#### Elementi di Bioinformatica

#### Gianluca Della Vedova

Univ. Milano-Bicocca http://gianluca.dellavedova.org

10 ottobre 2019

## Pattern matching su suffix array

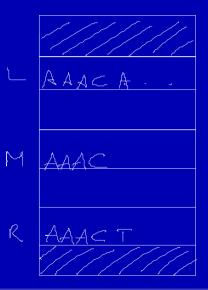
Occorrenza P in T

Suffissi di T che iniziano con P

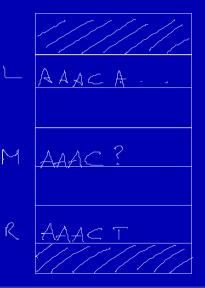
#### Ricerca in SA

- Ricerca dicotomica
- Tempo  $O(m \log n)$  caso pessimo
- Controllare tutto *P* ad ogni iterazione
- $\log_2 n$  iterazioni

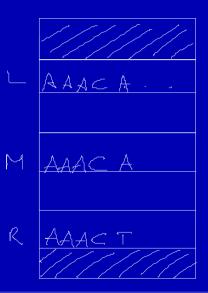
- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



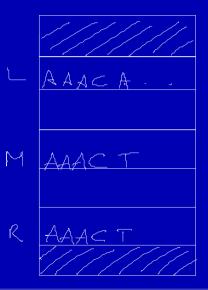
- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri

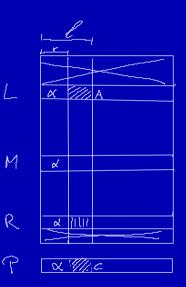


```
l: lcp(L, P); r: Lcp(R, P)
```

1 Caso 1: l > r

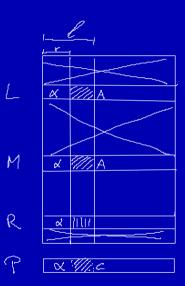
l: lcp(L,P); r: Lcp(R,P)

1 Caso 1: l > r

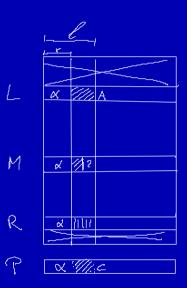


# 1 Caso 1: l > rLcp(L,M) > lM 2 1/1/ A R X MIC

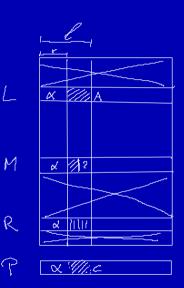
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$



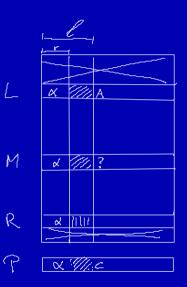
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - Lcp(L,M) < l



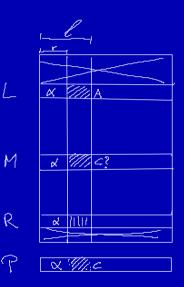
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$



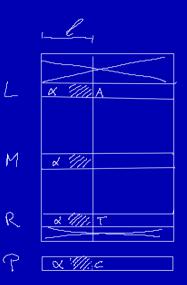
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$
  - Lcp(L,M)=l



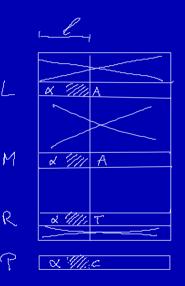
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$
  - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]



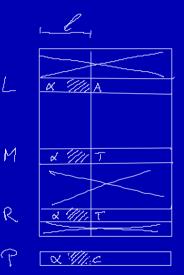
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
  - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r



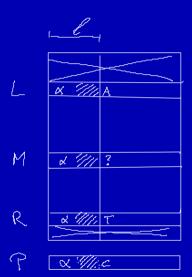
- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$
  - Lcp(L, M) =  $l \Rightarrow$  confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
  - Lcp(L,M) > l



- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
  - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
  - Lcp(L,M) > l
  - Lcp(M,R) > l



- 1 Caso 1: l > r
  - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
  - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$   $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
  - Lcp(L, M) =  $l \Rightarrow$  confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
  - Lcp(L,M) > l
  - Lcp(M,R) > l
  - Lcp(L,M) = Lcp(M,R) = l



Iterazione 1: (L,R) = (1,n)

- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1, n/2) oppure (n/2, n)

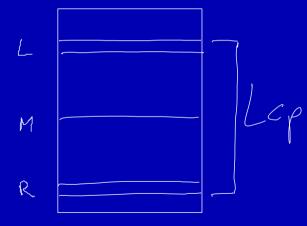
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione  $k: L = h \frac{n}{2^{k-1}}, R = (h+1) \frac{n}{2^{k-1}}$

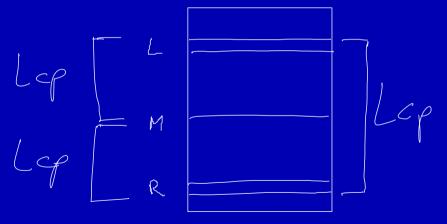
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione  $k: L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}, R = (h+1)_{\frac{n}{2^{k-1}}}$
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$ : R = L + 1, Lcp(h, h + 1)

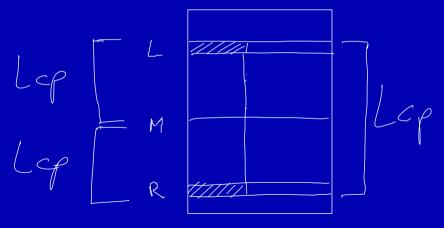
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione  $k: L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}, R = (h+1)_{\frac{n}{2^{k-1}}}$
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$ : R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil 1$ : aggrego i risultati dell'iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$

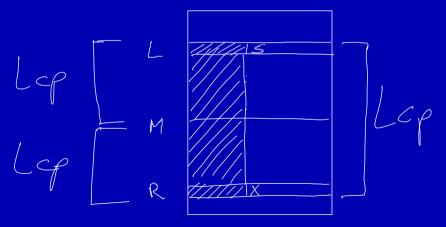
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2:  $(L,R) = \overline{(1,n/2)}$  oppure (n/2,n)
- Iterazione  $k: L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}, R = (h+1)_{\frac{n}{2^{k-1}}}$
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$ : R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil 1$ : aggrego i risultati dell'iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$
- Iterazione k:  $Lcp(h_{\frac{n}{2^{k-1}}}, (h+1)_{\frac{n}{2^{k-1}}})$

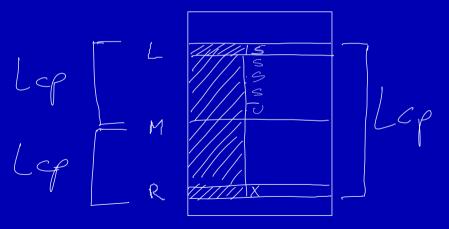
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione  $k: L = h \frac{n}{2^{k-1}}, R = (h+1) \frac{n}{2^{k-1}}$
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$ : R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil 1$ : aggrego i risultati dell'iterazione  $\lceil \log_2 n \rceil$
- Iterazione k:  $Lcp(h\frac{n}{2^{k-1}}, (h+1)\frac{n}{2^{k-1}})$
- $t = \frac{n}{2^k}, Lcp(2ht+1,(2h+2)t)) = \min\{Lcp(2ht+1,(2h+1)t), Lcp((2h+1)t+1,(2h+2)t), Lcp((2h+1)t,(2h+1)t+1)\}$











Passaggio da s a z deve esistere

#### Acceleranti 2: Osservazione

Tempo per trovare un'occorrenza

#### Acceleranti 2: Osservazione

- Tempo per trovare un'occorrenza
- Tempo per trovare tutte le occorrenze?

#### Acceleranti 2: Osservazione

- Tempo per trovare un'occorrenza
- Tempo per trovare tutte le occorrenze?
- O(n+m+k), per k occorrenze

## Costruzione suffix array: nuovo alfabeto

- Alfabeto  $\Sigma$  con  $\sigma$  simboli, testo T lungo n
- Aggrego triple di caratteri
- Alfabeto  $\Sigma^3$  con  $\sigma^3$  simboli, testo lungo n/3
- $T_1 = (T[1], T[2], T[3]) \cdots (T[3i+1], T[3i+2], T[3i+3]) \cdots$   $T_2 = (T[2], T[3], T[4]) \cdots (T[3i+2], T[3i+3], T[3i+4]) \cdots$   $T_0 = (T[3], T[4], T[5]) \cdots (T[3i], T[3i+1], T[3i+2]) \cdots$
- suffissi $(T) \Leftrightarrow \bigcup_{i=0,1,2}$  suffissi $(T_i)$

## Costruzione suffix array: ricorsione

- 1 Ricorsione su  $T_0T_1$
- 2 suffissi $(T_0T_1) \Leftrightarrow \text{suffissi}(T_0)$ , suffissi $(T_1)$
- suffissi $(T_0T_1) \Leftrightarrow \text{suffissi}(T_2)$
- 4  $T_2[i:] \approx T[3i+2:]$
- 5  $T[3i+2:] = T[3i+2]T[3i+3:] = T[3i+2]T_0[i+1:]$
- $_{\mathbf{6}}$  suffissi( $T_{0}$ ) ordinati
- 7 Radix sort
- 8 Fusione suffissi( $T_0T_1$ ), suffissi( $T_2$ )

### Costruzione suffix array: fusione

Confronto suffisso di  $T_0$  e  $T_2$ 

- $T_0[i:] <=> T_2[j:]$
- $T[3i:] \le T[3j+2:]$
- $T[3i]T[3i+1:] \le T[3j+2]T[3j+3:]$
- 4  $T[3i]T_1[i:] \le T[3j+2]T_0[j+1:]$

## Costruzione suffix array: fusione

Confronto suffisso di  $T_1$  e  $T_2$ 

- 1  $T_1[i:] <=> T_2[j:]$
- $T[3i+1:] \le T[3j+2:]$
- $T[3i+1]T[3i+2:] \le T[3j+2]T[3j+3:]$
- T[3i+1]T[3i+2]T[3i+3:] <=> T[3j+2]T[3j+3]T[3j+4:]
- 5  $T[3i+1]T[3i+2]T_0[i+1:] \le T[3j+2]T[3j+3]T_1[j+1:]$



- 1 Juha Kärkkäinen, Peter Sanders and Stefan Burkhardt. Linear work suffix array construction. J. ACM, 53 (6), 2006, pp. 918-936.
- 2 Difference cover (DC) 3
- 3 Stefan Burkhardt and Juha Kärkkäinen. Fast lightweight suffix array construction and checking In Proc. 14th Symposium on Combinatorial Pattern Matching (CPM '03), LNCS 2676, Springer, 2003, pp. 55-69.
  - http://www.stefan-burkhardt.net/CODE/cpm\_03.tar.gz
- 4 Yuta Mori. SAIS https://sites.google.com/site/yuta256/

k stringhe  $\{s_1, \ldots, s_k\}$ 

1 Suffix tree generalizzato



- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x
- $C_x[i]$ : sottoalbero con radice x ha una foglia di  $s_i$

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x
- **3**  $C_x[i]$ : sottoalbero con radice x ha una foglia di  $s_i$
- $C_x = \bigvee C$  sui figli di C

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x
- **3**  $C_x[i]$ : sottoalbero con radice x ha una foglia di  $s_i$
- $C_x = \bigvee C$  sui figli di C
- Solution Nodo z,  $C_z = \text{tutti } 1$

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x
- $C_x[i]$ : sottoalbero con radice x ha una foglia di  $s_i$
- $C_x = \bigvee C \text{ sui figli di } C$
- Solution Nodo z,  $C_z = \text{tutti } 1$
- 6 Tempo O(kn)

- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore  $C_x[1:k]$  per ogni nodo x
- **3**  $C_x[i]$ : sottoalbero con radice x ha una foglia di  $s_i$
- $C_x = \bigvee C$  sui figli di C
- Solution Nodo z,  $C_z = \text{tutti } 1$
- 6 Tempo O(kn)
- 7 *n*: summa lunghezze  $|s_1| + \cdots + |s_k|$

### Lowest common ancestor (lca)

### Dati albero T e 2 foglie x, y

- z è antenato comune di x, y se z è antenato di entrambi x e y
- z è lca di x, y se:
  - z è antenato comune di x e y
  - 2 nessun discendente di z è antenato comune di x e y

#### **Proprietà**

- Preprocessing di T in tempo O(n)
- Calcolo lca(x, y) in tempo O(1)
- Algoritmo complesso, ma pratico

#### Arricchimento ST

**1**  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x

- **1**  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia

- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$

- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4  $D_x[i]$ : numero di consecutive di foglie di  $s_i$ , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x

- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4  $D_x[i]$ : numero di consecutive di foglie di  $s_i$ , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x



- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4  $D_x[i]$ : numero di consecutive di foglie di  $s_i$ , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- $S_{x}[i] = 0 \Rightarrow D_{x}[i] = 0$



- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4  $D_x[i]$ : numero di consecutive di foglie di  $s_i$ , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- 5  $N_x[i] = 0 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- 6  $N_x[i] = 1 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- $N_{\scriptscriptstyle X}[i] \geq 1 \Rightarrow D_{\scriptscriptstyle X}[i] = N_{\scriptscriptstyle X}[i] 1$



- 1  $N_x[i]$ : numero foglie di  $s_i$  discendenti di x
- $N_x[i] = 0$  o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4  $D_x[i]$ : numero di consecutive di foglie di  $s_i$ , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- 5  $N_x[i] = 0 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- $7 N_x[i] \ge 1 \Rightarrow D_x[i] = N_x[i] 1$



#### Gestione ST

- Visita depth-first di *ST*
- $L_i$ : lista ordinata delle foglie di  $s_i$
- Per ogni coppia x, y consecutiva in  $L_i$ 
  - 1  $z \leftarrow lca(x, y)$
  - $D_{z}[i] =$
  - 3 Aggiorna  $C_z$

### Licenza d'uso

Quest'opera è soggetta alla licenza Creative Commons: Attribuzione-Condividi allo stesso modo 4.0. (https://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/). Sei libero di riprodurre, distribuire, comunicare al pubblico, esporre in pubblico, rappresentare, eseguire, recitare e modificare quest'opera alle seguenti condizioni:

- Attribuzione Devi attribuire la paternità dell'opera nei modi indicati dall'autore o da chi ti ha dato l'opera in licenza e in modo tale da non suggerire che essi avallino te o il modo in cui tu usi l'opera.
- Condividi allo stesso modo Se alteri o trasformi quest'opera, o se la usi per crearne un'altra, puoi distribuire l'opera risultante solo con una licenza identica o equivalente a questa.