.93	0.18	0.69	0.58	0	.2 SWISSREGULON	0.83	0.95	0.98	0.82	0.99	0.85	0.86	0.92	0.99	0.86	0.87	0.90	
TF2DNA	0.02	0.40	0.16	0.00	0.00	0.00	0.16	0.40	0.07	0.00	0.68	0.17		TF2DNA	0.68	0.74	0.77	0.65	0.47	0.58	0.70	0.92	0.76	0.57	0.90	0.70	0.5
	gata3	hnf4a	pou2f2	yy1	ctcf	cebpb	mef2a	esrra	prdm1	pax5	elf1 /	Average		.0	gata3	hnf4a	pou2f2	2 yy1	ctcf	cebpb	mef2a	esrra	prdm1	pax5	elf1 /	Average	