R Kurzreferenz

Karsten Lübke

Vorbemerkungen

Eine Übersicht von nützlichen R Funktionen innerhalb der Datenanalyse.

Diese Kurzreferenz beschreibt ein kleinen Teil der R Funktionen, wobei größtenteils auf das Zusatzpaket mosaic zurückgegriffen wird. Sie basiert größtenteils auf der Vignette Minimal R von Randall Pruim.

Weitere Hilfe und Beispiele finden Sie, wenn Sie

?Befehl

eingeben.

- R unterscheidet zwischen Groß- und Kleinbuchstaben
- R verwendet den Punkt . als Dezimaltrennzeichen
- Fehlende Werte werden in R durch NA kodiert
- Kommentare werden mit dem Rautezeichen # eingeleitet; der Rest der Zeile von von R dann ignoriert.
- R wendet Befehle direkt an
- R ist objektorientiert, d. h. dieselbe Funktion hat evtl. je nach Funktionsargument unterschiedliche Rückgabewerte
- Zusätzliche Funktionalität kann über Zusatzpakete hinzugeladen werden. Diese müssen ggf. zunächst installiert werden
- Mit der Pfeiltaste nach oben können Sie einen vorherigen Befehl in der Konsole wieder aufrufen
- Eine Ergebniszuweiseung erfolgt über <-

Innerhalb von mosaic:

```
analysiere(y ~ x | z , data=Daten)
```

d. h., modelliere y in Abhängigkeit von x getrennt bzw. bedingt für z aus dem Datensatz Daten. Dabei können Teile (z. B. y und/ oder z) fehlen.

Zusatzpakete müssen vor der ersten Benutzung einmalig installiert und geladen werden:

```
install.packages("Paket") # Einmalig installieren
library(Paket) # Laden, einmalig in jeder Sitzung
```

Daten

Daten einlesen und Datenvorverarbeitung sind häufig der (zeitlich) aufwendigste Teil einer Datenanalyse. Da die Daten die Grundlage sind, sollte auch hier sorgfältig gearbeitet und überprüft werden.

Daten einlesen

```
read.table() # Allgemeinen Datensatz einlesen. Achtung: Optionen anpassen read.csv2() # csv Datensatz einlesen (aus deutschsprachigem Excel) file.choose() # Datei auswählen meineDaten <- read.csv2(file.choose())
```

U. a. mit Hilfe des Zusatzpaketes readxl können Excel Dateien eingelesen werden:

```
meineDaten <- read_excel(file.choose())</pre>
```

¹Beim Mac ist ~ die Tastenkombination alt+n, | die Tastenkombination alt+7

Daten verarbeiten

```
str() # Datenstruktur
head() # Obere Zeilen
tail() # Untere Zeilen
nrow(); ncol() # Anzahl Zeilen; Spalten
rownames(); colnames() # Zeilennamen, Spaltennamen
```

Daten transformieren

Einzelne Variablen eines Datensatzes können über \$ ausgewählt werden: Daten\$Variable. Allgemein kann über Daten[i,j] die i. Zeile und j. Spalte ausgewählt werden, wobei auch mehrere oder keine Zeile(n) bzw. Spalte(n) ausgewählt werden können. Über c() wird ein Vektor erzeugt.

```
as.factor() # Daten als Faktoren definieren
relevel() # Faktorstufen umordnen
droplevels() # Ungenutzte Faktorstufen entfernen
recode() # Umkodierung von Werten, Paket car
as.numeric() # Faktorstufen als numerische Daten verwenden
cut() # Aufteilung numerischer Werte in Intervalle

subset() # Teilmenge der Daten auswählen
na.omit() # Zeilen mit fehlenden Werten entfernen

log() # Logarithmusfunktion
exp() # Exponentialfunktion
sqrt() # Quadratwurzelfunktion
abs() # Betragsfunktion

rowSums() # Zeilensumme
rowMeans() # Zeilenmittelwert
```

Innerhalb des Paketes dplyr (wird mit mosaic geladen) gibt es u. a. folgende Funktionen:

```
filter() # Filtert Beobachtungen eines Datensatzes
select() # Wählt Variablen eines Datensatzes aus
mutate() # Erzeugt neue Variable bzw. verändert bestehende
rename() # Benennt Variablen um
arrage() # Sortiert Beobachtungen eines Datensatzes
```

Dabei übergibt die "Pfeife" %>% das Ergebnis der vorhergehenden Funktion an die folgende.

Grafische Verfahren

Vor jeder mathematisch-statistischen Analyse sollte eine explorative, grafische Analyse erfolgen. Die folgenden Befehle sind aus dem Paket mosaic.

```
bargraph() # Balkendiagramm
histogram() # Histogramm
bwplot() # Boxplot
xyplot() # Streudiagramm
```

Nicht aus dem Paket mosaic sind:

```
mosaicplot() # Mosaicplot
corrplot() # Korrelationsplot, Paket corrplot
ggpairs() # Matrixplot, Paket GGally
heatmap() # Heatmap
```

Deskriptive Statistik

Eine gute Zusammenfassung liefert der mosaic Befehl:

```
favstats()
```

Ansonsten (mosaic angepasst):

```
tally() # Tabellierung, Häufigkeiten
prop() # Anteile
mean() # Arithmetischer Mittelwert
median() # Median
sd() # Standardabweichung
var() # Varianz
IQR() # Interquartilsabstand
cov() # Kovarianz
cor() # Korrelationskoefizient
```

Inferenzstatistik

Randomisierung, Simulationen

Größtenteils mosaic:

```
set.seed() # Zufallszahlengenerator setzen
rflip() # Münzwurf
do() # Wiederholung (Schleife)
sample() # Stichprobe ohne Zurücklegen
resample() # Stichprobe mit Zurücklegen
shuffle() # Permutation
rnorm() # Normalverteilte Zufallszahlen
```

Verteilungen

Innerhalb der Funktionen müssen ggf. die Parameter, d. h. mean=, sd=, bzw. df= angepasst werden.

```
pchisq() # Verteilungsfunktion Chi² Verteilung
qchisq() # Quantilsfunktion Chi² Verteilung
pnorm() # Verteilungsfunktion Normalverteilung
qnorm() # Quantilsfunktion Normalverteilung
pt() # Verteilungsfunktion t-Vverteilung
qt() # Quantilsfunktion t-Vverteilung
```

Analoger Aufbau für weitere Verteilungen, z. B. _pniom(), _f().

Testverfahren

Einige der Testverfahren wurden von ${\tt mosaic}$ angepasst.

```
t.test() # t-Test
prop.test() # Binomialtest (approximativ)
xchisq.test() # Chi²-Test
aov() # Varianzanalyse
```

Der Nicht-parametrische Wilcoxon-Test wilcox.test() ist nicht im Paket mosaic, hat daher einen leicht anderen Funktionsaufruf. Einen Test auf Normalverteilung führt der Shapiro-Wilk Test durch: shapiro.test().

Multivariate Verfahren

```
lm() # Lineare Regression
glm(, family="binomial") # Logistische Regression
plotModel() # Modell zeichnen
coef() # Koeffizienten extrahieren
residuals() # Residuen einer Regression
fitted() # Angepasste Werte einer Regression
predict() # Vorhersagen
```

In mosaic kann das Ergebnis einer solchen Regression über makeFun() in eine einfache mathematische Funktion überführt werden. plotFun() zeichnet das Ergebnis. step() führt eine Variablenselektion durch.

Weitere Verfahren - nicht mosaic:

```
hclust() # Hierachsiche Clusteranalyse
kmeans() # k-Means Clusterverfahren
prcomp() # Hauptkomponentenanalyse (PCA)
rpart() # Klassifikations- und Regressionsbäume, Paket rpart
```

Versionshinweise:

Erstellt von Karsten Lübke unter der Lizenz Creative Commons Attribution-ShareAlike 3.0 Unported.

• Datum erstellt: 2017-05-24

R Version: 3.4.0mosaic Version: 0.14.4