## Log fold changes from baseline

1.0 0.5 0.0

-0.5 -1.0

					,								
			AAM					1	AFR	1			
Uncultured Clostridiales I —	-0.79	-0.58	-0.66	-0.57	-0.07	Weissella et rel	0.96	-0.11	-0.69	-0.84	-1.03 *	_	
Uncultured Clostridiales I	*	-0.58	-0.66	-0.57	-0.07	Uncultured Clostridiales II —	0.34	0.09	1.05 ***	0.93 **	0.63	_	
Ruminococcus obeum et rel. —	0.73 **	0.19	-0.27	-0.38	-0.66 *	Subdoligranulum variable at rel. —	0.74	0.2	0.52	0.24	0.07		
	~ ~				•	Sporobacter termitidis et rel. —	0.3	0.45	0.87 **	0.81	0.38		
Ruminococcus gnavus et rel. —	0.58	0.16	-0.35	-0.56	-0.72 **	_ Ruminococcus obeum et rel	0.64	0.33	0.46	0.2	0.19		
						Proteus et rel. —	-0.11	-0.34	-0.09	-0.15	-0.47 *		
Roseburia intestinalis et rel. —	0.89 **	0.2	0.25	0.09	-0.12	Oscillospira guillermondii et rel.	0.21	0.67	1.26 **	1.42 ***	0.92 *		
Outgrouping clostridium cluster XIVa —	0.67	0.26	-0.09	-0.16	-0.28	Oceanospirillum —	-0.25	-0.4	-0.09	-0.36	-0.55 **		
						Lactobacillus gasseri et rel.	-0.03	-0.28	-0.06	-0.1	-0.37 *		
Eubacterium siraeum et rel. —	0.09	-0.01	0.33	0.42	0.65	Faecalibacterium prausnitzii et rel. —	0.09	-0.23	-0.5	-0.93 *	-0.26		LFC
						Dorea formicigenerans et rel.	0.78 *	0.17	0.58	0.23	0.32		1.0 - 0.9
Eubacterium hallii et rel. —	0.74	0.28	0	-0.29	-0.53	Coprobacillus catenaformis et rel. —	0.07	-0.28	-0.06	-0.16	-0.41 *		0.0
						Clostridium symbiosum et rel. —	0.53	0.36	0.7 *	0.52	0.15		-1
Dorea formicigenerans et rel. —	0.62 *	0.34	-0.12	-0.23	-0.48	Clostridium orbiscindens et rel.	0.54	0.22	1.17 ***	0.77 *	0.85 **		
						Clostridium colinum et rel. —	0.24	-0.06	1.22 ***	1 **	0.5		
Coprococcus eutactus et rel. —	1.42 ***	0.45	0.29	0.15	-0.11	Clostridium cellulosi et rel.	0.89	1.19 ***	1.23 ***	1.25 ***	0.25		
						Bulleidia moorei et rel. —	0.36	0.32	0.55	0.87 **	0.23		
Collinsella —	0.87 ***	0.41	-0.04	0.07	-0.3	Bacteroides stercoris et rel.	-0.19	-0.53 *	-0.07	-0.27	-0.36		
Clostridium nexile et rel. —	0.96	0.29	0.02	-0.22	-0.49	Bacteroides plebeius et rel. —	-0.38	-0.6 *	-0.15	-0.25	-0.28		
						Anaerovorax odorimutans et rel.	0.46	0.26	0.92 ***	0.51	0.27		
Bifidobacterium —	0.97 **	0.67	0.31	0.6	-0.2	Anaerotruncus colihominis et rel. —	0.02	0.23	0.6	1.03 ***	0.37		
						Akkermansia -	0.21	0.19	0.96 *	0.63	0.22		
	HE1	HE2	DI1	DI2	ED2		HE1	HE2	DI1	DI2	ED2	-	