

APRENDIZAJE DE MAQUINA I - CEIA - FIUBA

Dr. Ing. Facundo Adrián Lucianna

Dr. Ing. Álvaro Gabriel Pizá

REPASO CLASE ANTERIOR

- Aprendizaje no supervizado
- Clustering
- Análisis de componentes principales

APRENDIZAJE NO SUPERVISADO

En aprendizaje no supervisado tenemos un dataset de n observaciones con p atributos, pero no tenemos una variable Y de respuesta.

Esto nos genera un desafío...

No tenemos un objetivo simple para el análisis.

Es difícil evaluar los resultados obtenidos, ya que no existe un mecanismo aceptado para realizar una validación cruzada o validar los resultados en un conjunto de datos independiente.

Esto se debe justamente a que no tenemos con que comparar.

APRENDIZAJE NO SUPERVISADO

Entonces, para que usaríamos este tipo de aprendizaje?

Lo que buscamos en aprendizaje no supervisado es descubrir una estructura sobre la base del conjunto de datos. A diferencia de los problemas de aprendizaje supervisado, que buscamos predecir un resultado.

En un caso particular, es cuando queremos encontrar en los datos conjuntos que responden de una forma similar, es decir agrupamientos que a priori no son evidentes.

Por ejemplo, un sitio de compras podría intentar identificar grupos de compradores con historiales de navegación y compras similares, así como artículos que sean de particular interés para los compradores dentro de cada grupo.

Clustering o agrupación se refiere a un conjunto amplio de técnicas para encontrar subgrupos o clusters en un dataset.

Cuando agrupamos las observaciones, buscamos dividirlas en grupos distintos de modo que las observaciones dentro de cada grupo sean similares entre sí, mientras que las observaciones en otro grupo sean bastante diferentes de las del primero.

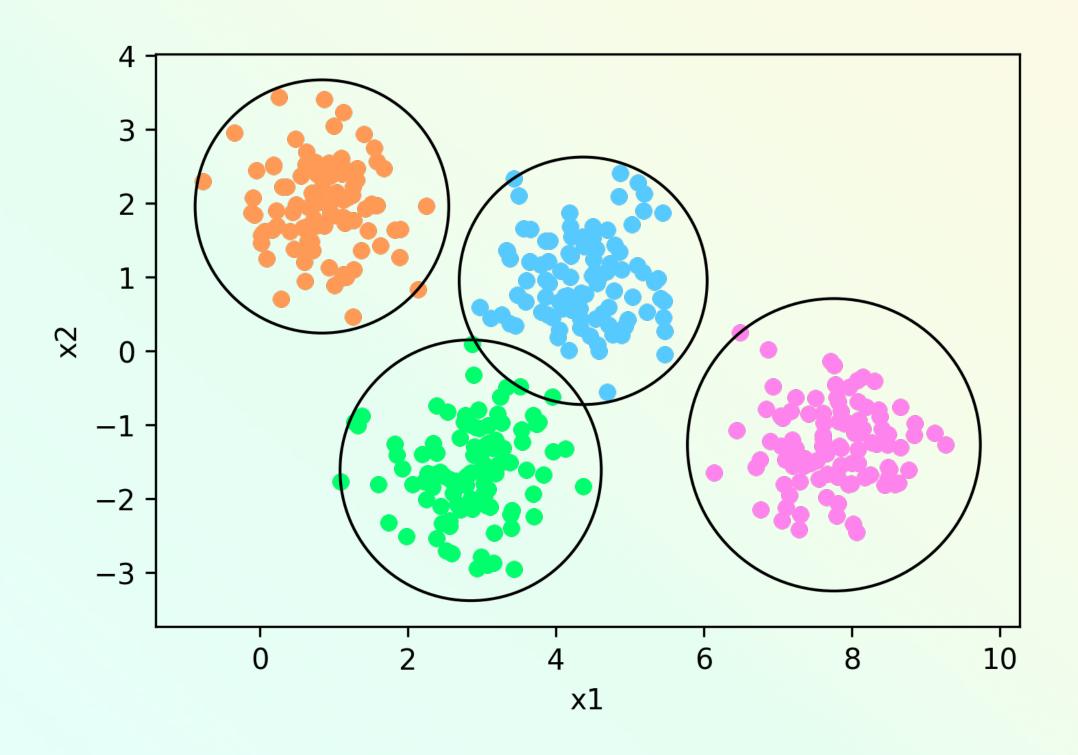
Pero, hay que definir que es similar o que es diferente. Esto suele ser una consideración específica de un dominio que debe realizarse basándose en el conocimiento de los datos que se están estudiando.

Vimos dos algoritmos de clustering de los más famosos de los múltiples que existen:

- K-Means
- Modelo de Mixtura Gaussiana

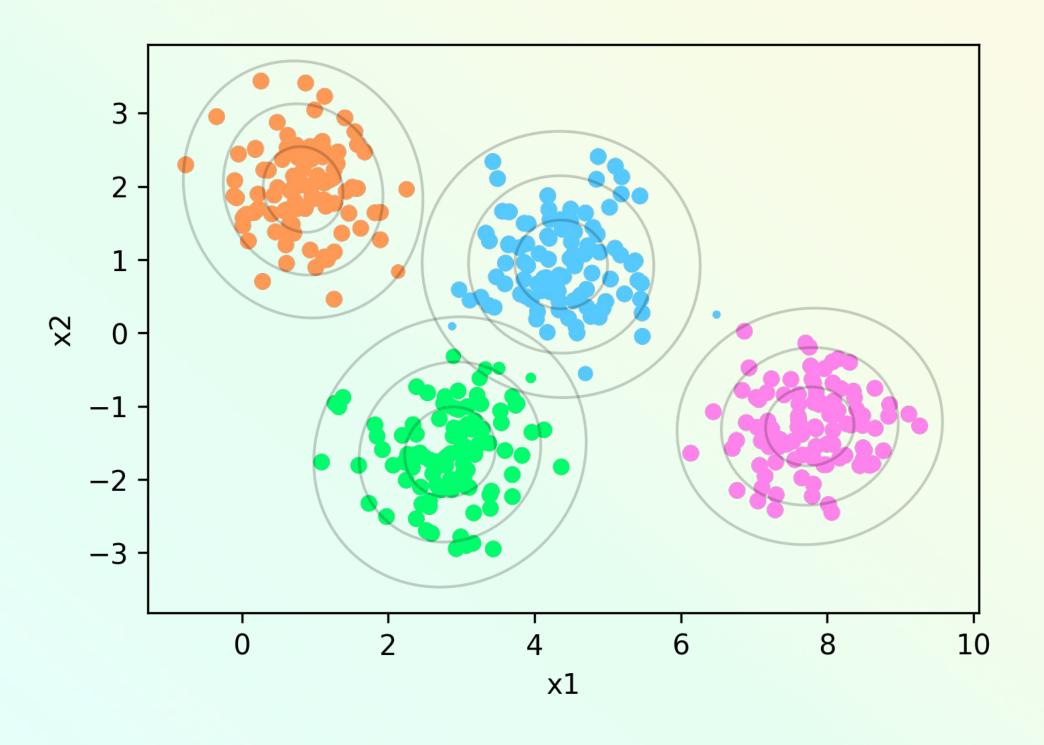
Vimos dos algoritmos de clustering de los más famosos de los múltiples que existen:

- K-Means
- Modelo de Mixtura Gaussiana



Vimos dos algoritmos de clustering de los más famosos de los múltiples que existen:

- K-Means
- Modelo de Mixtura Gaussiana

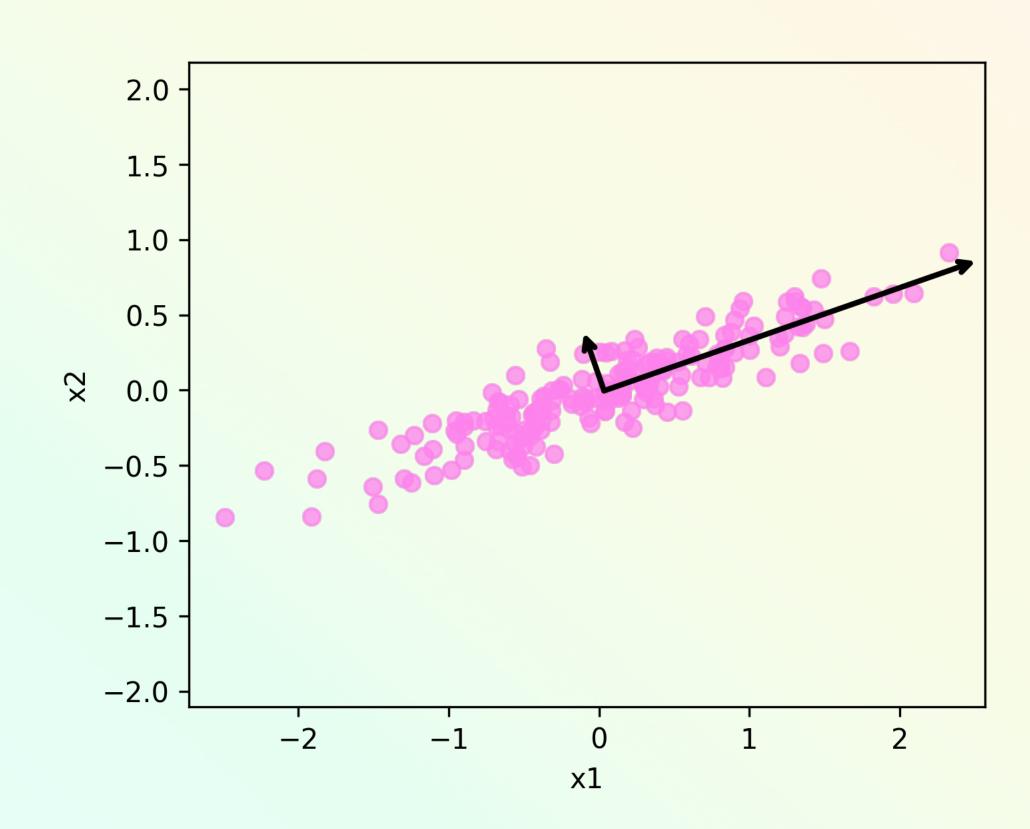


ANÁLISIS DE COMPONENTES PRINCIPALES

En PCA se busca una lista de los ejes principales en los datos y utilizando esos ejes para describir el conjunto de datos.

Estos vectores representan los ejes principales de los datos, y la longitud del vector es una indicación de cuán importante es ese eje para describir la distribución de los datos; más precisamente, es una medida de la varianza de los datos cuando se proyectan. sobre ese eje.

La proyección de cada punto de datos sobre los ejes principales son los componentes principales de los datos.



¿Qué son?

En 1906, el estadístico Sir Francis Galton estaba visitando una feria del condado en Inglaterra, en la que se celebraba un concurso para adivinar el peso de un buey que se encontraba en exhibición. Hubo 800 conjeturas y, si bien las conjeturas individuales variaron ampliamente, tanto la media como la mediana estuvieron dentro del 1% del peso real del buey.

Wisdom of the crowd
(Sabiduría de la multitud)

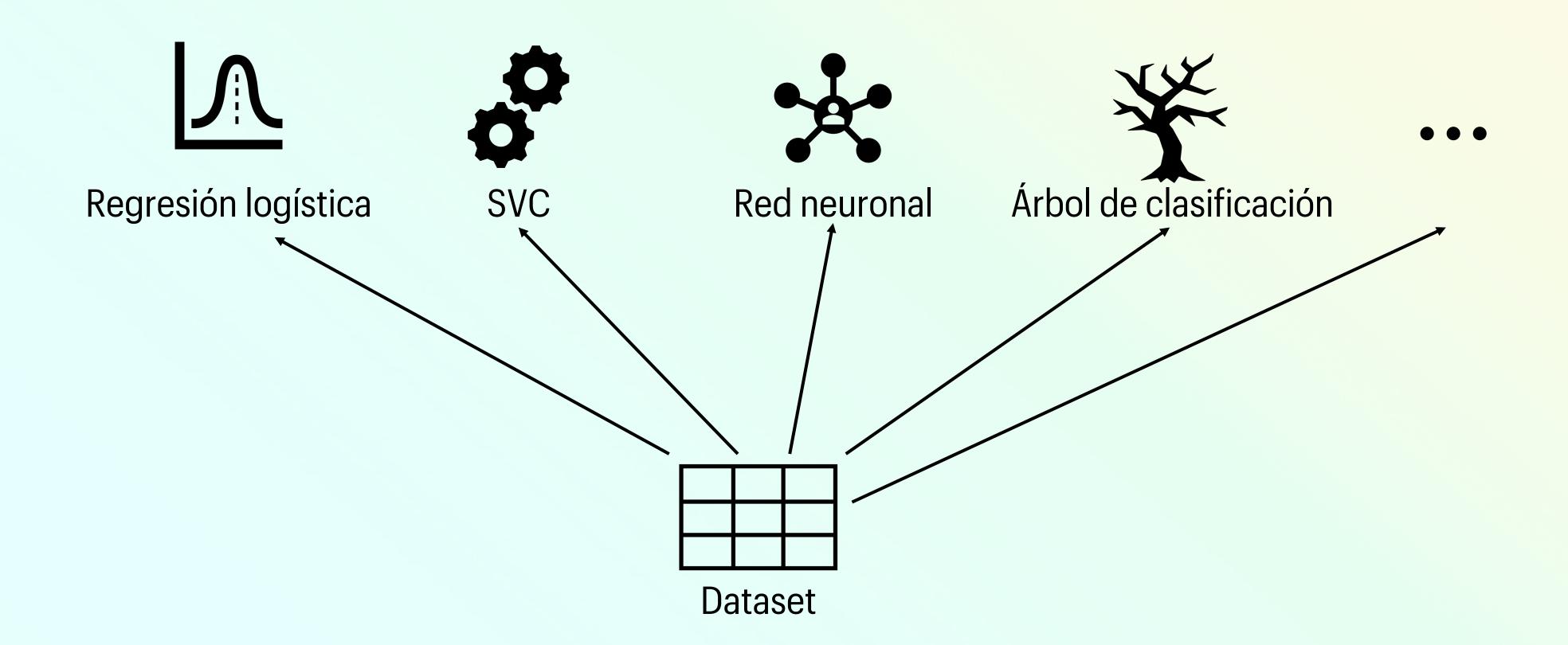
Si llevamos esta idea al campo del aprendizaje automático, al promediar la salida de un conjunto de predictores es altamente probable que obtengamos mejores métricas que considerando la salida de uno solo de ellos.

Dado que un conjunto de predictores se conoce como **ensamble**, estos métodos comúnmente se llaman **métodos de ensamble**.

Por ejemplo, podríamos entrenar un grupo de árboles de decisión, cada uno en una parte diferente del conjunto de entrenamiento, generar predicciones con cada uno de los árboles individuales y luego predecir la clase que tenga mayor cantidad de votos.

¿Cuándo usarlos?

Es más frecuente utilizar métodos de ensamble cuando ya probamos algunas arquitecturas más simples (*weak learners*) y para poder mejorar las métricas obtenidas combinamos los predictores ya desarrollados en un ensamble.



Hard voting classifiers: Por ejemplo, podríamos entrenar un grupo de árboles de decisión, cada uno en una parte diferente del conjunto de entrenamiento, generar predicciones con cada árbol individual y luego predecir la clase que tenga mayor cantidad de votos.

Soft voting classifiers: En este caso, si los modelos entrenados tienen la posibilidad de estimar la probabilidad por clase, lo que se hace es calcular la posibilidad promedio de cada clase sobre la cantidad total de modelos.

Voting regressor: En este caso, dado que los modelso pueden dar una salida continua, se puede obtener la salida promedio (u otra medida de posición central) de los modelos.

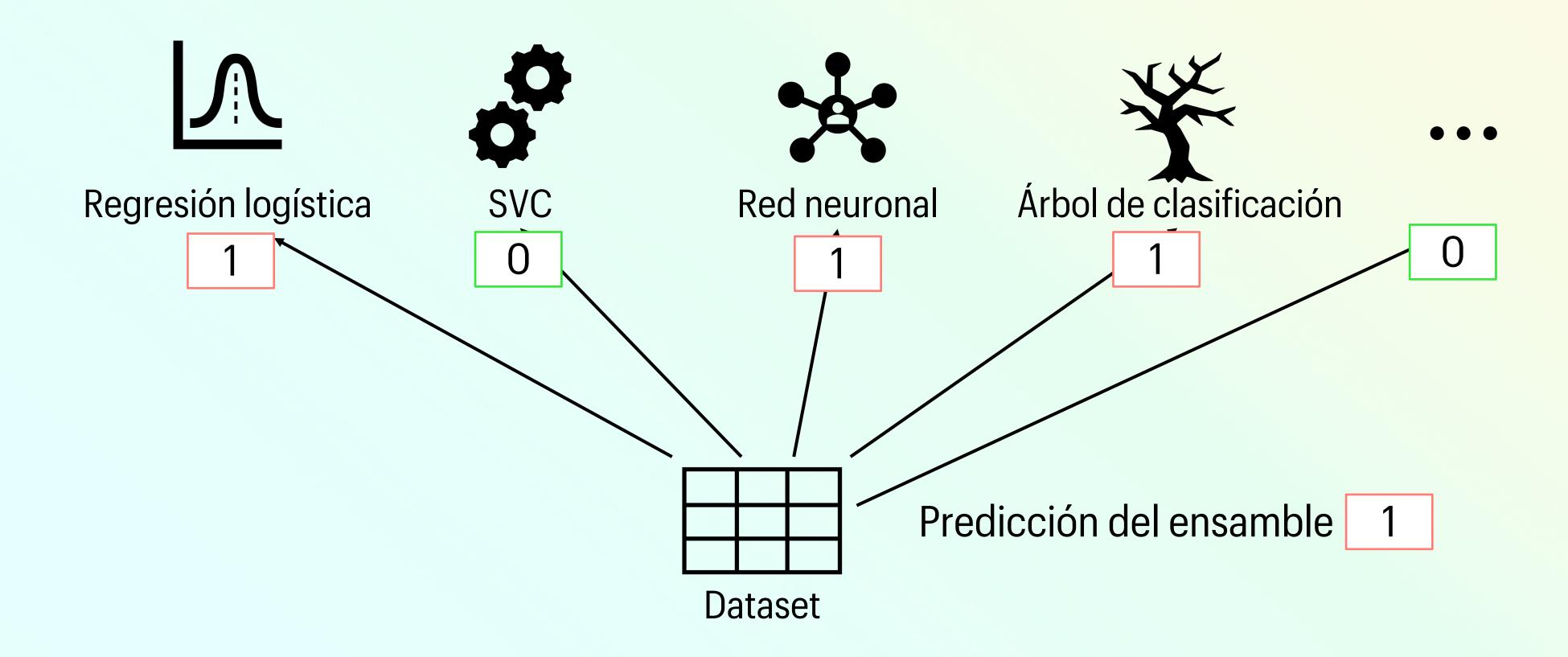
Hard voting classifiers: Por ejemplo, podríamos entrenar un grupo de árboles de decisión, cada uno en una parte diferente del conjunto de entrenamiento, generar predicciones con cada árbol individual y luego predecir la clase que tenga mayor cantidad de votos.

Soft voting classifiers: En este caso, si los modelos entrenados probabilidad por clase, lo que se hace es calcular la posibilidad prom total de modelos.

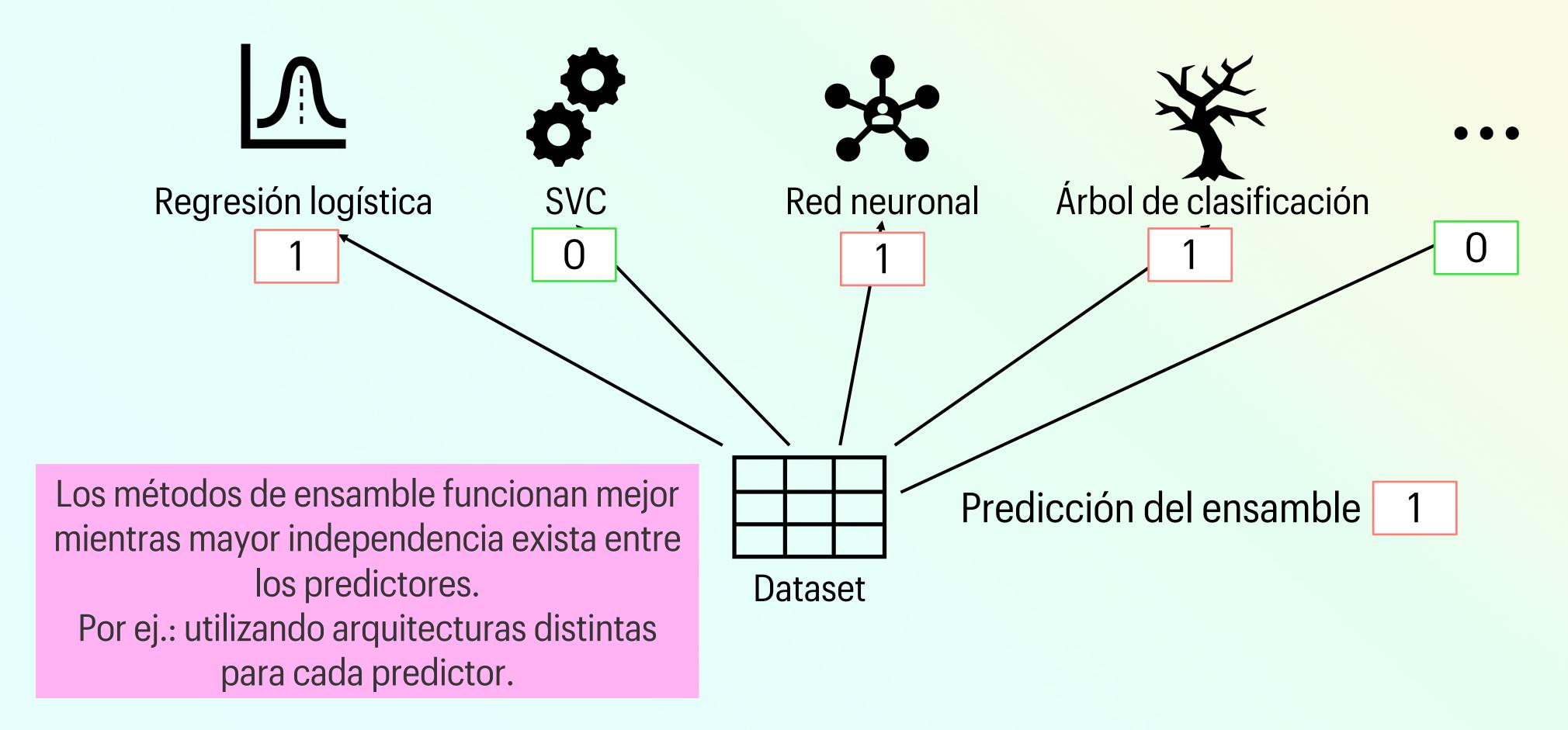
Una ventaja de esta manera de estimar las clases es que se le da más peso a los votos que tienen más confianza en su decisión.

Voting regressor: En este caso, dado que los modelso pueden dar una salida continua, se puede obtener la salida promedio (u otra medida de posición central) de los modelos.

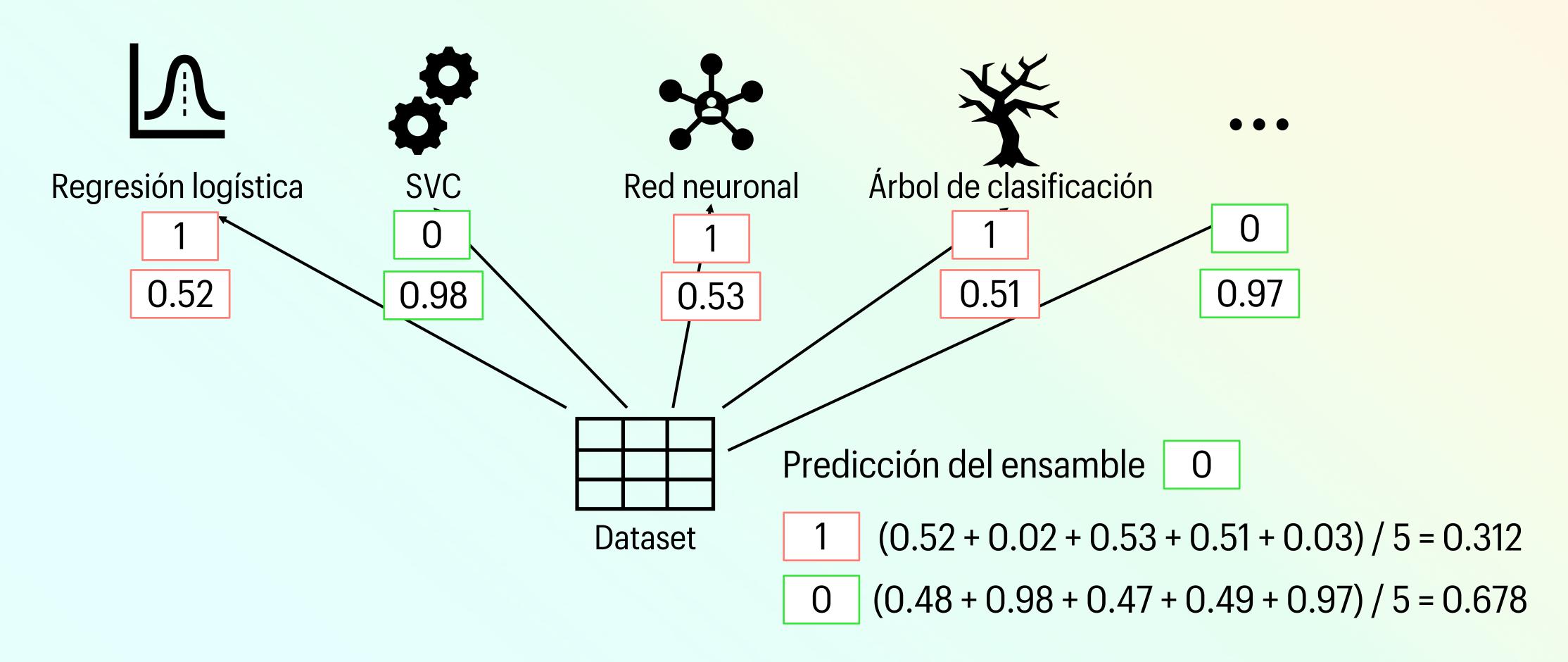
Hard voting classifiers



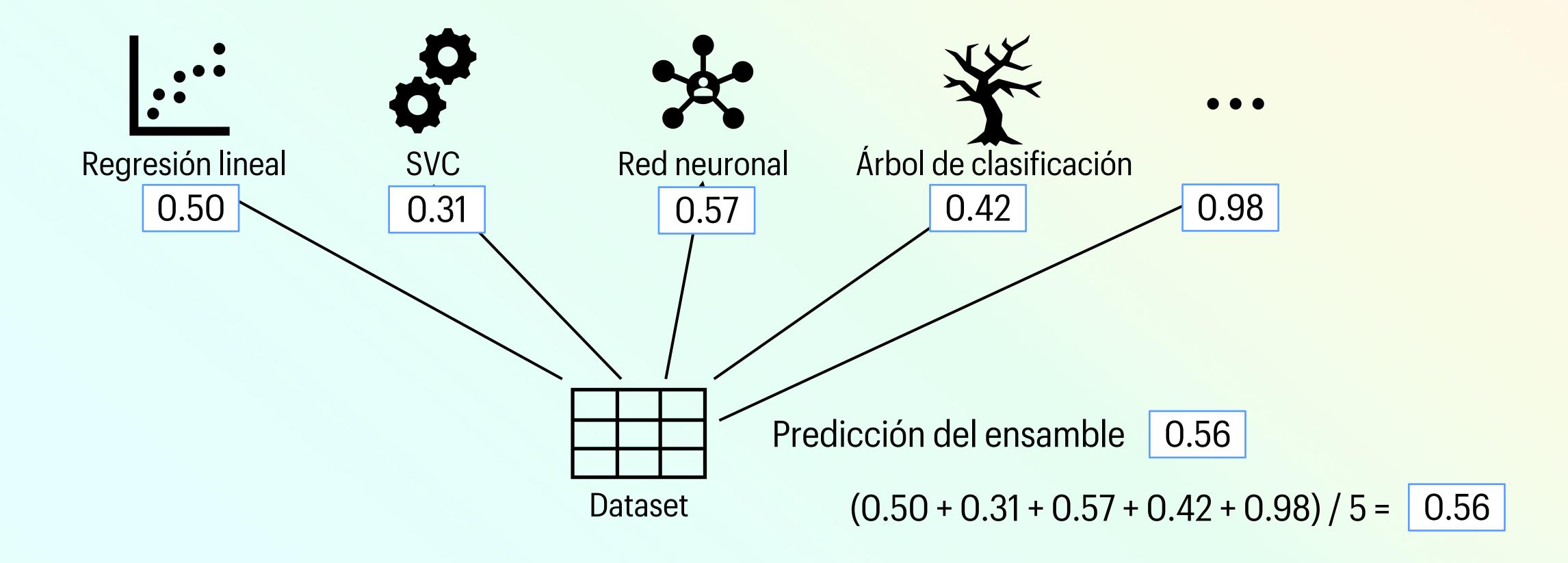
Hard voting classifiers



Soft voting classifiers

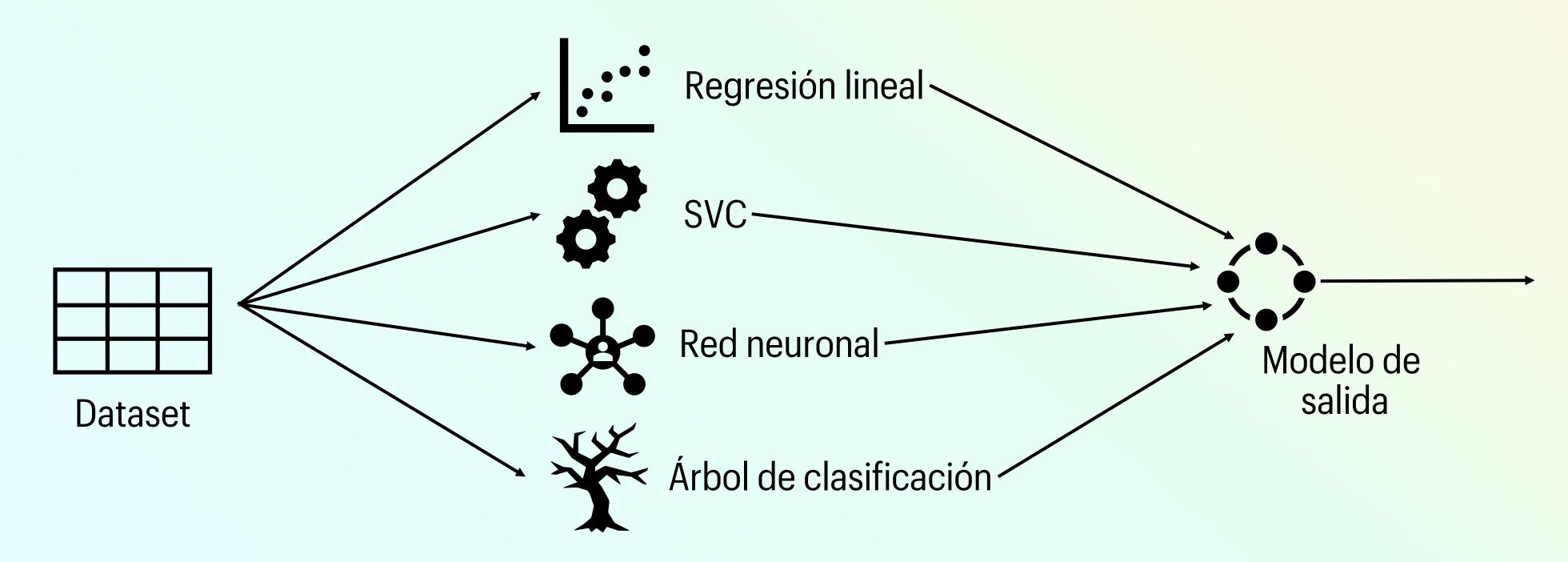


Voting regression



¿Y si reemplazamos el voto por algo más inteligente?

Una técnica un poco más avanzada es reemplazar el voto de los modelos, por un nuevo modelo que se entrena con la salida de los modelos.



VAMOS A PRÁCTICAR UN POCO...

¿Cómo logramos diversidad en nuestros predictores?

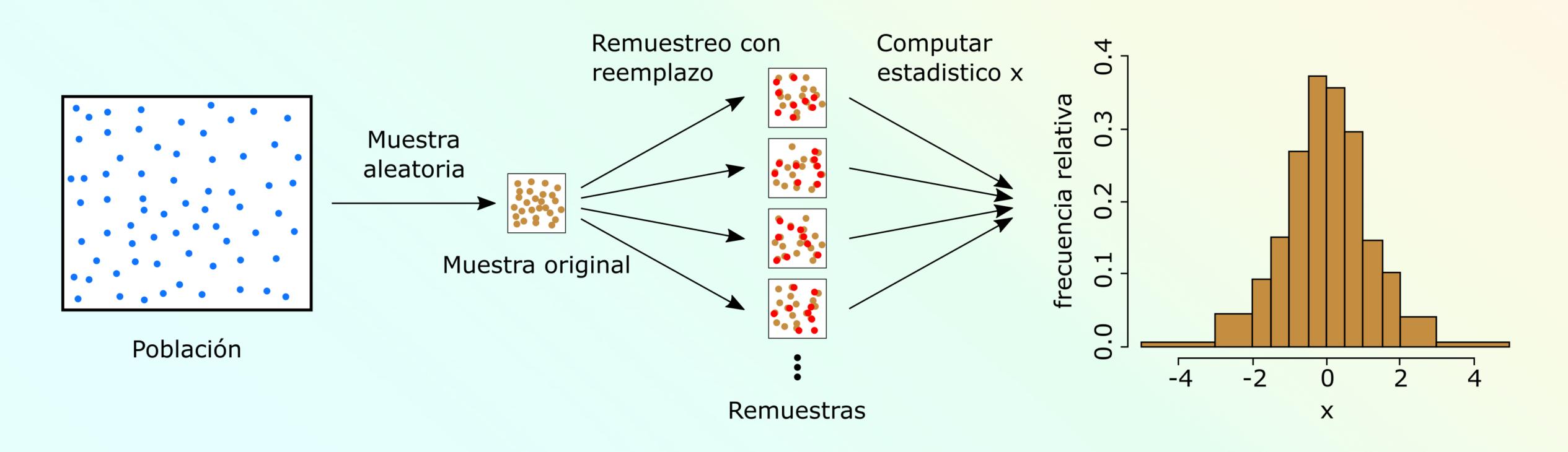
Una manera de lograr diversidad en nuestro ensamble es utilizando arquitecturas diferentes para cada predictor.

Otra manera de lograr esto es utilizando la misma arquitectura, pero entrenándola en distintos subconjuntos de nuestro set de entrenamiento.

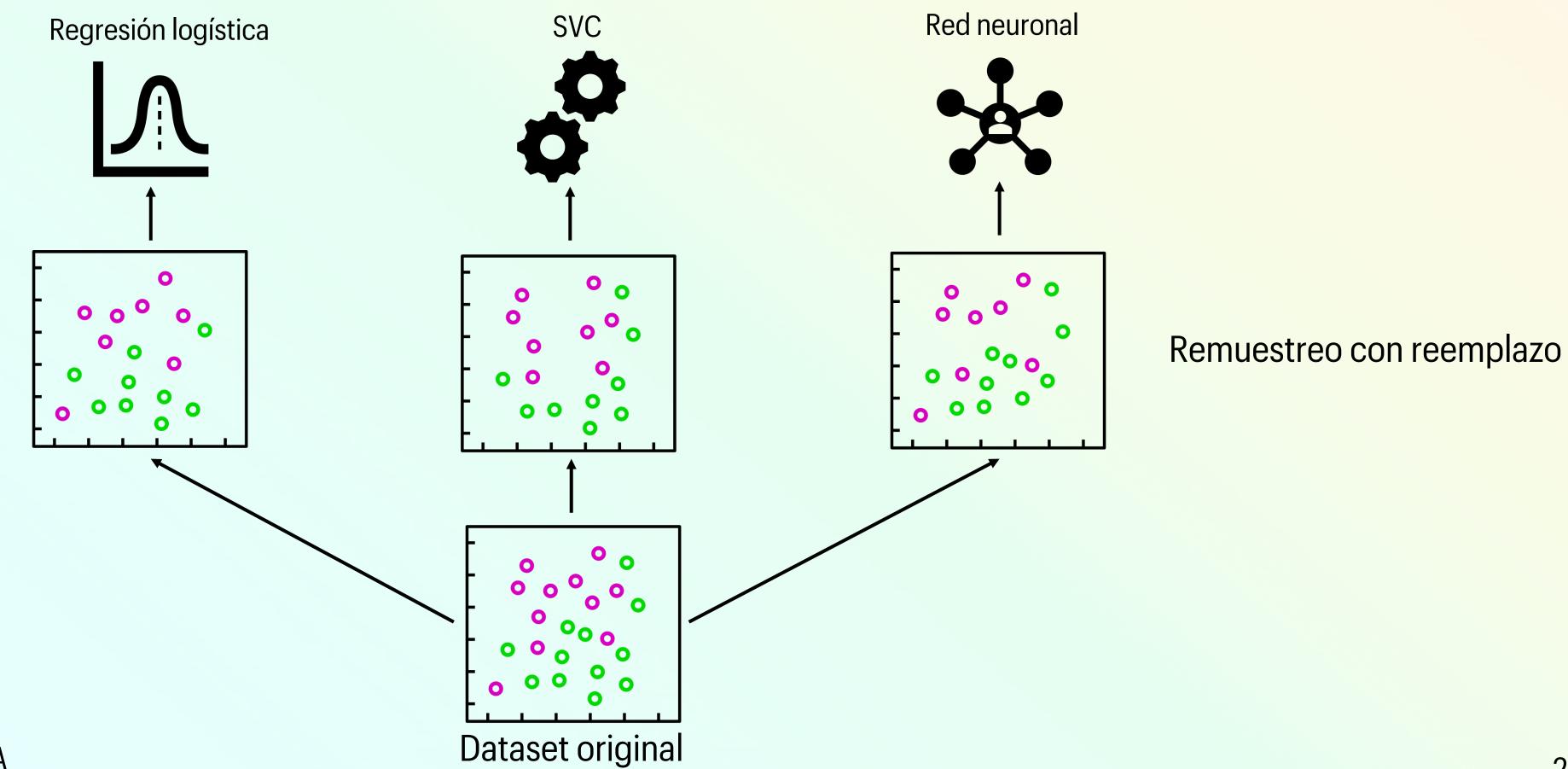
Cuando el muestreo es con reposición, el método se llama Bagging. Cuando es sin reposición, se llama Pasting.

Cada una de las filas del dataset puede ser muestreada por múltiples predictores. Pero solo Bagging permite que una fila pueda ser muestreada más de una vez por el mismo predictor.

En estadística el muestreo con reemplazo se llama Bootstrapping

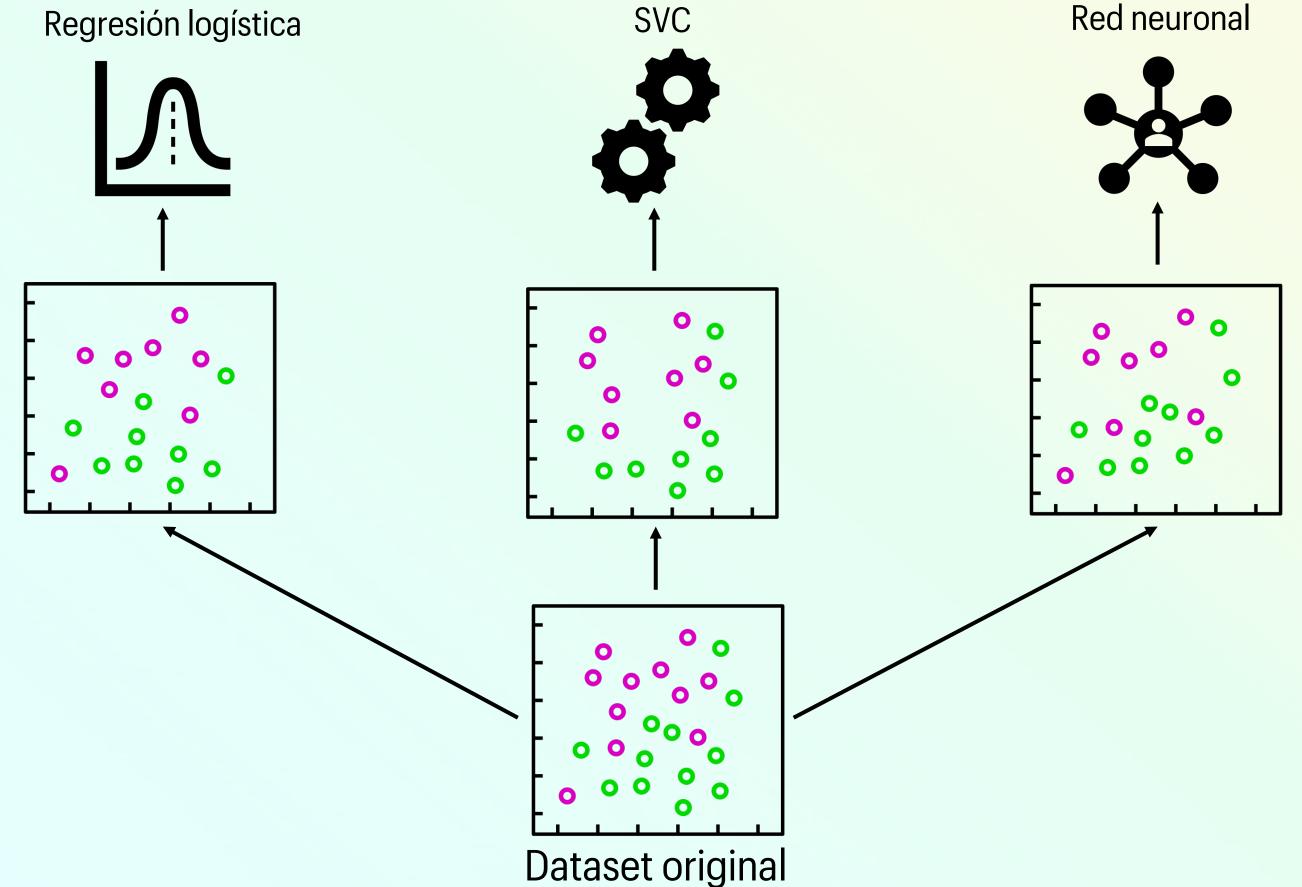


Para realizar Bagging (bootstrap aggregating), buscamos modelos que tengan mucha varianza y poco sesgo.



Para realizar Bagging (bootstrap aggregating), buscamos modelos que tengan mucha varianza y poco sesgo.

Cada uno de los modelos del ensamble puede ser entrenado en paralelo, lo que permite escalar la solución.



Remuestreo con reemplazo

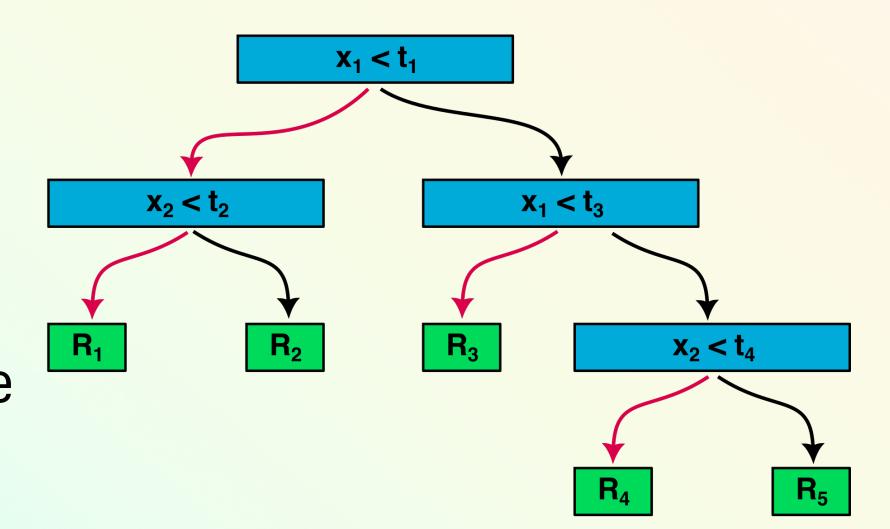
Lo más común es usar un solo tipo de modelo, particularmente el árbol de decisión.

- Si son de clasificación, estos árboles votan la clase.
- Si son de regresión, se promedia las predicciones.

Dado que cada árbol es entrenado diferente, va a ser diferente de los demás árboles.

En general estos árboles son profundos, es decir gran varianza, pero poco sesgo. Al promediar las salidas reducimos la varianza.

Bagging mejora sustancialmente los resultados cuando se lleva a cientos o miles de árboles.



Los bosques aleatorios son una mejora de los obtenidos mediante bagging únicamente.

Los bosques aleatorios hacen lo mismo que mediante bagging, pero además se usa una cantidad aleatoria de atributos. El valor de cuantos atributos a usar se elige aproximadamente la raíz cuadrada de la cantidad de atributos totales.

Por ejemplo, si tenemos p=13 atributos, se usarán m=4, y en cada árbol será una combinación al azar diferente.

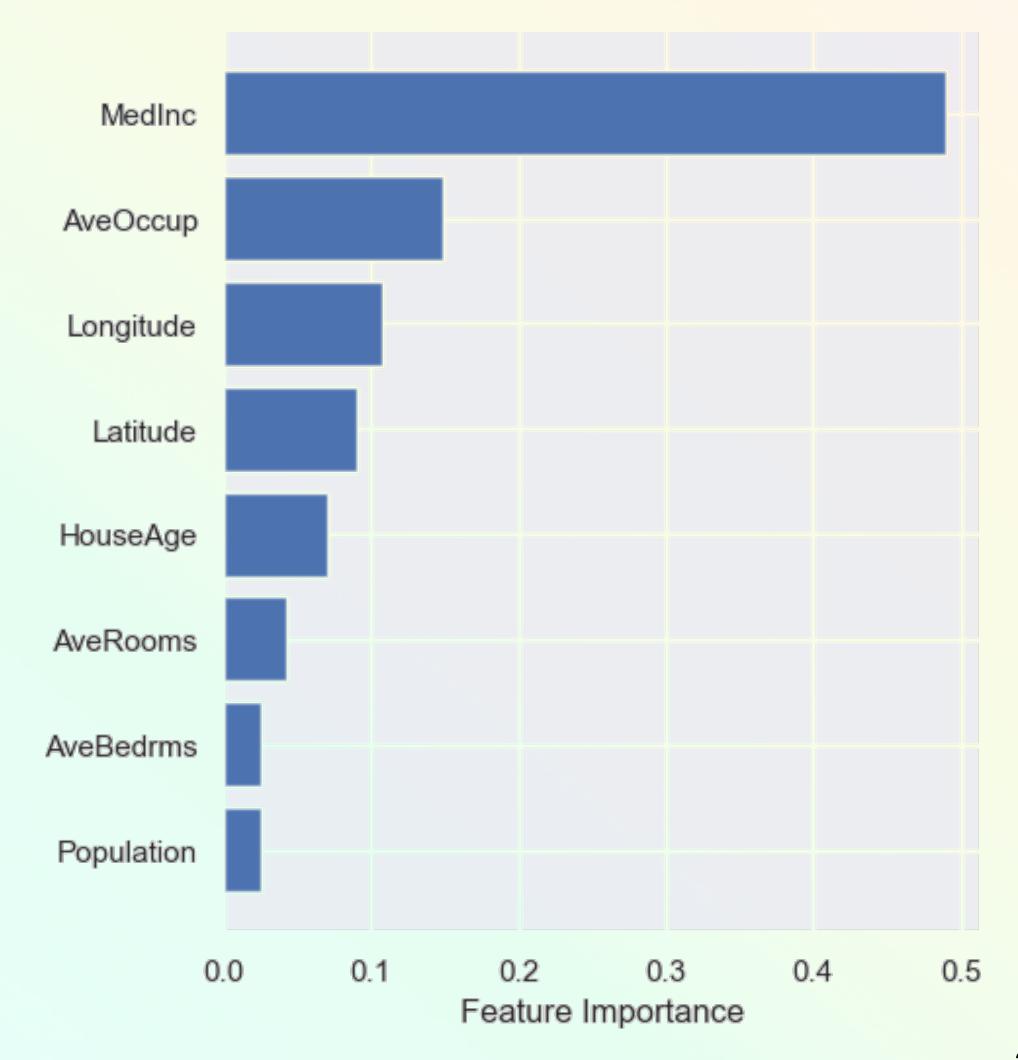
El razonamiento de esto es:

Supongamos que hay un atributo que es muy fuerte predictor, junto a otros atributos moderadamente fuertes. Si aplicamos bagging, todos estos árboles siempre tenderán a usar el atributo fuerte en la bifurcación inicial. Por consiguiente, todos serán parecidos y habrá una fuerte correlación entre árboles, quitando la posibilidad de reducir la varianza.

Bosques aleatorios, al separar los atributos, en promedio (p-m)/p de las particiones no van a considerar al atributo fuerte, quitando la correlación.

El poder de bosques aleatorios se muestra cuando se crean modelos predictivos para datos con muchos atributos.

Este tiene la capacidad de determinar automáticamente qué predictores son importantes y descubrir relaciones complejas entre los predictores correspondientes a términos de interacción.

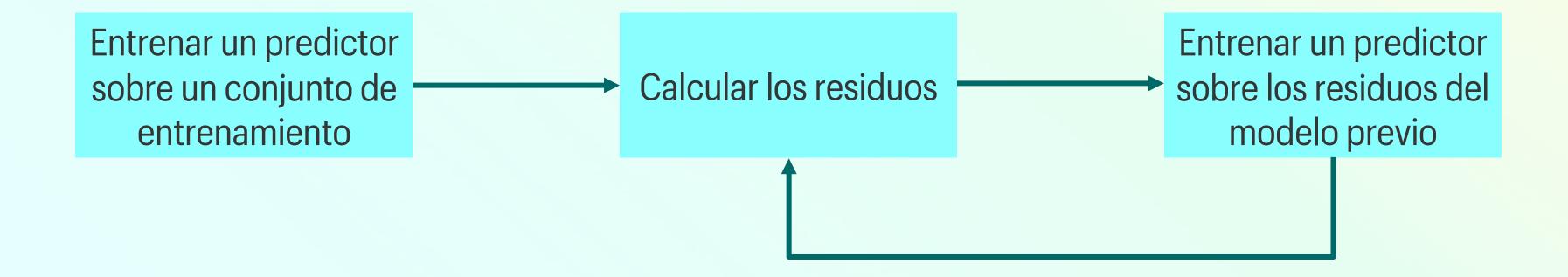


Hay dos formas de medir la importancia de un atributo:

- Por la disminución de la precisión del modelo si los valores de un atributo se permutan aleatoriamente. Permutar aleatoriamente los valores tiene el efecto de eliminar todo poder predictivo de esa variable.
- Por la disminución media en la puntuación de impureza (de Gini, entropía, etc.) para todos los nodos que fueron divididos por el atributo. Esto mide cuánto mejora la pureza de los nodos al incluir ese atributo.

Este tipo de arquitecturas son ensambles que al igual que los vistos anteriormente, combinan varios predictores para hacer una mejor predicción. La principal diferencia es que en las arquitecturas que aplican Boosting, el entrenamiento de los predictores se da de forma secuencial.

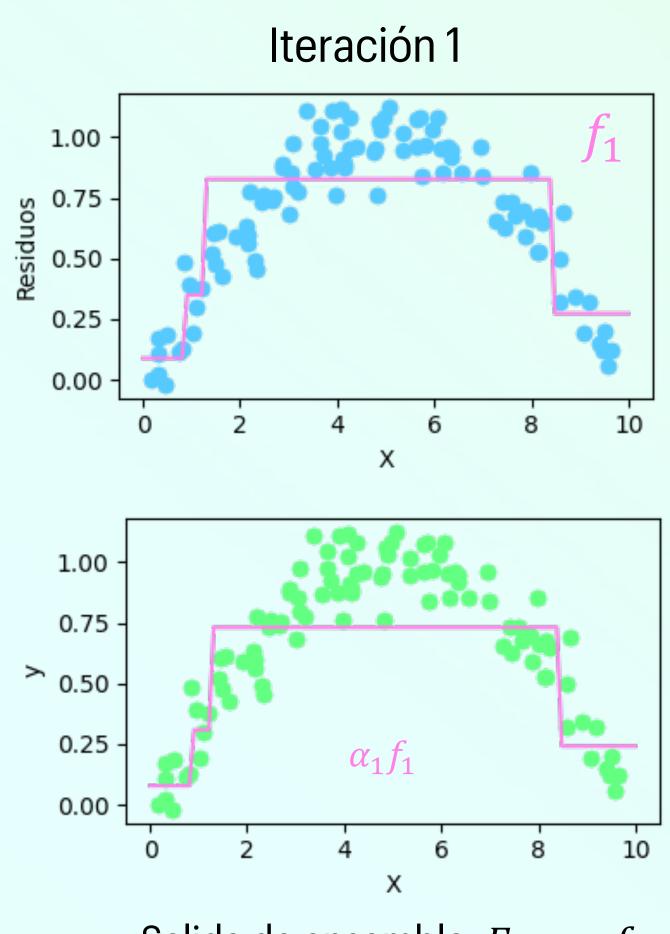
Cada nuevo predictor que se agrega al ensamble intenta corregir a su predecesor.



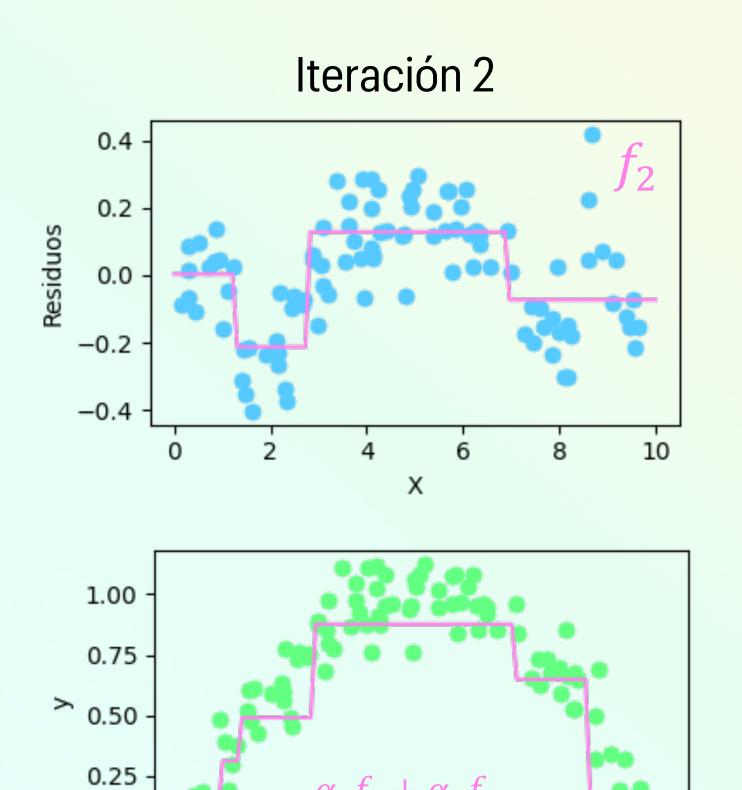
Hay varios algoritmos de complejidad variable. El más sencillo de entender es Adaboost. El algoritmo de entrenamiento se puede simplificar a:

- 1. Se comienza con un conjunto de datos de entrenamiento y se asigna pesos iguales a todas las muestras de entrenamiento.
- 2. Se entrena un modelo (weak learner) utilizando el conjunto de datos de entrenamiento.
- 3. Se calcula el error del modelo débil al predecir el conjunto de entrenamiento. Las observaciones que fueron mal clasificadas por el modelo débil se ponderan más en el siguiente paso.
- 4. Se calcula un peso para el modelo débil en función de su precisión. Los modelos que hacen predicciones más precisas tienen un mayor peso en la predicción final.
- 5. Se actualizan los pesos de las instancias de entrenamiento. Las observaciones que fueron mal clasificadas por el modelo débil anterior reciben un peso mayor para que el siguiente modelo débil se enfoque más en ellas.
- 6. Se repiten los pasos 2-5 varias veces (generalmente de 50 a 100 iteraciones), cada vez construyendo un nuevo modelo débil y ajustando los pesos de las instancias.
- 7. Finalmente, se combinan las predicciones de todos los modelos débiles, ponderadas por sus pesos respectivos, para obtener la predicción final del modelo:

$$\hat{F} = \alpha_1 \hat{f}_1 + \alpha_2 \hat{f}_2 + \dots + \alpha_M \hat{f}_M$$



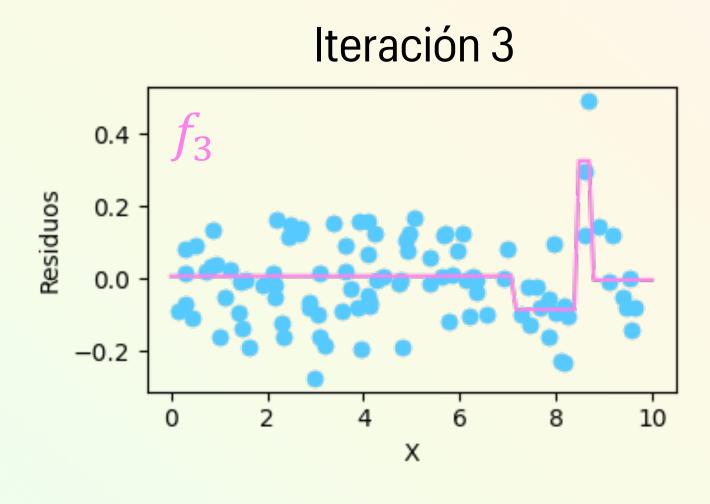
Salida de ensamble: $F = \alpha_1 f_1$

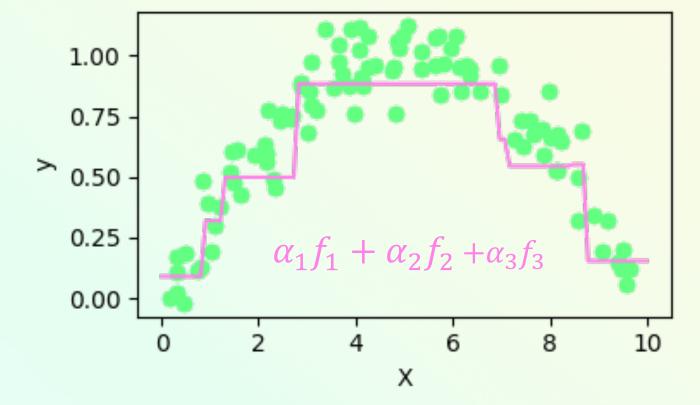


Salida de ensamble: $F = \alpha_1 f_1 + \alpha_2 f_2$

 $\alpha_1 f_1 + \alpha_2 f_2$

0.00





Salida de ensamble: $F = \alpha_1 f_1 + \alpha_2 f_2 + \alpha_3 f_3$

La principal diferencia es que en las arquitecturas que aplican Boosting, el entrenamiento de los predictores se da de forma secuencial.

Lo más común es usar árboles. En este caso se utilizan arboles con pocos nodos.

Esto es un proceso de aprendizaje lento que depende de árboles anteriores. Un proceso lento de aprendizaje estadísticamente lleva a buenos entrenamiento.

BOOSTING VS. BAGGING

	Bagging	Boosting
Método de construcción del conjunto de modelos	Múltiples modelos de aprendizaje automático independientes entrenados en subconjuntos aleatorios de datos de entrenamiento	Construye modelos secuencialmente, centrándose en corregir los errores del modelo anterior
Tipo de modelos	Adecuado para cualquier modelo de aprendizaje automático	Se enfoca en modelos débiles y mejora su precisión al combinar modelos débiles
Proceso de predicción	Promedio de las predicciones de todos los modelos del conjunto	Asigna diferentes pesos a cada modelo y los combina para hacer una predicción final
Sensibilidad al ruido	Menos sensible al ruido y a los valores atípicos	Puede ser más sensible al ruido y a los valores atípicos
Tiempo de entrenamiento	Puede ser más rápido ya que los modelos se construyen de forma independiente	Puede requerir más tiempo de entrenamiento ya que cada modelo se entrena secuencialmente
Ventajas	Reduce la varianza, mejora la precisión y puede manejar grandes conjuntos de datos	Mejora la precisión y el rendimiento del modelo mediante la corrección de errores y la creación de modelos más precisos
Desventajas	Puede aumentar el sesgo y no mejorar la precisión si los modelos del conjunto son similares	Puede ser más propenso al sobreajuste y al ruido si se usa un modelo débil o ruidoso

XGBOOST

XGBOOST

El software más utilizado en Boosting es <u>XGBoost</u>, una implementación del Boosting de gradiente estocástico desarrollado por Tianqi Chen y Carlos Guestrin en la Universidad de Washington.

En AdaBoost se usa una función exponencial para ponderar cada residuo, con XGBoost se utiliza al gradiente de la función de costo y con ello se pondera a los residuos y los weak learners.

XGB00ST

El modelo XGBoost tiene muchísimos hiperparámetros. Dos parámetros muy importantes son:

- subsample: Controla la fracción de observaciones que se deben muestrear en cada iteración. El uso de submuestra hace que actúe como un bosque aleatorio excepto que el muestreo se realiza sin reemplazo (Pasting).
- eta: Un factor de contracción aplicado a cada α_m de cada nuevo árbol que se va a agregando, el cual reduce el peso a las muestras mal clasificadas o con más error. El parámetro de contracción eta es útil para evitar el sobreajuste.

XGB00ST

En Python, XGBoost tiene dos interfaces:

- Una propia más cercana al paradigma funcional (cercana a R).
- Una que imita al API de Scikit-Learn. Para ser consistente con otros métodos de Scikit-Learn, algunos parámetros son renombrados, como por ejemplo eta se llama learning_rate.

Otra capacidad que presenta XGBoost, dado su facilidad de tener overfitting es regularización. Para ello se presenta dos parámetros que controlan dos partes:

- reg_alpha: El cual corresponde a una regularización L1 (Lasso)
- reg_lambda: El cual corresponde a una regularización L2 (Ridge)

Incrementar estos parámetros, penalizarán modelos y reducirán el tamaño de los árboles.

Otra implementación de este tipo de modelos muy popular es LightGBM.

VAMOS A PRÁCTICAR UN POCO...