#Eksamensoppgave for gruppe 1. RMED901

#Forfattere: Fabian Gartner, Anna Kleppe Moe og Silje Johansen

#Opprettet 09.09.24

#Sist oppdatert 09.09.24

.

1.Lage felles repository og nytt prosjekt i R-studi. Systematisere filene i en naturlig struktur med tilgang for alle;

# Ene gruppemedlemet opprettet et nytt repository på github; kalt group1

# Gruppeoppretter deler med øvrig medlemmer

# Samtlige gruppemeldlemmer ser at det er registrert og mottatt innbydelse i github.

# Ene gruppemedlem åpner nytt prosjekt i R studio, Group1, via version control og bruker SSH-kode funnet i github ved repository

# Øvrig medlem åpner nytt prosjekt og henter da samme versjon via SSH nøkkel og version control.

# Se til at alle har et R psojekt med samme titulering av versjon, vanligvis master

# Ene gruppemedlem laster ned samtlige filer fra nett som hører til oppgave

# Ulike filer lagres i ulike mapper systematisk.Fx egen datafil

# Ene gruppemedlem lager en ny scriptfil koding samt en README fil for beskrivelse

# Samtlige filer krysses av i git for staged- comit og til slutt push

# Øvrig gruppemedlem ser oppdatert versjon i github.

# Øvrig gruppemedlem kan pull via git i R studio og få siste versjon av filer og mappesortering

2.Lese og rydde datasettet;

# Åpne aktuelle bibliotek for å rydde aktuelt datasett

# I eksamensoppgave library(tidyverse) og library(here)

# read funksjon for å lese datasettet.

# here bibliotek lager forkortet veg som må presiseres for hvor finne datasett, se kode for spesifikasjon

# Lag et eget navn på nytt objekt som inneholder nedlastet data

# se at data, med eget nytt navn(her; dataset) kjem som obejekt i environment

# Få oversikt på nedlastet data og utføre endringer for bedre struktur

# I datasettet er noen pasienter ført flere ganger, bla pga variabelen feature type som inneholder både race og sex

# Endrer variabelnavn for å hindre dobbeltføring