

Notebook_Semanal_Intro_proba_1

June 29, 2023

1 Argentina programa 4.0 - Módulo 2: Ciencia de Datos

```
[1]: from google.colab import drive  
drive.mount('/content/drive')
```

Drive already mounted at /content/drive; to attempt to forcibly remount, call
drive.mount("/content/drive", force_remount=True).

2 Semana 1. Elementos de matemática y probabilidad

En este notebook vamos a repasar y trabajar en detalle varios de los conceptos y ejemplos que vimos en clase.

2.1 Ajuste linear o regresión lineal

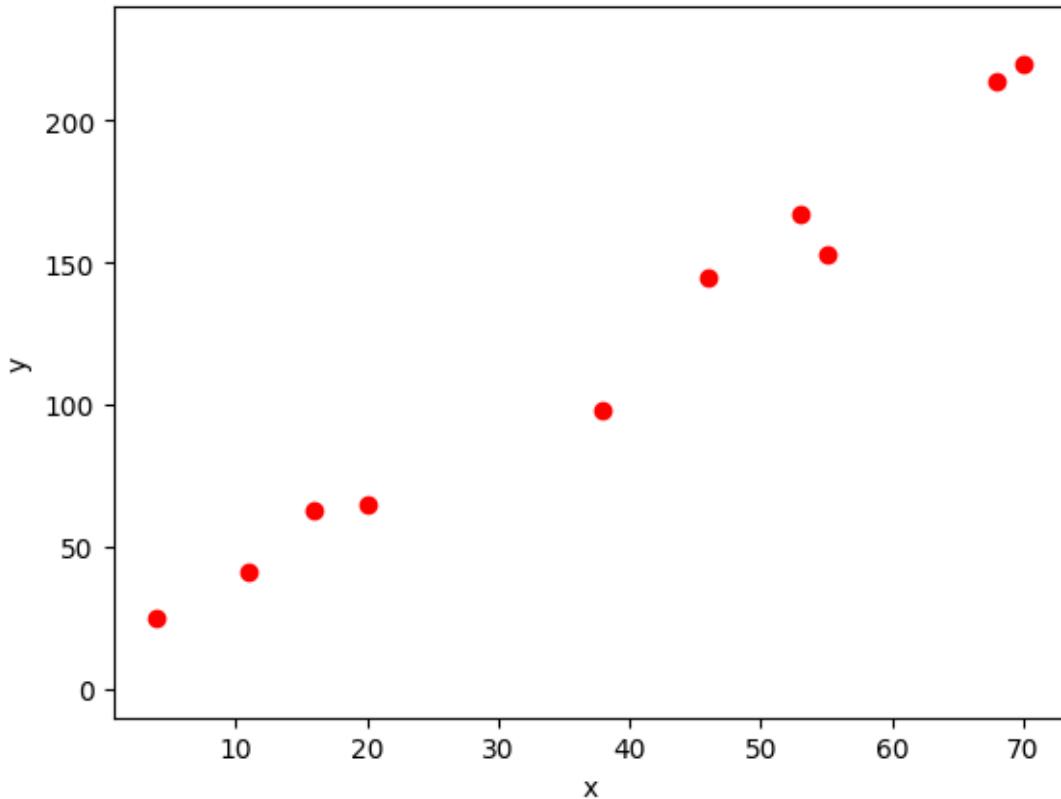
Vamos a comenzar viendo el ejemplo del que hablamos en las diapositivas donde discutimos el concepto y la fórmula para la regresión lineal.

Para esto creamos un conjunto de datos arbitrarios y lo graficamos.

```
[2]: # antes hacemos las importaciones de siempre para numpy y matplotlib  
import numpy as np  
import matplotlib.pyplot as plt  
print ("OK")
```

OK

```
[3]: # generamos los pares de puntos que representan nuestros datos y los ploteamos  
x = np.array([55.0, 38, 68, 70, 53, 46, 11, 16, 20, 4])  
y = np.array([153.0, 98, 214, 220, 167, 145, 41, 63, 65, 25])  
g = plt.scatter(x = x, y = y, color='red')  
plt.ylim((-10,240))  
plt.xlabel('x'); plt.ylabel('y')  
plt.show()
```



Para obtener la información de los valores de a y b que minimizan la recta usamos las fórmulas que mostramos en clase:

Nos creamos una función que vamos a llamar *ajuste_lineal*

```
[4]: def ajuste_lineal(x,y):
    a = sum(((x - x.mean())*(y-y.mean()))) / sum(((x-x.mean())**2))
    b = y.mean() - a*x.mean()
    return a, b
print ("OK")
```

OK

Ahora ajustamos usando la función *ajuste_lineal* para tener los valores de la pendiente (A) y la ordenada al origen (B)

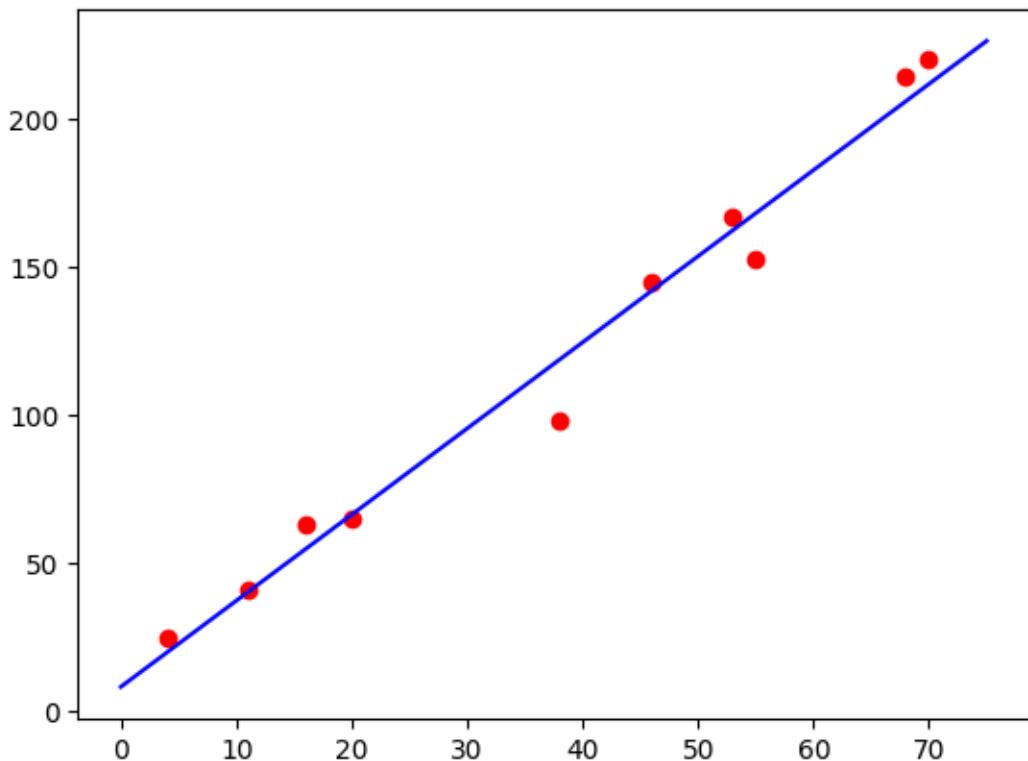
```
[5]: a, b = ajuste_lineal(x,y)
print('a =',a,'b =',b)
```

a = 2.905522724210283 b = 8.39958420758822

De esta forma somos capaces de graficar y de calcular la ecuación de la recta que surge de la regresión lineal de los datos.

```
[6]: # generamos un rango de x para hacer un plot continuo de la recta
xc = np.linspace(0,75,100)
# usamos la ecuación de la recta con los coeficientes fiteados usando la fórmula
# anterior
yc = a*xc+b

plt.plot(xc,yc, 'b')
plt.scatter(x = x, y = y, color='red')
plt.show()
```



¿Y si no conocemos las ecuaciones que nos dan a y b como las sumas que vimos arriba? Vamos a tratar este problema como un *fit* (o sea, ajuste de una curva) general. Vamos a definir la distancia cuadrática entre los puntos y la función y vamos a minimizarla.

```
[7]: # Definimos la función que depende de a y b que mide la suma de las distancias
# cuadráticas entre la recta y los puntos ("datos")
def distancia_cuadratica(x,y,a,b):
    D = a*x+b- y
    D2 = sum(D*D)
    return D2
```

```
print ("OK")
```

OK

A ver cuanto nos da el valor de esa función con los valores de a y b que obtuvimos antes

```
[8]: distancia_cuadratica(x, y, a, b)
```

```
[8]: 919.2305530424068
```

Ahora definimos una función de la distancia cuadrática que depende de un *array* computando de valores de a y b que vamos a querer determinar.

```
[9]: def distancia_recta(coefs):  
    an = coefs[0]  
    bn = coefs[1]  
    Dxy = distancia_cuadratica(x, y, an, bn)  
    return Dxy  
print ("OK")
```

OK

Hacemos la minimización simplemente usando la función apropiada de **scipy**

```
[10]: from scipy.optimize import minimize  
minimize(distancia_recta, [1,1])
```

```
[10]: message: Optimization terminated successfully.  
success: True  
status: 0  
fun: 919.2305530424152  
      x: [ 2.906e+00  8.400e+00]  
      nit: 7  
      jac: [ 7.629e-06  0.000e+00]  
hess_inv: [[ 8.043e-05 -2.823e-03]  
           [-2.823e-03  1.447e-01]]  
      nfev: 30  
      njev: 10
```

2.2 Generación aleatoria en Python

Veamos como generar números aleatorios para después realizar algunos experimentos. Por ejemplo, en **numpy** podemos generar un número entero aleatorio con **numpy.random.randint**. Pero también existe el módulo **random**:

```
[11]: import random  
  
# Genera un número aleatorio entre 1 y 6  
random.randint(1, 6)
```

[11]: 1

Cada vez que se ejecute el comando arriba por primera vez puede salir un número distinto. Sin embargo para cualquier generador aleatorio siempre podemos fijar la **semilla** (*seed*) que controla la generación. Esto nos permite recuperar siempre el mismo resultado, lo cual puede ser necesario para control y/o debuggeo del código. Fijando la semilla, se generarán siempre los mismos números aleatorios. En cada llamado el valor es distinto, claro, pero seguirán la misma orden en cada vez que se reinicialice el código. Eso se puede ver ejecutando el “box” de arriba y el de abajo várias veces (en cada vez estamos importando el módulo nuevamente).

[12]: `import random`

```
# Fijo la semilla
random.seed(42)

# Genera un número aleatorio entre 1 y 6
random.randint(1, 6)
```

[12]: 6

Ese ejemplo simula el tirar de un dado, en que podemos tener como resultado los números de 1 al 6 con igual probabilidad.

¿Cuál es la probabilidad de sacar generala servida?

La generala servida ocurre cuando tiramos 5 dados y todos salen con el mismo número.

La probabilidad que los 5 números sean iguales es: $* * * * = ()^5$

Pero como se puede hacer generala con cualquiera de los 6 números posibles, la probabilidad de generala servida es $6 * ()^5 = ()^4 \cdot 0.00077 = 0.077\%$

Podemos intentar realizar el cálculo de la probabilidad de generala servida haciendo un experimento numérico de tirar dados y mirando la frecuencia con la que la obtenemos:

[13]: `import random`

```
# Estimo la probabilidad de generala servida
N = 100000 # Número de experimentos
exitos = 0
for i in range(N):
    dados = [random.randint(1, 6) for k in range(5)]
    if dados.count(dados[0]) == 5:
        exitos += 1

print('La probabilidad de generala servida es', exitos/N)
print('En número exacto es', 1/6**4)
```

La probabilidad de generala servida es 0.00074

En número exacto es 0.0007716049382716049

En la medida en que aumentemos el número de experimentos N , el resultado se va a parecer cada vez más al calculado “teóricamente”.

2.3 Distribuciones

En estadística, uno quiere saber como se *comportan* los datos. O dicho de otra manera, como se *distribuyen* los datos.

Por ejemplo si uno pudiera medir la altura de todas las personas de una población (ej hacer un censo de alturas), como es la distribución de esas alturas? Conocer esta distribución me puede servir para hacer predicciones, proyecciones, etc.

La manera más directa de encontrar, o descubrir las distribuciones de los datos es la de censar, medir, muestrear, encuestar, o dicho en otras palabras, obtener *experimentalmente* los datos que uno busca.

Alternativamente, si uno conoce la función matemática que describe una distribución uno puede *simular* datos en la computadora.

A continuación vamos a jugar con algunas distribuciones en Python, usando SciPy, o Numpy.

SciPy es un módulo muy completo de cálculo, incluyendo una gran diversidad de conocimiento (distribuciones, métodos) estadísticos.

A diferencia, **Numpy** es un paquete que nos ayuda a generar o trabajar con arrays numéricos, pero no tiene métodos estadísticos, salvo algunos para generar datos aleatorios.

2.3.1 El problema de las tiradas de monedas

Ahora pensemos en un problema de tirar monedas, en que la respuesta es binaria, 0 o 1 (cara o seca). ¿Al tirar 10 veces una moneda con qué probabilidad sale un cierto número n de caras? Vamos a contar cuantas veces ocurre que al tirar 10 veces la moneda salgan n caras, para todos los valores de n posibles. ¿Qué esperamos? ¡Obtener una distribución de valores! ¿Y que esta tenga moda en 5, no?

```
[14]: N = 100000      # número de experimentos
resultados = [] # lista en la que guardo resultados

for i in range(N):
    caras = 0
    for i in range(10):
        res = random.randint(0, 1)
        if res == 1: caras += 1

    # Equivalentemente
    # caras = sum([random.randint(0, 1) for i in range(10)])

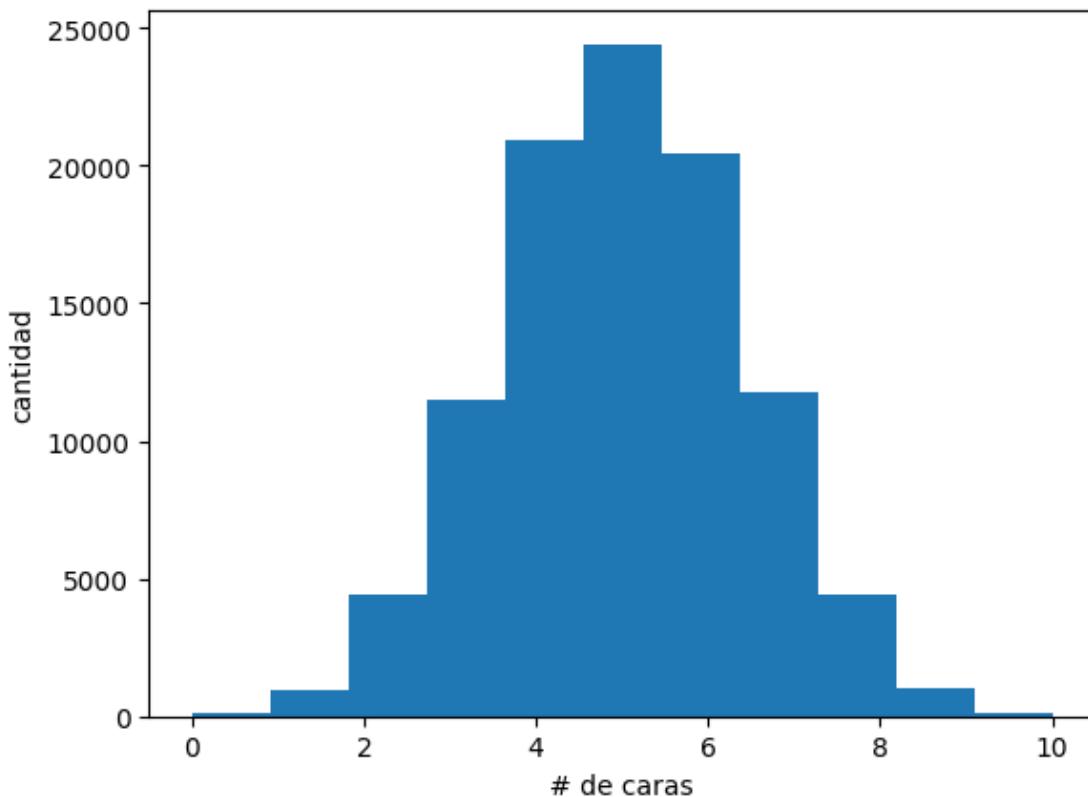
    resultados.append(caras)
print ("OK")
```

OK

Graficamos los resultados con un histograma:

```
[15]: import matplotlib.pyplot as plt

plt.figure()
plt.hist(resultados, bins=11)
plt.xlabel('# de caras')
plt.ylabel('cantidad')
plt.show()
```



Ahora veamos, los distintos indicadores estadísticos. Los mismos los podemos hacer manualmente, pero también están ya implementados en varios paquetes, como `numpy` o `scipy`.

```
[16]: import numpy as np
from scipy import stats

print('Promedio:', np.mean(resultados))
print('Mediana:', np.median(resultados))
print('Moda:', stats.mode(resultados).mode)
```

Promedio: 5.00313

Mediana: 5.0

```
Moda: [5]
```

```
<ipython-input-16-110d2012ab22>:6: FutureWarning: Unlike other reduction
functions (e.g. `skew`, `kurtosis`), the default behavior of `mode` typically
preserves the axis it acts along. In SciPy 1.11.0, this behavior will change:
the default value of `keepdims` will become False, the `axis` over which the
statistic is taken will be eliminated, and the value None will no longer be
accepted. Set `keepdims` to True or False to avoid this warning.
```

```
print('Moda:', stats.mode(resultados).mode)
```

Como la distribución es **simétrica**, el promedio y la mediana coinciden. Además, como es **unimodal** y simétrica, se cumple que promedio = mediana = media (una distribución es multimodal si tiene varios “picos”).

También podemos calcular el desvío estándar, cuantiles, etc.

```
[17]: print('Varianza:', np.var(resultados))
print('Desvío estándar:', np.std(resultados))

print('Primer cuartil (Q1):', np.quantile(resultados, 0.25))
print('Segundo cuartil (Q2):', np.quantile(resultados, 0.5))
print('Tercer cuartil (Q3):', np.quantile(resultados, 0.75))
print('Cuartil 0.93:', np.quantile(resultados, 0.93))
```

Varianza: 2.4992402031000003

Desvío estándar: 1.5808985429495468

Primer cuartil (Q1): 4.0

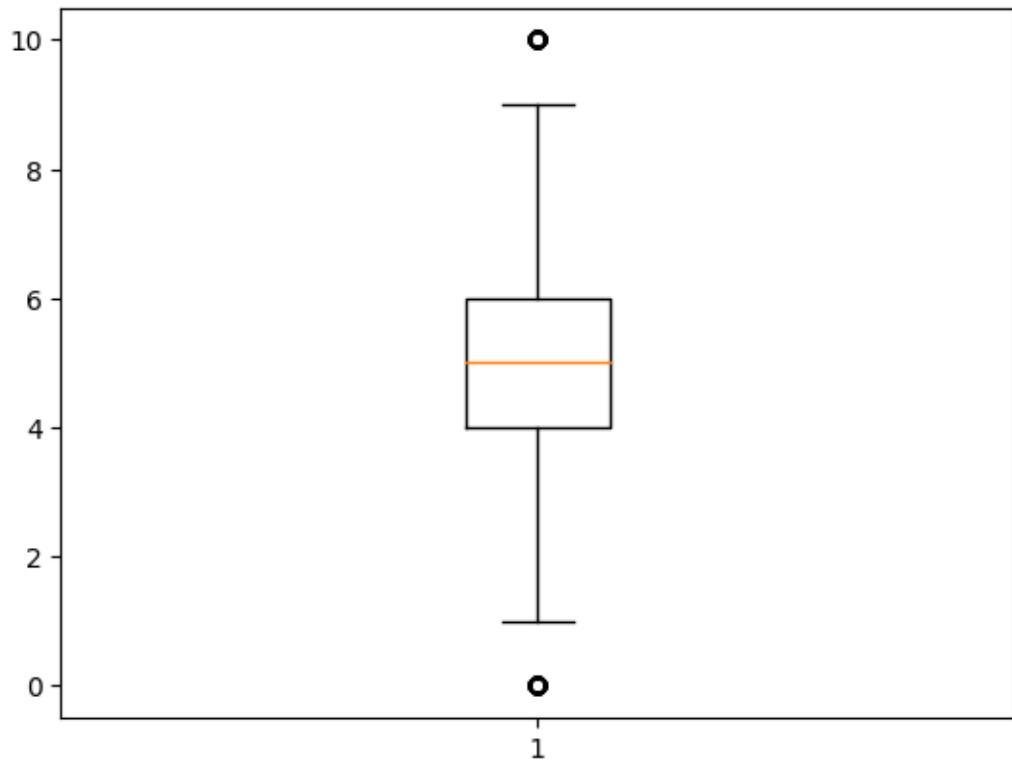
Segundo cuartil (Q2): 5.0

Tercer cuartil (Q3): 6.0

Cuartil 0.93: 7.0

Y también podemos hacer el *box plot*

```
[18]: plt.figure()
plt.boxplot(resultados)
plt.show()
```

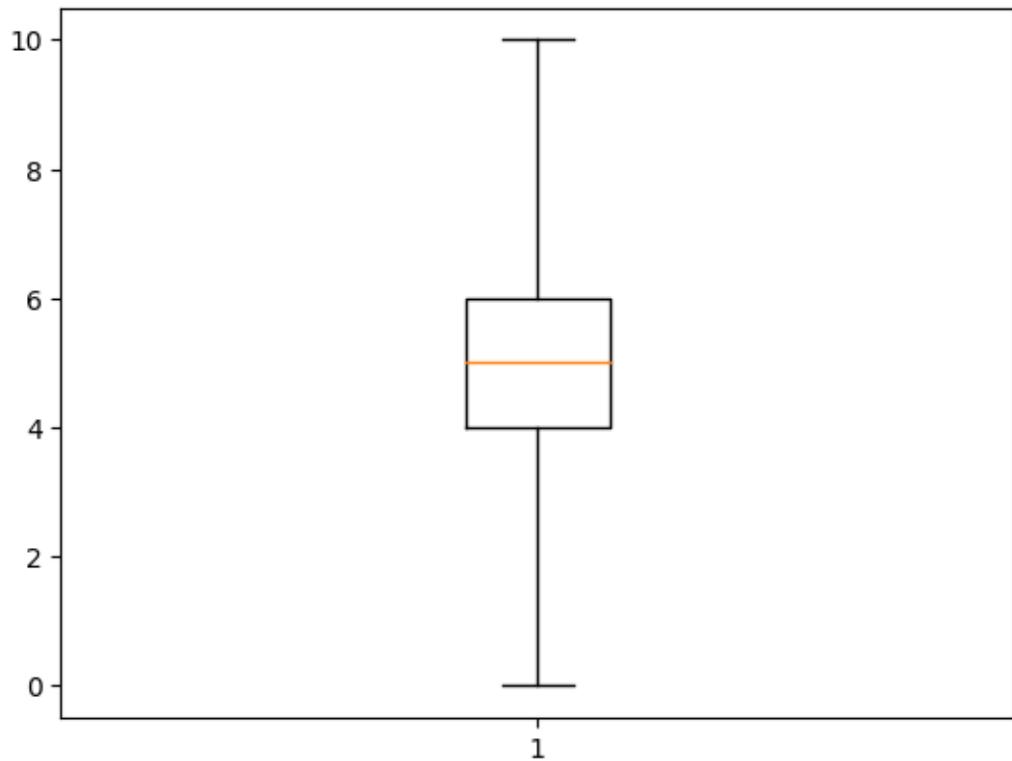


Vemos que nos toma los resultados de 0 y 10 como *outliers*. El largo de los “bigotes” (*whiskers*) por defecto sólo se extiende hasta 1.5 veces la distancia entre el primer y tercer cuartil (Q3-Q1) por fuera de la caja central. O sea:

- Tope: $Q3 + 1.5 * (Q3 - Q1)$
- Base: $Q1 - 1.5 * (Q3 - Q1)$

Lo podemos modificar ese valor, el 1.5, con el parámetro `whis`. Poniéndolo en 2 ya debería abarcar todos los valores:

```
[19]: plt.figure()
plt.boxplot(resultados, whis=2)
plt.show()
```



2.3.2 Un caso no simétrico

Estudiemos un caso más complejo, que no da resultados simétricos. Consideremos por ejemplo el producto de los resultados de dos dados de 6 caras. Los resultados pueden ir entre 1 (1×1) y 36 (6×6):

```
[20]: N_d = 100000      # número de experimentos
resultados_d = [] # lista en la que guardo resultados
random.seed(4)

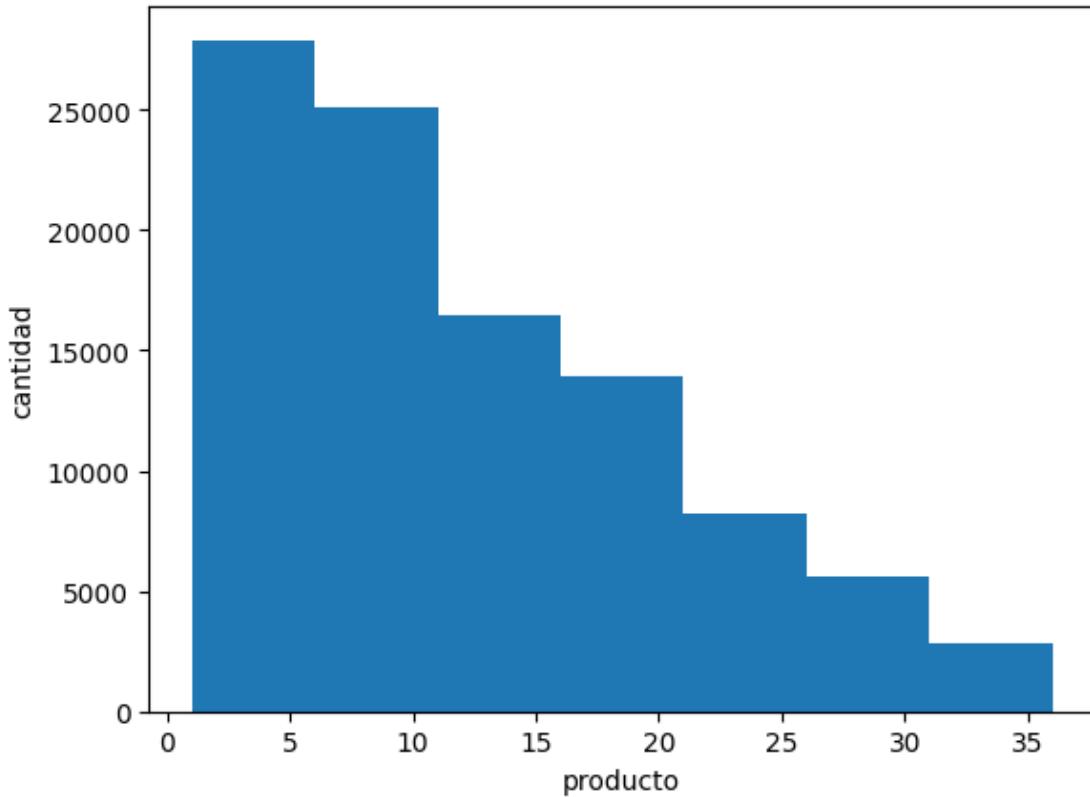
for i in range(N_d):
    caras = random.randint(1, 6) * random.randint(1, 6)

    resultados_d.append(caras)
print ("OK")
```

OK

```
[21]: plt.figure()
plt.hist(resultados_d, bins=7)
plt.xlabel('producto')
plt.ylabel('cantidad')
```

```
plt.show()
```



Vemos en el histograma que los resultados no son simétricos, sino que decaen. Veamos que nos dicen los indicadores ahora:

```
[22]: print('Promedio:', np.mean(resultados_d))
print('Mediana:', np.median(resultados_d))
print('Moda:', stats.mode(resultados_d).mode)
```

Promedio: 12.22194

Mediana: 10.0

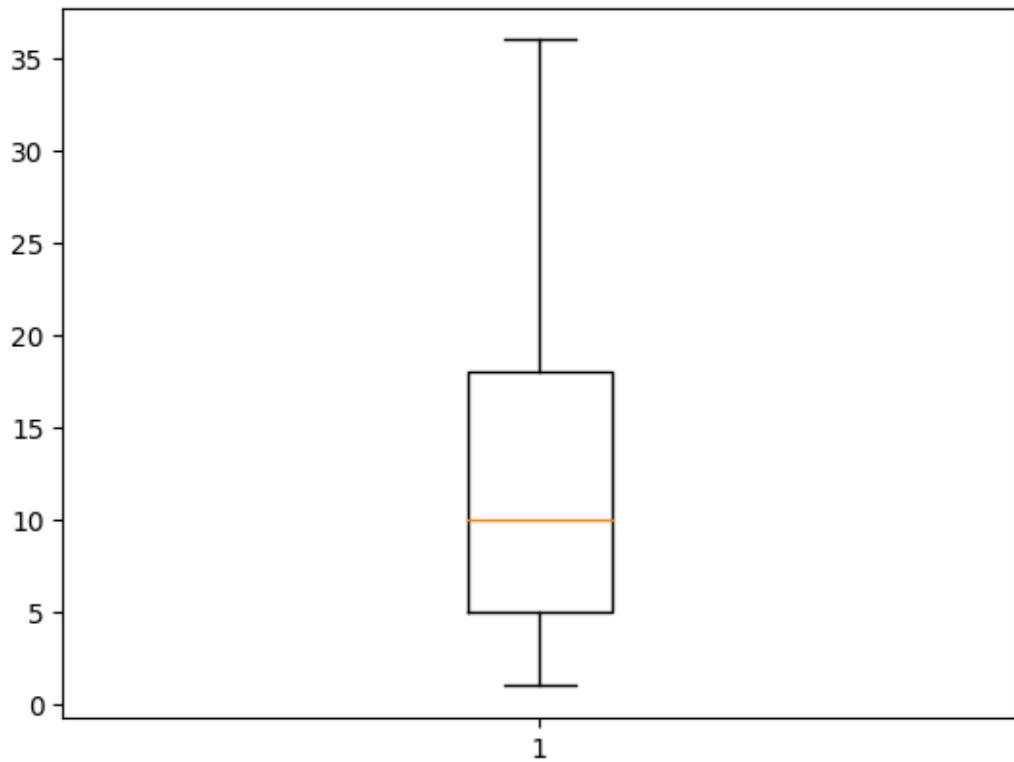
Moda: [6]

```
<ipython-input-22-32eca08e100a>:3: FutureWarning: Unlike other reduction
functions (e.g. `skew`, `kurtosis`), the default behavior of `mode` typically
preserves the axis it acts along. In SciPy 1.11.0, this behavior will change:
the default value of `keepdims` will become False, the `axis` over which the
statistic is taken will be eliminated, and the value None will no longer be
accepted. Set `keepdims` to True or False to avoid this warning.
```

```
print('Moda:', stats.mode(resultados_d).mode)
```

Los tres valores ya no coinciden. El box plots es

```
[23]: plt.figure()
plt.boxplot(resultados_d)
plt.show()
```



2.4 Función distribución de probabilidad

En los ejemplos anteriores graficamos histogramas contando la cantidad de eventos para cada resultado. Pero si quisieramos obtener la *función distribución de probabilidad* (PDF), tendríamos que dividir por el total de experimentos.

```
[24]: # Me armo una lista de la cantidad de eventos para cada resultado
n_caras = [i for i in range(11)]

cuentas_caras = []
for nc in n_caras:
    cuentas_caras.append(resultados.count(nc))

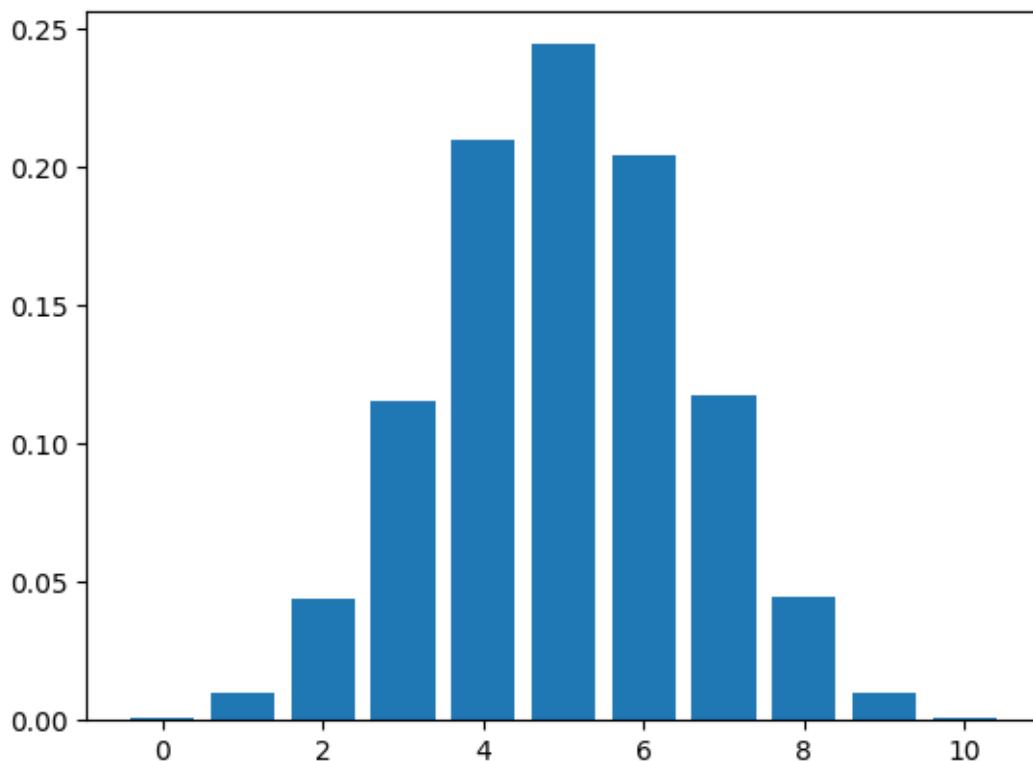
print(cuentas_caras)
```

```
[96, 956, 4396, 11496, 20932, 24409, 20420, 11766, 4426, 1016, 87]
```

```
[25]: # Ahora hago un array (para dividir) con las probabilidades de cada resultado
prob_caras = np.array(cuentas_caras)/sum(cuentas_caras)
prob_caras
```

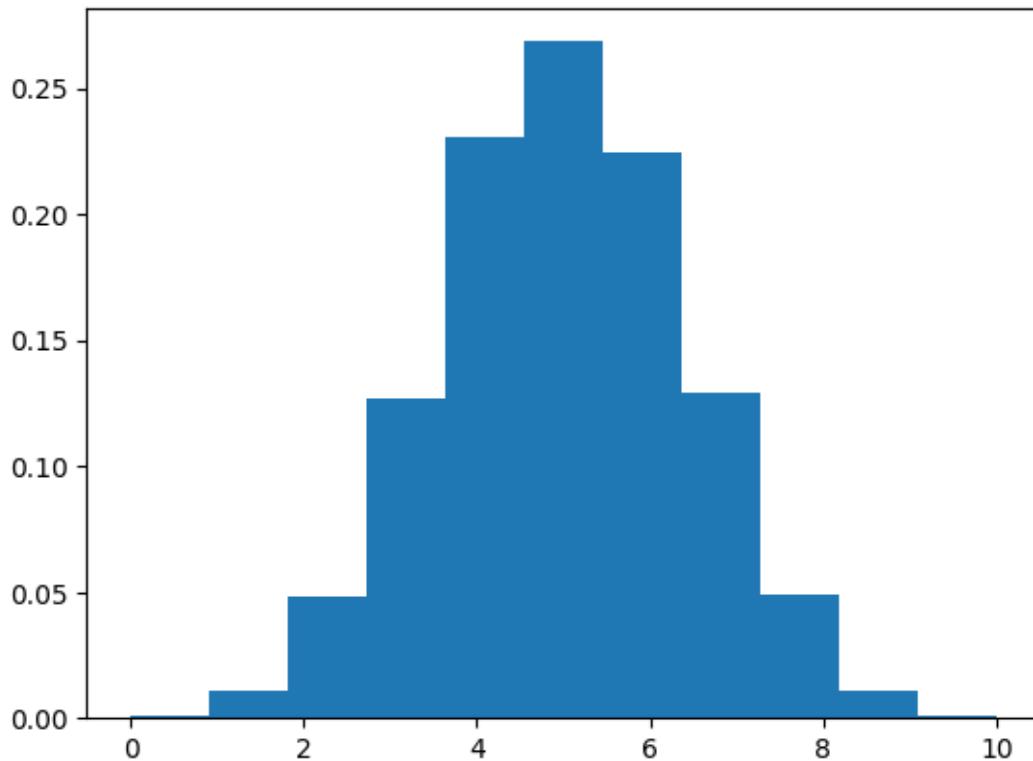
```
[25]: array([0.00096, 0.00956, 0.04396, 0.11496, 0.20932, 0.24409, 0.2042 ,
0.11766, 0.04426, 0.01016, 0.00087])
```

```
[26]: plt.figure()
plt.bar(n_caras, prob_caras)
plt.show()
```



La función `hist` de `matplotlib` nos hace esto automáticamente usando la opción `density=True`. En este caso nos crea una **densidad de probabilidad**, en la que **no sólo se divide por la cantidad total de eventos, sino también por el ancho de cada bin** (en este caso era 1, por eso no nos preocupamos por eso).

```
[27]: plt.figure()
plt.hist(resultados, bins=11, density=True)
plt.show()
```



Ahora podemos comparar este resultado con la fórmula binomial. Probabilidad de que tirando la moneda N veces salgan n caras:

Aquí $p = q = 1/2$, porque tenemos la misma probabilidad de cara o seca. Tirando la moneda 10 veces, tenemos $n = 10$, de forma que la probabilidad es:

```
factorial(10)/(factorial(10-n)*factorial(n) * (1/2)**10)
```

```
[28]: from math import factorial

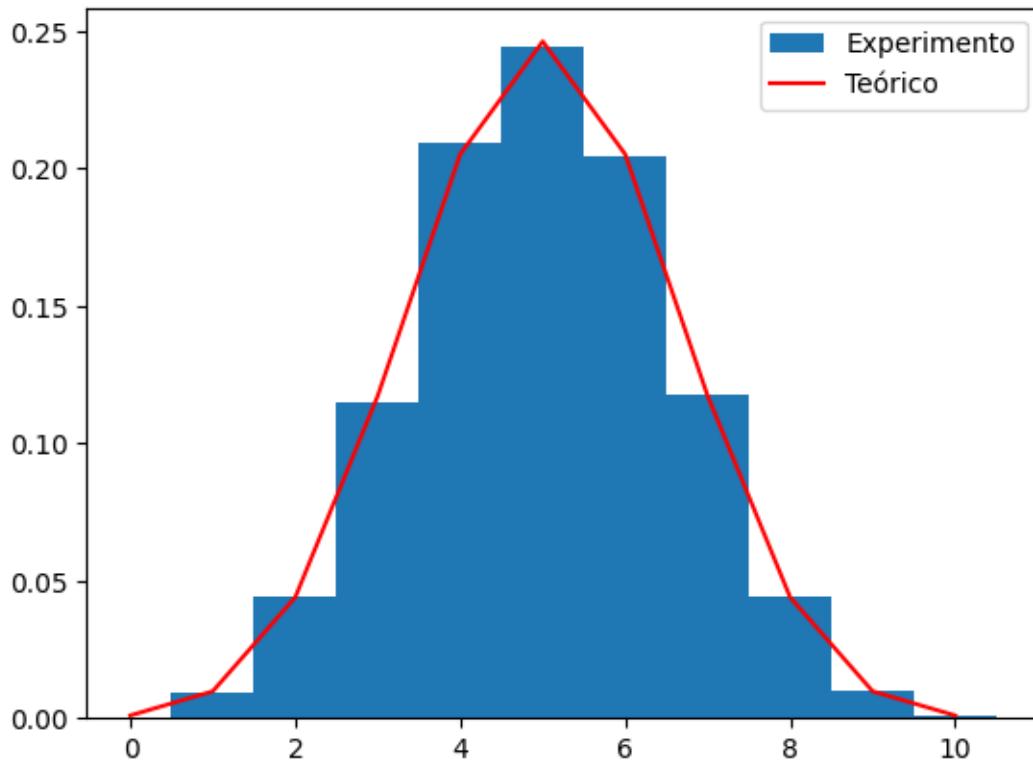
def prob_n_caras(n):
    """Probabilidad de obtener n caras en 10 tiros de moneda"""
    return (1/2)**10 * factorial(10)/(factorial(10-n)*factorial(n))

prob_caras_teorico = [prob_n_caras(nc) for nc in n_caras]

# Al histograma le voy a dar los comienzos de los bins para que quede centrado ↵ como queremos
bordes_bin = np.linspace(0.5, 10.5, 11)

plt.figure()
plt.hist(resultados, bins=bordes_bin, density=True, label='Experimento')
plt.plot(n_caras, prob_caras_teorico, color='r', label='Teórico')
```

```
plt.legend()  
plt.show()
```



¿Cómo se calcula el promedio (valor esperado) de una distribución de probabilidad? Sumamos los resultados posibles pesados por su respectiva probabilidad:

```
[29]: valor_esperado = 0  
for i, prob in enumerate(prob_caras_teorico):  
    # voy sumando nºcaras * probabilidad  
    valor_esperado += n_caras[i] * prob  
  
valor_esperado
```

[29]: 5.0

2.4.1 Distribución de probabilidad discreta: otro ejemplo con distribución binomial

Para acceder a un Master de postgrado se realiza un examen tipo test a los solicitantes. El examen consta de cinco preguntas y cada una tiene cuatro posibles resultados. Un alumno no conoce las respuestas, pero decide contestar en función del siguiente juego: tira un dado, si sale un 1 elige el primer resultado; si sale un 2, elige el segundo resultado, y así sucesivamente; si sale un 5 ó un 6, tira el dado de nuevo. Determinar: 1. ¿Cuál es la probabilidad de éxito y cuál la de fracaso? 2.

¿Cuál es la probabilidad de que acierte una respuesta? 3. ¿Cuál es la probabilidad de acertar dos o tres respuestas?

Vamos a escribir un programa para responder a estas preguntas

```
[30]: import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import random
print ("OK")
```

OK

```
[31]: def tiradas(N=5):          # N = número de preguntas
    respuestas = []
    #random.seed(10)
    tiro = 0
    while tiro < N:
        dado = random.randint(1, 6)
        #print(dado)
        if (dado < 5):
            respuestas.append(dado)
            tiro += 1
    return respuestas

print(tiradas())
```

[4, 3, 3, 2, 3]

```
[32]: # ¿Cuál es la probabilidad de éxito y cuál la de fracaso?
preguntas = tiradas(500000)
p = preguntas.count(1)/len(preguntas)

print("Probabilidad éxito p= ",p)
print("Probabilidad fracaso q= ",1-p)
```

Probabilidad éxito p= 0.250228
Probabilidad fracaso q= 0.749772

```
[33]: # ¿Cuál es la probabilidad de que acierte una respuesta?
M = 100000          # número de experimentos
correctas = []
for i in range(M):
    respuestas = tiradas()
    ok = respuestas.count(1)
    correctas.append(ok)

print("Probabilidad que acierte una respuesta es: ",correctas.count(1)/M)
```

Probabilidad que acierte una respuesta es: 0.39552

```
[34]: #¿Cuál es la probabilidad de acertar dos o tres respuestas?
print("Probabilidad de acertar 2 o 3 respuestas es:",(correctas.
      ↴count(2)+correctas.count(3))/M)
```

Probabilidad de acertar 2 o 3 respuestas es: 0.35289

Podemos hacer un gráfico de la distribución binomial usando Scipy

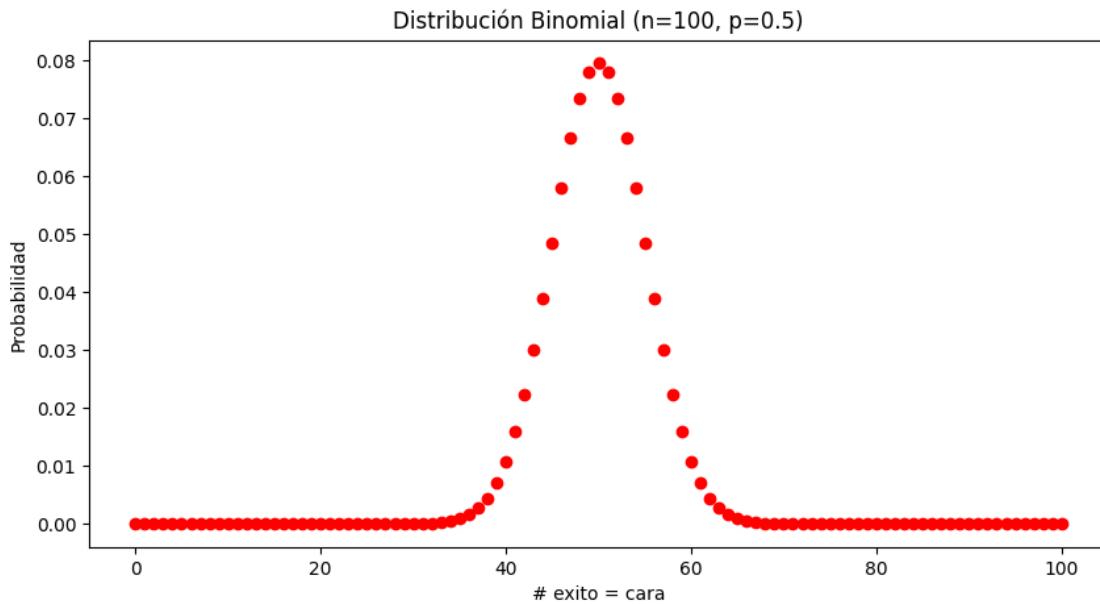
```
[35]: from scipy.stats import binom

n = 100
p = 0.5
x = np.arange(0, n+1)
binomial_pmf = binom.pmf(x, n, p)

print(binomial_pmf)
plt.figure(figsize = (10, 5))
plt.plot(x, binomial_pmf, 'ro')
plt.title(f"Distribución Binomial (n={n}, p={p})")
plt.xlabel('# éxito = cara')
plt.ylabel('Probabilidad')
plt.show()
```

```
[7.88860905e-31 7.88860905e-29 3.90486148e-27 1.27558808e-25
 3.09330110e-24 5.93913812e-23 9.40363535e-22 1.26277389e-20
 1.46797465e-19 1.50059631e-18 1.36554264e-17 1.11726216e-16
 8.28636101e-16 5.60922899e-15 3.48573516e-14 1.99848816e-13
 1.06169683e-12 5.24603142e-12 2.41900338e-11 1.04399093e-10
 4.22816327e-10 1.61072886e-09 5.78398092e-09 1.96152396e-08
 6.29322272e-08 1.91313971e-07 5.51867223e-07 1.51252498e-06
 3.94336870e-06 9.79043264e-06 2.31706906e-05 5.23209142e-05
 1.12816971e-04 2.32471335e-04 4.58105277e-04 8.63855666e-04
 1.55973940e-03 2.69792760e-03 4.47287998e-03 7.11073227e-03
 1.08438667e-02 1.58690732e-02 2.22922695e-02 3.00686426e-02
 3.89525598e-02 4.84742966e-02 5.79583981e-02 6.65905000e-02
 7.35270104e-02 7.80286641e-02 7.95892374e-02 7.80286641e-02
 7.35270104e-02 6.65905000e-02 5.79583981e-02 4.84742966e-02
 3.89525598e-02 3.00686426e-02 2.22922695e-02 1.58690732e-02
 1.08438667e-02 7.11073227e-03 4.47287998e-03 2.69792760e-03
 1.55973940e-03 8.63855666e-04 4.58105277e-04 2.32471335e-04
 1.12816971e-04 5.23209142e-05 2.31706906e-05 9.79043264e-06
 3.94336870e-06 1.51252498e-06 5.51867223e-07 1.91313971e-07
 6.29322272e-08 1.96152396e-08 5.78398092e-09 1.61072886e-09
 4.22816327e-10 1.04399093e-10 2.41900338e-11 5.24603142e-12
 1.06169683e-12 1.99848816e-13 3.48573516e-14 5.60922899e-15
 8.28636101e-16 1.11726216e-16 1.36554264e-17 1.50059631e-18
 1.46797465e-19 1.26277389e-20 9.40363535e-22 5.93913812e-23
 3.09330110e-24 1.27558808e-25 3.90486148e-27 7.88860905e-29
```

7.88860905e-31]



2.5 Variable Continua: Distribución gaussiana

Mas información en: [scipy.stats.norm](#)

Para estudiar una distribución gaussiana vamos graficar una distribución normal con valor medio 15 y varianza 4 (o sea desvio estándar 2).

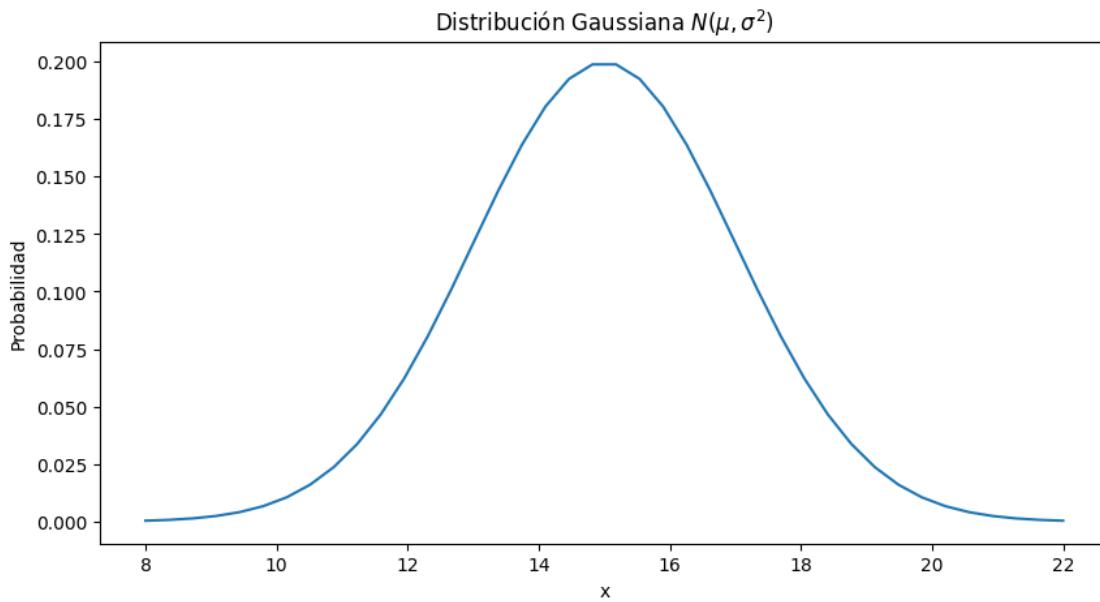
```
[36]: from scipy.stats import norm
mu=15.0
sigma=2.0
mi_gaussiana=norm(loc=mu,scale=sigma)
print ("OK")
```

OK

Para poder graficar la función de densidad de probabilidad de la gaussiana vamos a hacer;

```
[37]: # valores posibles
x = np.linspace(8.0,22.0,40)

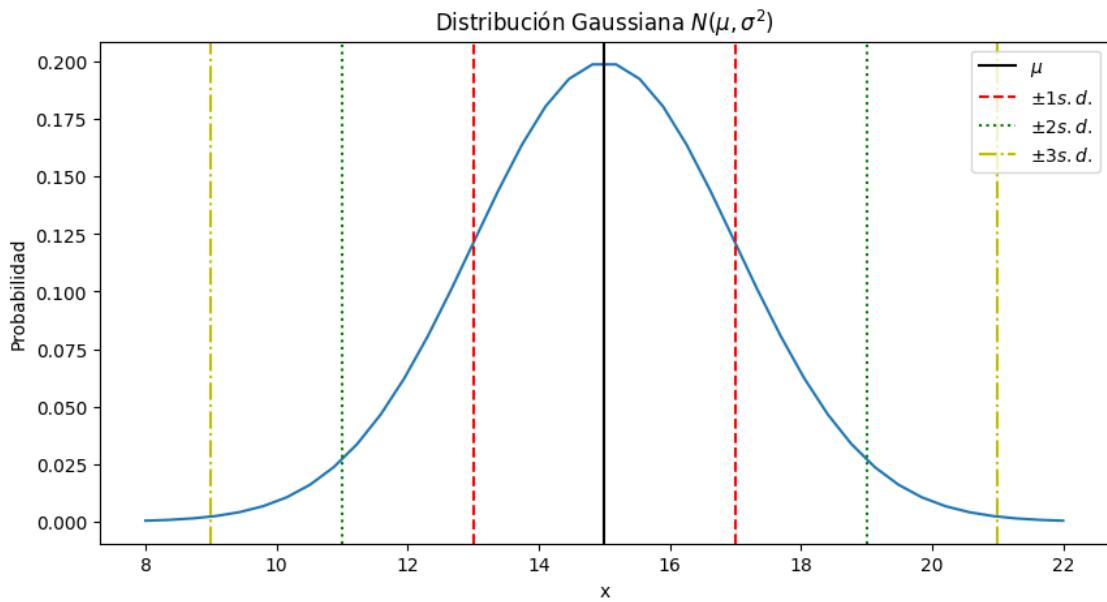
plt.figure(figsize = (10, 5))
plt.plot(x,mi_gaussiana.pdf(x))
plt.title(f"Distribución Gaussiana $N(\mu,\sigma^2)$")
plt.xlabel('x')
plt.ylabel('Probabilidad')
plt.show()
```



y podemos marcar la posición del valor medio, el valor medio ± 1 desvio estándar y el valor medio ± 2 desvios estándares.

```
[38]: plt.figure(figsize = (10, 5))
plt.plot(x,mi_gaussiana.pdf(x))
plt.axvline(mu,color='black',linestyle='solid',label='$\mu$')
plt.axvline(mu-sigma,color='r',linestyle='dashed',label='$\pm 1 \text{ s.d.}$')
plt.axvline(mu+sigma,color='r',linestyle='dashed')
plt.axvline(mu-2.0*sigma,color='g',linestyle='dotted',label='$\pm 2 \text{ s.d.}$')
plt.axvline(mu+2.0*sigma,color='g',linestyle='dotted')
plt.axvline(mu-3.0*sigma,color='y',linestyle='-.',label='$\pm 3 \text{ s.d.}$')
plt.axvline(mu+3.0*sigma,color='y',linestyle='-.')

plt.xlabel('x')
plt.title(f"Distribución Gaussiana $N(\mu, \sigma^2)$")
plt.xlabel('x')
plt.ylabel('Probabilidad')
plt.legend(loc='upper right')
plt.show()
```



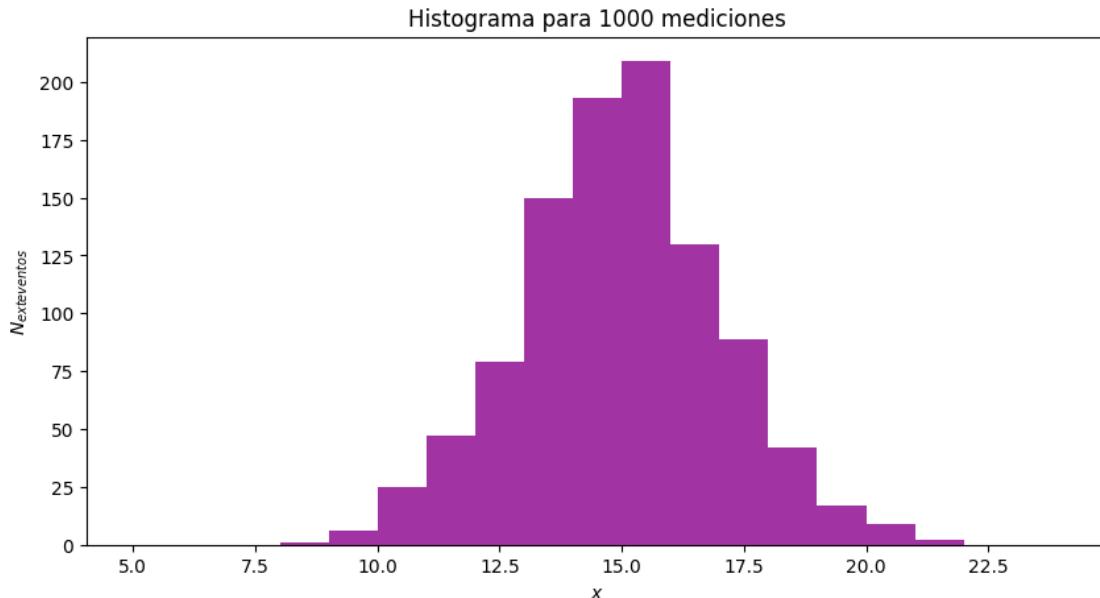
Ahora vamos a generar datos que sigan esta distribución. Para esto vamos a usar el método *rvs*

```
[39]: Nexp=1000
mediciones=mi_gaussiana.rvs(Nexp)
#print(mediciones)
print ("OK")
```

OK

```
[40]: bins=np.arange(5,25,1.0)

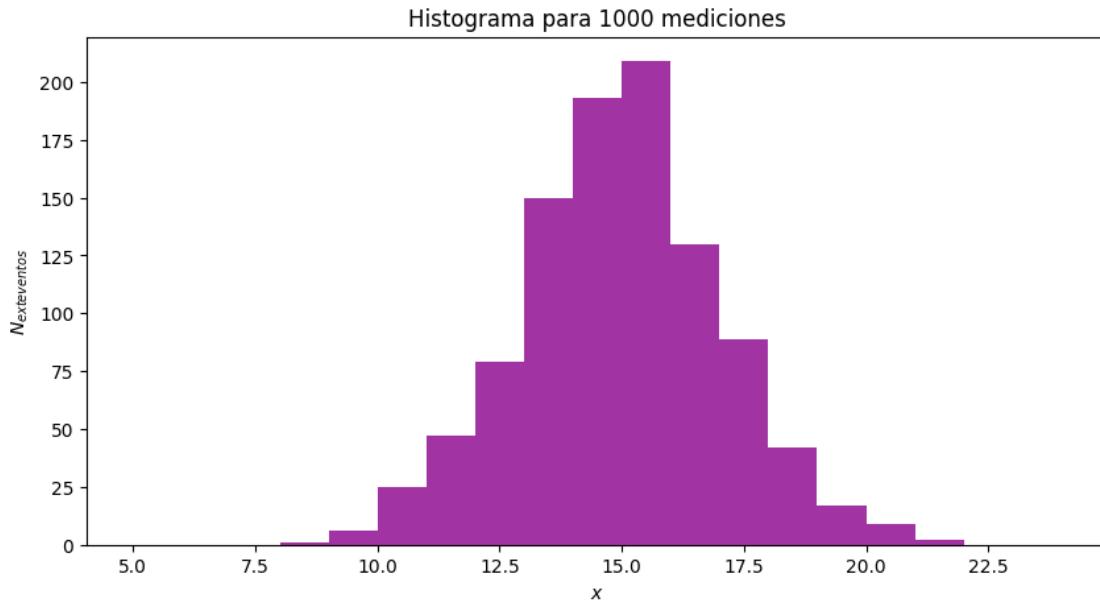
plt.figure(figsize = (10, 5))
plt.hist(mediciones,bins=bins,color='darkmagenta',alpha=0.8)
plt.xlabel('$x$')
plt.ylabel('$N_{\text{eventos}}$')
plt.title('Histograma para '+str(Nexp)+' mediciones')
plt.show()
```



```
[41]: # desempaquetando el histrograma
bins=np.arange(5,25,1.0)

plt.figure(figsize = (10, 5))
binned_data, hist_bins, pp = plt.
    hist(mediciones,bins=bins,color='darkmagenta',alpha=0.8) #,density='True')
plt.xlabel('$x$')
plt.ylabel('$N_{\text{eventos}}$')
plt.title('Histograma para '+str(Nexp)+' mediciones')
plt.show()

# imprimimos las lista de bines y la lista de número de eventos en cada bin
print(hist_bins)
print(binned_data)
# podemos calcular la integral debajo de la curva
print()
print('Número total de eventos: ',np.sum(binned_data))
```



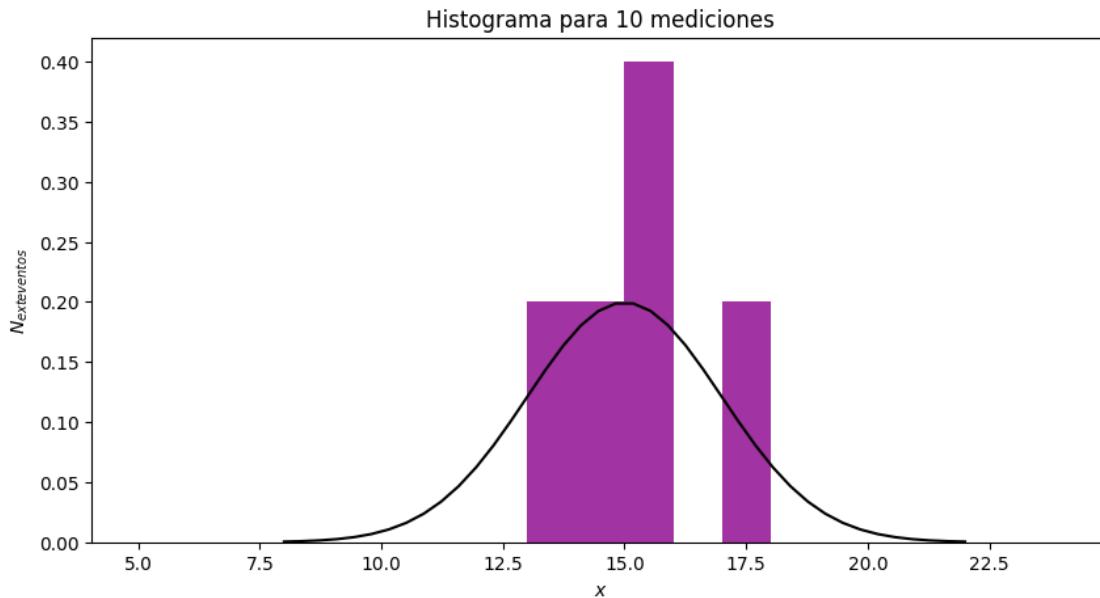
```
[ 5.  6.  7.  8.  9. 10. 11. 12. 13. 14. 15. 16. 17. 18. 19. 20. 21. 22.
23. 24.]  
[ 0.    0.    0.    1.    6.   25.   47.   79.  150.  193.  209.  130.   89.   42.
17.   9.   2.    0.    0.]
```

Número total de eventos: 999.0

Veamos ahora como la distribución depende del número de mediciones

```
[42]: Nexp=10
mediciones=mi_gaussiana.rvs(Nexp)
bins=np.arange(5,25,1.)

plt.figure(figsize = (10, 5))
plt.hist(mediciones,bins=bins,color='darkmagenta',alpha=0.8,density='True')
plt.plot(x,mi_gaussiana.pdf(x),color='black')
plt.xlabel('$x$')
plt.ylabel('$N_{\text{eventos}}$')
plt.title('Histograma para '+str(Nexp)+' mediciones')
plt.show()
```



Probabilidades Volviendo a la **función de distribución de probabilidad gaussiana**, vamos a calcular el porcentaje de eventos que tenemos a ± 1 desvío estándar. Para esto hay que acordarse de que la probabilidad de que x esté entre dos valores es el **área bajo la curva de la PFF entre esos dos valores**. Matemáticamente se suele representar el área por un símbolo semejante a una “S” distorsionada (y al cálculo del área se le llama “integral”). En python el área se puede calcular con la función “quad”. En resumen, la probabilidad de tener la variable x entre ± 1 desvío estándar, o sea, entre $\mu - \sigma$ y $\mu + \sigma$ se escribe como

$$\$ P(\pm 1) = \int_{\mu-\sigma}^{\mu+\sigma} f(x) dx \$$$

y se calcula así:

```
[43]: from scipy.integrate import quad
x_lower = mu-sigma # limite inferior
x_upper = mu+sigma # limite superior

val, abserr = quad(mi_gaussiana.pdf, x_lower, x_upper)
val
```

[43]: 0.682689492137086

Eso muestra que la región de x entre $\mu - \sigma$ y $\mu + \sigma$ contiene 68% de la probabilidad.

También podemos calcular la probabilidad de tener valores menores a 13, por ejemplo

$$\$ P(x < 13) = \int_{-\infty}^{13} f(x) dx \$$$

```
[44]: x_lower = -np.inf # limite inferior
x_upper = 13 # limite superior
```

```

val, abserr = quad(mi_gaussiana.pdf, x_lower, x_upper)
print(val)

# Tambien podemos usar sf de Scipy
print(mi_gaussiana.cdf(13))           # Cumulative density function

```

0.15865525393145705
0.15865525393145707

Y la probabilidad de tener valores mayores a 18

$$P(x > 18) = \int_{18}^{\infty} f(x) dx$$

```

[45]: x_lower = 18 # limite inferior
       x_upper = np.inf # limite superior

val, abserr = quad(mi_gaussiana.pdf, x_lower, x_upper)
print(val)

# Tambien podemos usar sf de Scipy
print(mi_gaussiana.sf(18))           # Survival function 1-cdf

```

0.06680720126885487
0.06680720126885807

Percentiles: El percentil es una medida de posición usada en estadística que indica, una vez ordenados los datos de menor a mayor, el valor de la variable por debajo del cual se encuentra un porcentaje dado de observaciones en un grupo. Por ejemplo, el percentil 20 es el valor bajo el cual se encuentran el 20% de las observaciones, y el 80% restante son mayores.

Queremos calcular el percentil 98, o sea a partir de que valor de x tenemos el 98% de los datos

```

[46]: value = mi_gaussiana.ppf(0.98)
      #value = norm.ppf(0.98, loc = 15, scale = 2)    # ppf = Percent point function
      value

```

[46]: 19.107497821263646

```

[47]: # la inversa seria
      print(norm.isf(0.02, loc=15, scale=2))          # Inverse survival function

```

19.107497821263646

¡Ahora ya están preparado/as para hacer los ejercicios de probabilidad!

2.6 Apéndice: Visualizando conceptos

Muchas veces una visualización ayuda a comprender mejor los conceptos. Así que vamos a dejarles documentado algunos trucos de *matplotlib* para pintar áreas debajo de una curva. Eso nos va a

permitir ver percentilos, y otros conceptos.

El truco es usar la función `fill_between` de matplotlib, que *pinta* el área delimitada por un rango de valores de `x` (y los valores de `y` que salgan de la función).

En resumen:

```
fill_between(rango_x, funcion)
```

Vamos a usar la distribución normal, pero pueden adaptar el código para otras distribuciones.

```
[49]: import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.stats import norm

media = 0
sigma = 3

# creamos el objeto que contiene la distribución
normal = norm(loc=media, scale=sigma)

# inicializamos dos plots
fig, ax = plt.subplots(2, constrained_layout = True)
# para el primer plot usamos ax[0]
# para el segundo, ax[1]

# y vamos ploteando por partes
# 1 - la distribución
x= np.arange(-10,10,0.001)
ax[0].plot(x, normal.pdf(x))
ax[0].set_title("Normal ( $\mu = 3, \sigma = 2$ )")
ax[0].set_xlabel('x')
ax[0].set_ylabel('pdf(x)')

# le ponemos una grilla
ax[0].grid(True)

# supongamos que queremos saber el valor de x tal que
# la probabilidad = 0.3, o sea el percentil 30
x3 = normal.ppf(0.3)

# ahora pintamos la parte de la curva
# generamos un rango x para pintar
rx = np.arange(-10, x3, 0.01) # el primer valor puede ser -infinito

# pintamos usando 'fill_between'
# pinta el rango x (rx en nuestro caso)
# debajo de la curva que le pasemos (normal.pdf(x) en nuestro caso)
# alpha = transparencia y color = ... bueno
ax[0].fill_between(rx, normal.pdf(rx), alpha=0.5, color='g')
```

```

# podemos agregar texto tambien!
coordx = -4.0
coordy = 0.02
texto = round(x3,2)
ax[0].text(coordx,coordy,texto, fontsize=10)

# ahora ploteamos la funcion cumulativa
# esto lo hacemos en otro subplot (el ax[1])
ax[1].plot(x, normal.cdf(x))
ax[1].set_title("Normal ( $\mu = 3, \sigma = 2$ )")
ax[1].set_xlabel('x')
ax[1].set_ylabel('p(x)')
ax[1].grid(True)

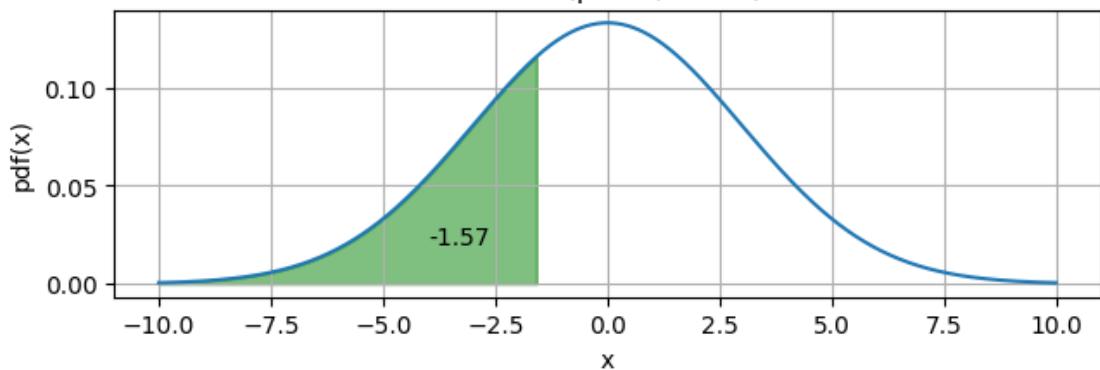
# y le pintamos la parte correspondiente de la curva
ax[1].fill_between(rx,normal.cdf(rx), alpha=0.5, color='g')

# y trazamos una linea
# para ver mejor, je
xl, yl = [-10, x3], [0.3, 0.3] # entre dos puntos se genera una recta,
ax[1].plot(xl, yl, color="red")

```

[49]: [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7fac5a4dca60>]

Normal ($\mu = 3, \sigma = 2$)



Normal ($\mu = 3, \sigma = 2$)

