



การใช้แบบจำลองเครือข่าย DTN เพื่อศึกษาแนวโน้มการแพร่กระจายของโรคระบาด

จัดทำโดย

นาย ภูริณัฐ	จิตมนัส	รหัสนักศึกษา 61070171
นาย วัฒนวิทย์	มิ่งเชื้อ	รหัสนักศึกษา 61070205
นาย วิศรุต	แก้วงาม	รหัสนักศึกษา 61070210

อาจารย์ประจำวิชา

ผศ.ดร. สุเมธ ประภาวัต

รายงานนี้เป็นส่วนหนึ่งของวิชา 06016337 Network Performance

หลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิตสาขาวิชาเทคโนโลยีสารสนเทศ

ภาคเรียนที่ 2 ปีการศึกษา 2563

คณะเทคโนโลยีสารสนเทศสถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง

## บทคัดย่อ

สร้างแบบจำลองการส่งข้อมูลแบบ DTN เพื่อศึกษาการแพร่ระบาดของไวรัสโดยทั้งพฤติกรรมของทั้งสองอย่างนี้ล้วนมีหลายสิ่งที่คล้ายๆกัน เช่น การส่งข้อมูลไปให้ host ที่ยังไม่มีสำเนาและบริบทอื่นๆที่สามารถสื่อถึงกันได้เป็นอย่างดี ทางผู้จัดทำจึงต้องการนำแบบจำลองที่สร้างขึ้นเพื่อศึกษาดูว่าตัวแปรใดสามารถส่งผลกระทบต่อการแพร่กระจายอย่างไรและตัวแปรใดมีผลต่อการแพร่ระบาดมากกว่ากัน

## บทนำ

DTN หรือ Delay-tolerant networking เป็นสถาปัตยกรรมเครือข่ายชนิดหนึ่งซึ่งถูกสร้างขึ้นมาเพื่อแก้ไขปัญหาบางประการที่ส่งผลกระทบต่อ การสื่อสารแบบ end-to-end เช่นสภาพแวดล้อมที่ การเชื่อมต่อมีสัญญาณรบกวน อุปกรณ์มักเคลื่อนที่ ไปในจุดอับสัญญาณจนการสื่อสารแบบปกติไม่มี ประสิทธิภาพ โดยวิธีการส่งจะเป็นการทำสำเนาฝาก ไปยังอุปกรณ์อื่นๆที่เข้าใกล้และส่งต่อไปเรื่อยๆจนถึง ปลายทางโดยพฤติกรรมในส่วนนี้มีความคล้ายคลึง กับการแพร่กระจายของไวรัส โดยเปรียบไวรัสเป็น สำเนาข้อมูล โฮสต์เป็นโหนดอุปกรณ์ time to live เป็นระยะเวลาที่โฮสต์สามารถรักษาตัวกลับมาได้ อัตราการใช้พลังงานเปรียบความสามารถของไวรัส ในการฆ่าคน เป็นต้น โดยสิ่งเหล่านี้สามารถนำมา สร้างแบบจำลองซึ่งอ้างอิงซึ่งกันและกันได้

## ทบทวนวรรณกรรม

แบบจำลองที่ทางผู้จัดทำสร้างขึ้นมาใช้ หลักการของ DTN และโมเดลการแพร่กระจายของ ไวรัสดังนี้

1. ความสามารถในการเคลื่อนที่ของโหนดจะ เป็นการเคลื่อนที่แบบสุ่ม
2. การค้นหาเส้นทาง (routing) จะเป็น ประเภท Replication-based protocols โดยเป็นการสร้างสำเนาข้อมูลไปให้ผู้ติดต่อ ทั้งหมด
3. จากข้อ 2. ทางผู้จัดทำได้ใช้หลักการเลือก เส้นทางที่มีชื่อว่า epidemic routing เป็น ประเภทหนึ่งของ Replication-based คือ ส่งสำเนาข้อมูลไปให้โหนดทุกตัวที่ยังไม่มี สำเนา ซึ่งเหมือนโรคระบาดที่จะติดคนที่ยัง ไม่เป็นโรค
4. โมเดลการแพร่ระบาดที่ผู้จัดทำจะกล่าวถึง จะใช้ 2 โมเดลเป็นหลักคือ SI และ SIR โดย สถานะ S-I-R (Susceptible- Infectious- Recovered) หมายถึง ประชากรที่อยู่ใน สถานะติดโรคได้ ประชากรที่ติดเชื้อแล้ว และประชากรที่ติดเชื้อและมีภูมิคุ้มกันแล้ว ตามลำดับ โดย state จะไม่มีการเดินทาง ย้อนกลับหรือก็คือสถานะ S ไปสถานะ I และสถานะ I ไป state R ได้เท่านั้น

**เป้าหมาย (Goals):** ศึกษาผลการแพร่กระจายของไวรัสจากตัวแปร 3 ตัวแปรหลัก คือ จำนวนโหนด ระยะทางในการแพร่ และ Time to live โดยจะทำการทดลองว่าการเพิ่ม-ลดค่าตัวแปรเหล่านั้นมีผลต่อความสามารถในการแพร่อย่างน้อยเพียงใดและเข้าข่ายโรคระบาดได้หรือไม่ตามโมเดลการแพร่ระบาดโรคปกติ

**การวัด (Metric):** ประเมินจาก

- ค่าเฉลี่ยเวลาในการแพร่ระบาดสู่ประชากร 99% คือระยะเวลาจากการทดลองโดยเฉลี่ยในการที่ผู้ติดเชื้อ 1 คนใช้ในการแพร่เชื้อสู่ประชากร 99%
- จำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด คือจำนวนผู้ติดเชื้อสะสมสูงสุดเทียบกับจำนวนประชากร
- อัตราการแพร่ระบาด คือจำนวนผู้ติดเชื้อที่เพิ่มขึ้นในหนึ่งหน่วยเวลาโดยเฉลี่ย

**วิธีการศึกษา (Method):** เป็นการทำ simulation model โดยใช้ภาษา python จำลองการเคลื่อนที่ของโหนดในพื้นที่หนึ่ง โดยโค้ดที่ใช้ และรูปกราฟผลการทดลองสามารถดูได้จาก

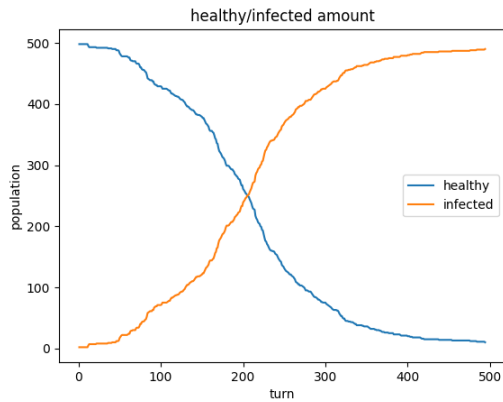
<https://github.com/FameIllusionMaya/DTN-Virus>

Simulation Parameter

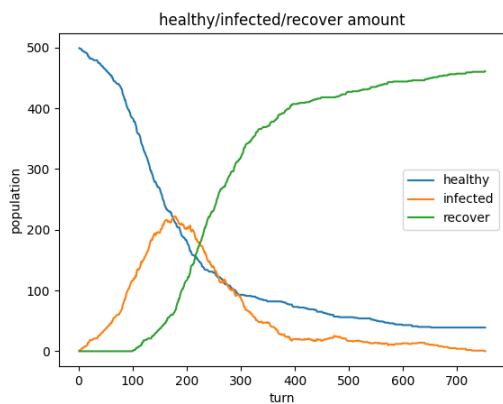
ตัวแปร	ค่า
ขนาดพื้นที่	1000*1000 หน่วย* 667*667 หน่วย
ขนาดโหนด	1*1 หน่วย
ลักษณะการเคลื่อนที่	สุ่ม
ระยะการเดิน	-10 ถึง 10 ในแกน x และ y
จำนวนโหนด	[500*, 750]
ระยะทางแพร่	[24*, 36]
Time to live	[100*, 150]

\*แทนค่า default

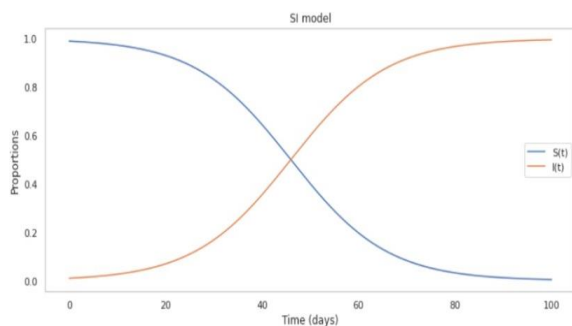
**เปรียบเทียบแบบจำลอง:** กราฟผลลัพธ์จากแบบจำลองที่สร้างขึ้นมา เมื่อนำมาเปรียบเทียบกับแบบจำลองการแพร่ระบาดของไวรัสพบว่าทิศทางของผลลัพธ์มีความคล้ายคลึงกันทั้งในโมเดล SI และ SIR ดังนั้นจึงสามารถสรุปได้ว่าแบบจำลอง DTN สามารถนำมาอธิบายการแพร่กระจายของไวรัสได้ และ simulation model ที่สร้างขึ้นสามารถใช้อ้างอิงผลลัพธ์ได้อย่างที่หวัง (ในรูปที่ 1.1 และ 1.2 คือผลลัพธ์ที่ได้จาก simulation model ที่สร้างขึ้นมาเองและรูปที่ 2.1 และ 2.2 คือผลลัพธ์จากแบบจำลองการแพร่ระบาด mathematical model โดยทั่วไป) โดยกำหนดค่าตัวแปร จำนวนโหนด ระยะการแพร่ และ time to live คือ 500 24 100 ตามลำดับ



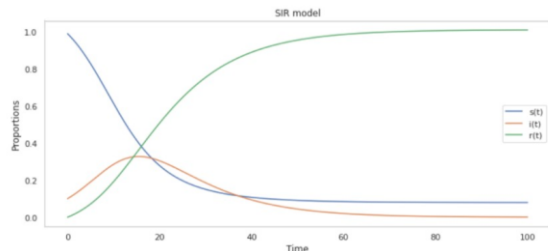
รูปที่ 1.1 แบบจำลอง simulation แบบ SI



รูปที่ 1.2 แบบจำลอง simulation แบบ SIR

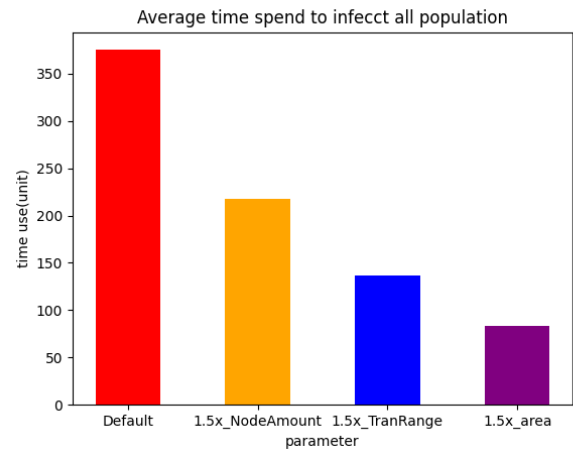


รูปที่ 2.1 แบบจำลองการแพร่ระบาดแบบ SI



รูปที่ 2.2 แบบจำลองการแพร่ระบาดแบบ SIR

## ผลลัพธ์ระยะเวลาในการแพร่เชื้อสู่ประชากร 99%



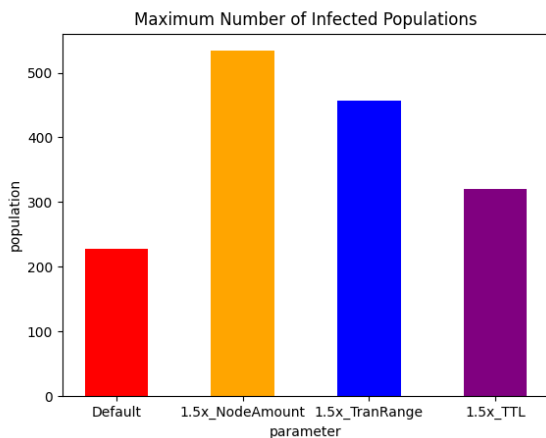
รูปที่ 3 กราฟแสดงระยะเวลาในการแพร่ระบาด

จากกราฟเป็นการทดลองโดยใช้แบบจำลอง SI เพื่อหาระยะเวลาในการแพร่ไวรัสจากผู้ติดเชื้อ 1 คนสู่ประชากร 99% (ติดเชื้อ 495 คนจาก 500 คน ในแบบจำลอง) โดยทำการทดลองทั้งหมด 200 รอบ และหาค่าเฉลี่ยซึ่งได้ผลลัพธ์ตามกราฟ

ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-ขนาดพื้นที่การทดสอบ ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกันดังนี้ กราฟสีแดง (500-24-1000\*1000) กราฟสีส้ม (750-24-1000\*1000) กราฟสีน้ำเงิน (500-36-1000\*1000) กราฟสีม่วง (500-36-1000\*1000) โดยกราฟสีแดงเป็นค่าเริ่มต้นส่วนกราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรให้มากกว่าค่าเริ่มต้นอีก 0.5 เท่า ยกเว้นขนาดพื้นที่ซึ่งปรับให้ขนาดตั้งต้นมีขนาดเป็น 1.5 เท่าของค่าที่ใช้ในการทดลองเนื่องจากยิ่งขนาดพื้นที่เล็กประสิทธิภาพการแพร่ระบาดดีกว่าพื้นที่ใหญ่ โดยภาพรวมแล้ว ตัวแปรที่ใช้ระยะเวลาในการแพร่เชื้อ

จากผู้ติดเชื้อ 1 คนสู่ประชากร 99% ได้เร็วที่สุด คือ ขนาดพื้นที่ ระยะทางการแพร่เชื้อ จำนวนประชากร และค่าเริ่มต้น ตามลำดับ โดยใช้ระยะเวลาในการแพร่เชื้อโดยเฉลี่ย คือ 83.44 136.155 217.215 และ 375.215 หน่วย ตามลำดับ ซึ่งมีปริมาณต่ำกว่าค่าเริ่มต้นอยู่ที่ 4.496 2.755 และ 1.727 เท่า ตามลำดับ

#### ผลลัพธ์การทดลองจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด:



รูปที่ 4 กราฟแสดงจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด

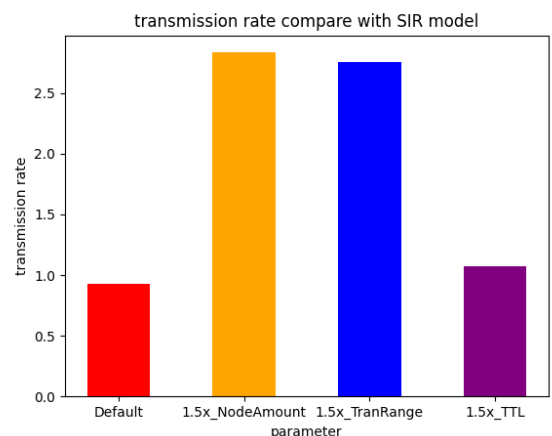
จากกราฟเป็นผลการทดลองโดยใช้

แบบจำลอง SIR เพื่อหาจำนวนผู้ที่ยังติดเชื้อสูงสุด โดยจะทำการทดลองทั้งหมด 200 รอบและหาค่าเฉลี่ยซึ่งได้ผลลัพธ์ตามกราฟ

ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-เวลาในการรักษา(time to live) ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกัน ดังนั้น กราฟสีแดง (500-24-100) กราฟสีส้ม (750-24-100) กราฟสีน้ำเงิน (500-36-100) กราฟสีม่วง

(500-36-150) โดยกราฟสีแดงเป็นค่าเริ่มต้นส่วนกราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรให้มากกว่าค่าเริ่มต้นอีก 0.5 เท่า โดยภาพรวมแล้ว ตัวแปรที่เพิ่มจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด คือ จำนวนโหนด ระยะทางการแพร่เชื้อ ระยะเวลาในการรักษา และค่าตั้งต้น โดยมีผู้ติดเชื้อพร้อมกันใน 1 หน่วยเวลาสูงสุดโดยเฉลี่ย คือ 533.83 456.205 319.92 และ 228.22 คน ตามลำดับ ซึ่งมีปริมาณสูงกว่าค่าเริ่มต้นอยู่ที่ 2.33 1.99 และ 1.4 เท่า ตามลำดับ

#### ผลลัพธ์การทดลองอัตราการแพร่ระบาด:



รูปที่ 5 กราฟแสดงอัตราการแพร่ระบาด

จากกราฟเป็นผลการทดลองโดยใช้

แบบจำลอง SIR เพื่อหาอัตราการแพร่ระบาด โดยอัตราการแพร่ระบาดคิดจากจำนวนผู้ติดเชื้อโดยรวมทั้งหมดหารด้วยระยะเวลาในการทดลอง ซึ่งระยะเวลาจะเพิ่มขึ้นไปเรื่อยๆจนกว่าทุกคนติดเชื้อทั้งหมด หรือผู้ติดเชื้อหายดีทั้งหมด โดยจะทำการ

ทดลองทั้งหมด 200 รอบและหาค่าเฉลี่ยซึ่งได้ผลลัพธ์ตามกราฟ

ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-เวลาในการรักษา(time to live) ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกัน ดังนี้ กราฟสี่แดง (500-24-100) กราฟสี่ส้ม (750-24-100) กราฟสีน้ำเงิน (500-36-100) กราฟสีม่วง (500-36-150) โดยกราฟสี่แดงเป็นค่าเริ่มต้นส่วนกราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรให้มากกว่าค่าเริ่มต้นอีก 0.5 เท่า โดยภาพรวมแล้ว ตัวแปรที่เพิ่มประสิทธิภาพในการแพร่ระบาดได้สูงสุด คือ จำนวนโหนด ระยะทางการแพร่เชื้อ ระยะเวลาในการรักษา และค่าเริ่มต้น โดยมีอัตราการแพร่เชื้อ คือ 2.835 2.757 1.07 และ 0.924 คนต่อหนึ่งหน่วยเวลา ตามลำดับ ซึ่งมีปริมาณสูงกว่าค่าเริ่มต้นอยู่ที่ 3.068 2.983 และ 1.158 เท่า ตามลำดับ

### ประโยชน์ของแบบจำลอง

- สามารถนำไปวิเคราะห์การแพร่ระบาดของไวรัสในภาพรวมได้
- สามารถวิเคราะห์ได้ว่าไวรัสเหล่านั้นมีแนวโน้มเป็นโรคระบาดหรือไม่ โดยวิเคราะห์จากกราฟอัตราการติดเชื้อในหน่วยเวลา ถ้าผลส่วนนั้นมีค่ามากกว่าอัตราการรักษาในหนึ่งหน่วยเวลา หมายความว่าไวรัสนั้นมีแนวโน้มที่จะก่อให้เกิดโรคระบาด

### สรุปผลการทดลอง

ในรายงานฉบับนี้ได้ใช้ตัวแปรที่ส่งผลต่อการแพร่ระบาดมาประมวลผลโดยใช้แบบจำลองที่สร้างขึ้นจากแบบจำลอง DTN หรือ delay tolerant network เพื่อจำลองการแพร่ระบาดของไวรัส ซึ่งจะจำลองการแพร่ระบาดแบบ SI และ SIR

ผลการจำลองแสดงให้เห็นว่า ตัวแปรที่ทำให้ไวรัสสามารถแพร่กระจายได้เร็วที่สุดคือ ขนาดพื้นที่ ระยะทางการแพร่เชื้อ และจำนวนประชากรตามลำดับ ซึ่งขนาดพื้นที่เล็กจะแพร่เชื้อได้ดีกว่าขนาดพื้นที่ใหญ่ (แปรผกผันกัน) ตรงกันข้ามกับระยะทางการแพร่เชื้อ และจำนวนประชากร ที่ความสามารถในการแพร่เชื้อจะแปรผันตรงซึ่งกันและกัน

กรณีที่มีการคิดการฟื้นตัวและมีภูมิคุ้มกันจากไวรัส ระยะเวลาในส่วนนี้ก็ส่งผลเช่นกัน ซึ่งระยะเวลาในการรักษาจนมีภูมิคุ้มกันถึงจะมีส่วนที่ระยะเวลาในการถือเชื้อที่มากขึ้นจะมีโอกาสในการแพร่เชื้อที่มากขึ้น แต่ส่งผลน้อยกว่า จำนวนประชากร และระยะทางการแพร่เชื้อ

จำนวนผู้ติดเชื้อสะสมสูงสุดและอัตราการติดเชื้อในหนึ่งหน่วยเวลา จำนวนประชากรจะมีประสิทธิภาพดีกว่าระยะทางการแพร่เชื้อก็จริง แต่ผลลัพธ์ไม่ได้ต่างกันมาก

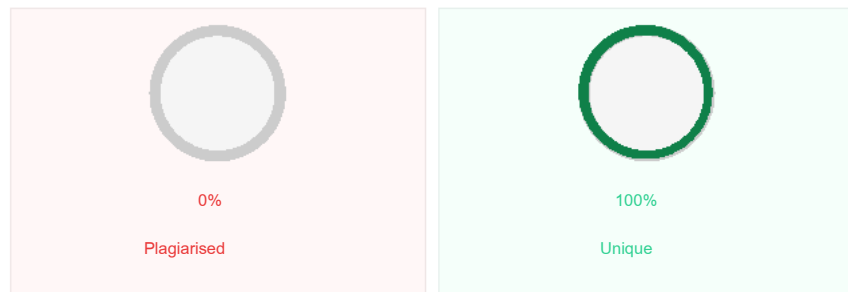
## เอกสารอ้างอิง

- คอนเซ็ปต์แบบจำลอง DTN และการแพร่กระจายของไวรัส  
[www.youtube.com/watch?v=niA-aZEZnsA&t=320s](http://www.youtube.com/watch?v=niA-aZEZnsA&t=320s)
- โมเดลการแพร่ระบาด  
[www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7557303/?fbclid=IwAR2qBaaazKkxClbaiJDUVFsXtBickbTqWkBE3iH4A4ps-dTrDScgyr-JLo](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7557303/?fbclid=IwAR2qBaaazKkxClbaiJDUVFsXtBickbTqWkBE3iH4A4ps-dTrDScgyr-JLo)
- รูปภาพผลการแพร่ระบาดแบบ SI และ SIR  
[www.medium.com/data-นำฟาด/sir-model-คืออะไร-และใช้คาดคะเนการระบาดของโรคได้อย่างไร-e79c487e26b9](http://www.medium.com/data-นำฟาด/sir-model-คืออะไร-และใช้คาดคะเนการระบาดของโรคได้อย่างไร-e79c487e26b9)

## ภาคผนวก

- ข้อมูลแบบจำลองสามารถดูได้ที่  
[www.github.com/FamellusionMaya/DTN-Virus](https://www.github.com/FamellusionMaya/DTN-Virus)
- รูปภาพใน folder graph
- ผลลัพธ์จากการประมวลผล 200 รอบใน folder result

## Words Statistics



Words	416 / 1000
<hr/>	
Characters	8774

การใช้แบบจำลองเครือข่ายDTN เพื่อศึกษาแนวโน้มการแพร่กระจายของโรคระบาดจัดทำโดยนายภูริณัฐจิตมนสรพสนกศศึกษา 61070171 นาย วฒนวิทย์มิ่งเช อีรหสนกศ ศึกษา 61070205 นาย วิศรุต แก้วงาม รหสนกศ ศึกษา 61070210 อาจารย์ประจำวิชาฟศ.ดร. สุเมธประภาวตตร. ประพนธ์ปวรางกูรรายงานนี้เ ป็นสจ่นหนึ่ง๑ ของวิชา06016337 Network Performance หลกสูตรวิทยาศาสตร์บัณฑิตสาขาวิชาเทคโนโลยีสารสนเทศ ภาคเรียนที่๑ 2 ปีการศึกษา 2563 คณะ เทคโนโลยีสารสนเทศสถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง บทคัดย่อ สร้างแบบจำลองการส่งข้อมูลแบบDTN เพื่อศึกษาการแพร่ระบาดของไวรัสโดยท๑ งพฤติกรรมของท๑ งสองอย่างนี้ล□วันมีหลายสายๆกันเข้าส งข้อมูลไปให้host ที่ย๑ งไม่มีส จंनाและบริบทอื่น๑ ๆที่ส๑ มาขึ้นได้เ ป็นอย่างดีทางผู้จัดทำจึงต้องการนำแบบจำลองที่ส๑ รางขึ้น๑ ก็นำมาดัดแปลงแปรใดสามารถส่งผลต่อการแพร่กระจายอย่างไรและดวแปรใดมีผลต่อการแพร่ระบาดมากกว่ากัน บทนำ DTN หรือ Delay-tolerant networking เป็นสถาปัตยกรรมเครือข่ายชนิดหนึ่ง๑ ซึ่ถูกสร้างขึ้น๑ มาเพื่อ๑ แก้ปัญหาบางประการที่ส่งผลกระทบต่อการใช้งานแบบ end-to-end เช เช่น สภาพแวดล้อมที่ก๑ ารเชื่อมต่อมีสัญญาณรบกวน อุปกรณ์เคลื่อน๑ นที่ไ๑ ไปในจุดอบสัญญาณจนเกิดรูปแบบปกติไม่มีประสิทธิภาพ โดยวิธีการส จะเป็นการทำสจंनाฝากไปยังอุปกรณ์อื่น๑ ๆที่เ๑ ขาเื่อไกลแต่ยังหรือ๑ ยๆจนถึงปลายทางโดยพฤติกรรมในนั้นเ □ีความคล้ายคลึงกับการแพร่กระจายของไวรัสโดยเปรียบไวรัสเป็นส จंनाข้อมูลโฮสต์เป็นโหนดอุปกรณ์time to live เป็นระยะเวลาที่ไ๑ โฮสต์สามารถรักษาตัวกลับมาได้อัตราการใช้ พลังงานเปรียบเทียบความสามารถของไวรัสในการฆ่าคนเป็นต้นโดยส จंनाเหล่านี้ส๑ มารถนำมาสร้างแบบจำลองซึ่งอ้างอิงถึงทั้งคนและกันได้พบทวนวรรณกรรมแบบจำลองที่ท๑ างผู้จัดทำดสร้างขึ้น๑ รหัสของการของ DTN และโมเดลการแพร่กระจายของไวรสดังนี้๑ 1. ความสามารถในการเคลื่อน๑ นที่ข๑ องโหนดจะเป็นการเคลื่อน๑ นที่เ๑ ขาแล้วคนหาเส นทาง (routing) จะเป็นประเภท Replication-based protocols โดยเป็นการสร้างส จंनाข้อมูลไปให้ผู้ติดต่อท๑ งหมด 3. จากข้อ2. ทางผู้จัดทำได้ใช้หลักการเลือกเส้นทางที่เ๑ ขาขึ้น epidemic routing เป็นประเภทหนึ่ง๑ ของReplication-based คือส จंनाข้อมูลไปให้โหนดทุกตัวที่ย๑ งไม่เ๑ ขาขึ้นเหมือนโรคระบาดที่๑ ะติดคนที่๑ งเป็นโรค 4. โมเดลการแพร่ระบาดที่ผ□ู้จัดทำจะกล่าวถึงจะใช้โมเดลเป็นหลักคือ SI และ SIR โดยสถานะ S-I-R (Susceptible- Infectious- Recovered) หมายถึง ประชากรที่เ๑ อยู่เ็นสถานะติดโรคได้ประชากรที่ติด□ิดเช แล้วและประชากรที่ติด□ิดแล้วและมีภูมิคุ้มกันแล้วตามลำดับ โดย state จะไม่มีการเดินทางย้อนกลับหรือก็คือสถานะ s ไปสถานะ i และสถานะi ไปstate R ได้เ้าท่าน๑ นเป้าหมาย(Goals): ศ ศึกษาผลการแพร่กระจายของไวรัสจากดวแปร3 ดวแปรหลักคือจำนวนโหนดระยะทางในการแพร่และTime to live โดยจะทำการทดลองว่าการเพิ่ม๑ -ลดค่าดวแปรเหล่านั้น๑ จะมีผลต่อความสามารถในการแพร่มากน้อยเพียงใดและเขา้ข่ายโรคระบาดใดหรือไม่ตามโมเดลการแพร่ระบาดโรคปกติ การวัด(Metric): ประเมินจาก\* ค่าเฉลี่ย๑ เวลาในการแพร่ระบาดส ประชากร99% คือระยะเวลาจากการทดลองโดยเฉลี่ย๑ ในการที่



ผู้ติดเชื้อ 1 คนใช้ในการแพร่เชื้อสู่ประชากร 99% \* จำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด คือจำนวนผู้ติดเชื้อสะสมสูงสุดเทียบกับจำนวนประชากร \* อัตราการแพร่ระบาด คือจำนวนผู้ติดเชื้อที่เพิ่มขึ้นในหนึ่งหน่วยเวลาโดยเฉลี่ย (mathematical model):

เป็นการทำ simulation model โดยใช้ ภาษา python จำลองการเคลื่อนที่ของโหนดในพื้นที่หนึ่ง โดยโค้ดนี้

รูปกราฟผลการทดลองสามารถดูได้จาก <https://github.com/FameIllusionMaya/DTN-Virus> Simulation

Parameter ตัวแปรค่าขนาดพื้นที่ 1000\*1000 หน่วย\* 667\*667 หน่วยขนาดโหนด1\*1 หน่วยลักษณะการเคลื่อนที่

สมมุติ ระยะการเดิน -10 ถึง 10 ในแกน x และ y จำนวนโหนด [500\*, 750] ระยะเวลาการแพร่[24\*, 36] Time to live

[100\*, 150] \*แทนค่า default เปรียบเทียบแบบจำลอง: กราฟผลลัพธ์จากแบบจำลองที่สร้างขึ้น มา เมื่อ นำมาเปรียบเทียบกับแบบจำลองการแพร่ระบาดของไวรัสพบว่าทิศทางของผลลัพธ์มีความคล้ายคลึงกันทั้งในโมเดล SI และ SIR ดังนั้นจึงสามารถสรุปได้ว่าแบบจำลอง DTN สามารถนำมาอธิบายการแพร่กระจายของไวรัสได้และ simulation model

ที่สร้างขึ้น สามารถใช้กับผลลัพธ์ได้อย่างที่หวัง (ในรูปที่ 1.1 และ 1.2 คือผลลัพธ์ที่ได้จาก simulation model ที่สร้างขึ้น มาเองและรูปที่ 2.1 และ 2.2 คือผลลัพธ์จากแบบจำลองการแพร่ระบาด mathematical model โดยทั่วไป)

โดยกำหนดค่าตัวแปรจำนวนโหนดระยะการแพร่และtime to live คือ500 24 100 ตามลำดับรูปที่ 1.1 แบบจำลอง simulation แบบSI รูปที่ 1.2 แบบจำลองsimulation แบบSIR รูปที่ 2.1 แบบจำลองการแพร่ระบาดแบบSI รูปที่ 2.2

แบบจำลองการแพร่ระบาดแบบ SIR ผลลัพธ์ระยะเวลาในการแพร่เชื้อสู่ประชากร 99% รูปที่ 3 กราฟแสดงระยะเวลาในการแพร่ระบาด จากกราฟเป็นการทดลองโดยใช้ แบบจำลอง SI เพื่อหาระยะเวลาในการแพร่ไวรัสจากผู้ติดเชื้อ 1 คนสู่ประชากร 99% (ติดเชื้อ 495 คนจาก 500 คนในแบบจำลอง) โดยทำการทดลองทั้งหมด 200 รอบและหาค่าเฉลี่ย ซึ่งจะได้ผลลัพธ์ตามกราฟ ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อ ดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-ขนาดพื้นที่ กราฟทดสอบ ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกันดังนี้ กราฟสีแดง(500-24-1000\*1000) กราฟสีส้ม(750-24-1000\*1000) กราฟสีน้ำเงิน (500-36-1000\*1000) กราฟสีม่วง (500-36-1000\*1000) โดยกราฟสีแดงเป็นค่าเริ่ม ต้น กราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรใหม่มากกว่าค่าเริ่ม ต้นอีก 0.5 เท่ายกเว้นขนาดพื้นที่ซึ่งปรับให้ขนาดต้นมีขนาดเป็น 1.5 เท่าของค่าที่ใช้ในการทดลองเนื่องจากยิ่งขนาดพื้นที่เล็กประสิทธิภาพการแพร่ระบาดดีกว่าพื้นที่ใหญ่โดยภาพรวมแล้วตัวแปรที่ระยะเวลาในการแพร่เชื้อจากผู้ติดเชื้อ 1 คนสู่ประชากร 99% ได้เร็วที่สุดคือขนาดพื้นที่ ระยะทางการแพร่ และค่าเริ่ม ต้นตามลำดับ โดยใช้ระยะเวลาในการแพร่เชื้อโดยเฉลี่ย คือ 83.44 136.155 217.215 และ 375.215 หน่วย

ตามลำดับ ซึ่งปริมาณต่ำกว่าค่าเริ่ม ต้นอยู่ที่ 4.496 2.755 และ 1.727 เท่า ตามลำดับ ผลลัพธ์การทดลองจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด: รูปที่ 4 กราฟแสดงจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุดจากกราฟเป็นผลการทดลองโดยใช้ แบบจำลองSIR เพื่อหาจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุด โดยจะทำการทดลองทั้งหมด 200 รอบและหาค่าเฉลี่ย ซึ่งได้ผลลัพธ์ตามกราฟ ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อ ดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-เวลาในการรักษา(time to live) ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกันดังนี้ กราฟสีแดง(500-24-100) กราฟสีส้ม(750-24-100) กราฟสีน้ำเงิน(500-36-100) กราฟสีม่วง (500-36-150) โดยกราฟสีแดงเป็นค่าเริ่ม ต้น กราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรใหม่มากกว่าค่าเริ่ม ต้นอีก 0.5 เท่า โดยภาพรวมแล้วตัวแปรที่เพิ่มจำนวนผู้ติดเชื้อสูงสุดคือจำนวนโหนดระยะทางการแพร่และระยะเวลาในการรักษาและค่าต้นโดยมีผู้ติดเชื้อพร้อมกันใน 1 หน่วยเวลาสูงสุดโดยเฉลี่ย คือ 533.83 456.205 319.92 และ 228.22 คนตามลำดับ ซึ่งมีปริมาณสูงกว่าค่าเริ่ม ต้นอยู่ที่ 2.33 1.99 และ 1.4 เท่า ตามลำดับ ผลลัพธ์การทดลองอัตราการแพร่ระบาด: รูปที่ 5 กราฟแสดงอัตราการแพร่ระบาด จากกราฟเป็นผลการทดลองโดยใช้ แบบจำลอง SIR เพื่อหาอัตราการแพร่ระบาด โดยอัตราการแพร่ระบาดคิดจากจำนวนผู้ติดเชื้อ โดยรวมทั้งหมดหารด้วยระยะเวลาในการทดลอง ซึ่งระยะเวลาจะเพิ่มขึ้นไปเรื่อย ๆ จนกว่าคนติดเชื้อทั้งหมด หรือผู้ติดเชื้อหายดีทั้งหมด โดยจะทำการทดลองทั้งหมด 200 รอบและหาค่าเฉลี่ย ซึ่งได้ผลลัพธ์ตามกราฟ ตัวแปรที่กำหนดให้ต่างกันเพื่อ ดูความแตกต่าง คือ จำนวนโหนด-ระยะการแพร่-เวลาในการรักษา(time to live) ซึ่งกำหนดค่าแตกต่างกันดังนี้ กราฟสีแดง(500-24-100) กราฟสีส้ม(750-24-100) กราฟสีน้ำเงิน (500-36-100) กราฟสีม่วง(500-36-150) โดยกราฟสีแดงเป็นค่าเริ่ม ต้น กราฟอื่นๆ จะมีการปรับตัวแปรใหม่มากกว่าค่าเริ่ม ต้นอีก 0.5 เท่า โดยภาพรวมแล้วตัวแปรที่ประสิทธิภาพในการแพร่ระบาดได้สูงที่สุด คือ จำนวนโหนด ระยะทางการแพร่และระยะเวลาในการรักษา และค่าเริ่ม ต้นโดยมีอัตราการแพร่เชื้อ คือ 2.835 2.757 1.07 และ 0.924 คนต่อหนึ่งหน่วยเวลาตามลำดับ ซึ่งมีปริมาณสูงกว่าค่าเริ่ม ต้นอยู่ที่ 3.068 2.983 และ 1.158 เท่า ตามลำดับ ประโยชน์ของแบบจำลอง \* สามารถนำไปวิเคราะห์การแพร่ระบาดของไวรัสในภาพรวมได้\* สามารถวิเคราะห์ได้ว่าไวรัสเหล่านี้มีแนวโน้มเป็นโรคระบาดหรือไม่โดยวิเคราะห์จากกราฟอัตราการติดเชื้อ ในหน่วยเวลา ถ้าผลลัพธ์นั้น มีค่ามากกว่าอัตราการรักษาในหนึ่งหน่วยเวลาหมายความว่าไวรัสนั้นมีแนวโน้มที่จะก่อให้เกิดโรคระบาดสรุปผลการทดลอง ในรายงานฉบับนี้ได้วิเคราะห์ถึงผลต่อการแพร่ระบาดมาประมวลผลโดยใช้แบบจำลองที่สร้างขึ้น จากแบบจำลอง DTN หรือ delay tolerant

network เพื่อจำลองการแพร่ระบาดของไวรัส ซ จะจำลองการแพร่ระบาดแบบ SI และ SIR ผลการจำลองแสดงให้เห็นว่า ตัวแปรที่ทําให้ไวรัสสามารถแพร่กระจายได้เร็วที่สุดคือ ขนาดพื้นที่ ระยะทาง และลักษณะประชากรตามลำดับ ซ ขนาดพื้นที่ที่เล็กจะแพร่ระบาดได้เร็วกว่าขนาดพื้นที่ใหญ่(แปรผกผันกัน) ตรงกันข้ามกับ ระยะทางการแพร่เชื้อและจำนวนประชากร ที่ค วามสามารถในการแพร่เชื้อจะแปรผกผันตรงซังกันและกัน กรณีที่ม ีการคิดการฟ ้นตัวและมีภูมิคุ้มกันจ ้นไวรัสระยะเวลาในส ้นที่ก ้นให้เชื้ในก ้นซ ้นระยะเวลาในการรักษาจนมีภูมิคุ้มกันถึงจะมีส ้นที่ร ้นระยะเวลาในการถือเชื้ก ้นซ ้นจะมีโอกาสในการแพร่เชื้ก ้นซ ้น แต่ผลน้อยกว่า จำนวนประชากร และระยะทางการแพร่เชื้ อี ้นจำนวนผู้ติดเชื้อ ส ้นสูงสุดและอัตราการติดเชื้อในหนึ่ง ้น หน่วยเวลาจำนวนประชากรจะมีประสิทธิภาพดีกว่าระยะทางการแพร่เชื้จริงแต่ผลลัพธ์ไม่ได้ต่างกันมาก เอกสารอ้างอิง \* คอนเซ็ปต์แบบจำลอง DTN และการแพร่กระจายของไวรัส โมเดลการแพร่ระบาด

[www.youtube.com/watch?v=niA-aZENZsA&t=320s](http://www.youtube.com/watch?v=niA-aZENZsA&t=320s) \*

[www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7557303/?fbclid=IwAR2qBaaazKkxClbaiJDUVFsXtBickbTqWkBE3iH4A4ps-dTrDScgymr-JLo](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7557303/?fbclid=IwAR2qBaaazKkxClbaiJDUVFsXtBickbTqWkBE3iH4A4ps-dTrDScgymr-JLo) \*

รูปภาพผลการแพร่ระบาดแบบSI และSIR [www.medium.com/data-นำฟาด/sir-model-คืออะไรและใช้โรคได้อย่างไร-e79c487e26b9](http://www.medium.com/data-นำฟาด/sir-model-คืออะไรและใช้โรคได้อย่างไร-e79c487e26b9) \* ภาคผนวก \* ข้อมูลแบบจำลองสามารถดูได้ที่ [www.github.com/FameIllusionMaya/DTN-Virus](https://www.github.com/FameIllusionMaya/DTN-Virus) \* รูปภาพใน folder graph \* ผลลัพธ์จากการประมวลผล 200 รอบในfolder result

