



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de aminoácidos.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Los porcentajes de similitud para las 5 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 98.9090909091%, que corresponde a: 169

Cadena 2: 99.9090909091%, que corresponde a: 26

Cadena 3: 96.9090909091%, que corresponde a: 18

Cadena 4: 96.9090909091%, que corresponde a: 8

Cadena 5: 99.9090909091%, que corresponde a: 42

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 3.9 Segundos

