

1.1 Sporządź wykresy kwantylowe normalne dla prób losowych o licznosciach 10, 50, 100 i 500 pochodzących z rozkładów:

- a) normalnego  $N(0, 1)$ ,
- b) gamma z parametrami 2 i 2,
- c) Cauchy'ego z parametrami 0 i 1.

1.2 Stwórz macierz  $A = \begin{bmatrix} -1 & 4 \\ -2 & 5 \end{bmatrix}$ .

- (a) Znajdź jej rozkład spektralny korzystając z funkcji `eigen()`:

$$A = PDP^{-1}.$$

- (b) Sprawdź, że po wymnożeniu odpowiednich macierzy, będących wynikiem działania funkcji `eigen()`, można otrzymać macierz  $A$ .

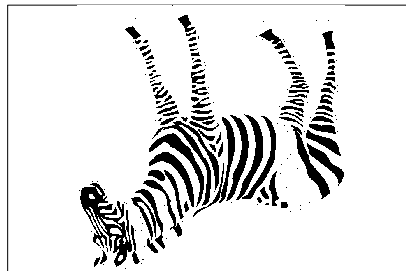
- (c) Narysuj wektory bazy, w której przekształcenie związane z  $A$  jest reprezentowane przez macierz diagonalną (przydatna funkcja: `arrows`).

- (d) Znajdź rozkład spektralny dla macierzy  $B = \begin{bmatrix} 2 & 1 \\ 1 & 2 \end{bmatrix}$ . Co możemy powiedzieć o  $P^{-1}$ ?

- (e) Porównaj rozkład spektralny macierzy  $A'A$  z rozkładem SVD macierzy  $A$  (funkcja `svd`).

1.3 Wczytaj obrazek

```
M <- as.matrix(read.csv("zebra.csv"))  
image(M, asp=TRUE, col=c("white", "black"), xaxt = "n", yaxt = "n")
```



- (a) Zastosuj rozkład SVD dla macierzy  $M$ .

- (b) Odtwórz macierz  $M$  korzystając z 50%, 10%, 4% i 2% największych wartości singularnych (pozostałe zastąp zerami).

- (c) Narysuj wykresy dla każdego poziomu kompresji z poprzedniego podpunktu (rysowanie 4 wykresów jednocześnie - `par(mfrow=c(2,2))`).

- (d) Narysuj wykres wartości singularnych. Nanieś na wykres pionowe linie po 50%, 10%, 4% i 2% wszystkich wartości.