Cas test 2

Etape préalable : créer un répertoire de travail, par exemple /tmp/test_2

Remarque : quand rien n'est précisé, laisser la valeur par défaut

1 Création du cas

Menu HOMARD, onglet « New case »

Dans la fenêtre qui apparaît :

- Directory : choisir le répertoire de travail créé au préalable
- Mesh: sélectionner le fichier test 2.00.med
- Cocher l'option « Curved Boundary »
- Discrete Boundary / Mesh : sélectionner le fichier test 2.fr.med

Valider par le bouton « OK ».

L'arbre d'étude s'enrichit de Case_1 et de l'itération initiale PLAQUE_0. Dans le module SMESH, les maillages PLAQUE 0 et plaque apparaissent avec l'icône de maillage importé.

2 La première itération

Création d'une nouvelle itération

Désigner à la souris l'itération initiale MAILL, puis à la souris, onglet « Next iteration »

Dans la fenêtre qui apparaît :

- Mesh n+1: modifier la valeur par défaut en donnant PLAQUE 1
- Cliquer sur Hypothesis / New

Création de la première hypothèse

Dans la fenêtre qui apparaît :

• Cocher l'option « Filtering with groups »

Dans la liste des groupes proposés, retenir « BANDE » et « EG ».

Valider par le bouton « OK ». On retourne à la fenêtre de création d'une itération. La liste d'hypothèses s'est enrichie de Hypo 1.

Validation de l'itération

Valider par le bouton « OK ». Sous le cas Case_1, l'arbre d'étude s'est enrichi de l'itération Iter_1, avec une icône signifiant que l'itération n'est pas calculée. L'arbre d'études s'est enrichi d'un onglet Hypotheses avec celle qui vient d'être créée, Hypo 1.

Calcul de l'itération

Désigner à la souris l'itération Iter 1, puis à la souris, onglet « Compute ».

L'icône de l'itération $Iter_1$ signifie désormais que l'itération est calculée. Sous l'itération, l'arbre d'étude s'est enrichi de trois fichiers : les deux premiers sont des fichiers texte, pouvant être visualisés par le choix « Show file » ; le troisième est le fichier med, contenant le maillage produit, pour information.

Dans le module SMESH, le maillage PLAQUE 1 apparaît avec l'icône de maillage produit.

3 La deuxième itération

Désigner à la souris l'itération Iter 1, puis à la souris, onglet « Next iteration »

Dans la fenêtre qui apparaît :

• Mesh n+1: modifier la valeur par défaut en donnant PLAQUE 2

Valider par le bouton « OK ». Sous le cas Case 1, l'arbre d'étude s'est enrichi de l'itération Iter 2.

Désigner à la souris l'itération Iter_2, puis à la souris, onglet « Compute ». Mêmes commentaires que pour Iter 1.

4 La troisième itération

Création d'une nouvelle itération

Désigner à la souris l'itération Iter 2, puis à la souris, onglet « Next iteration »

Dans la fenêtre qui apparaît :

- Mesh n+1: modifier la valeur par défaut en donnant PLAQUE 3
- Cliquer sur Hypothesis / New

Création d'une nouvelle hypothèse

Dans la fenêtre qui apparaît :

• Cocher l'option « Filtering with groups »

Dans la liste des groupes proposés, retenir «M D ».

Valider par le bouton « OK ». On retourne à la fenêtre de création d'une itération. La liste d'hypothèses s'est enrichie de $Hypo_2$, qui est sélectionnée.

Validation de l'itération

Valider par le bouton « OK ». Sous le cas Case_1, l'arbre d'étude s'est enrichi de l'itération Iter_3, avec une icône signifiant que l'itération n'est pas calculée. L'onglet Hypotheses s'est enrichi avec celle qui vient d'être créée, Hypo 2.

Calcul de l'itération

Désigner à la souris l'itération Iter_3, puis à la souris, onglet « Compute ». Mêmes commentaires que pour Iter 1.

5 Vérifications

Date mise à part , le fichier produit $/ tmp/test_2/I03/apad.03.bilan$ doit être identique au fichier test 2.apad.03.bilan qui se trouve dans le répertoire des cas-tests.

Si on fait un dump python, le fichier produit doit être similaire au fichier $test_2.py$ qui se trouve dans le répertoire des cas-tests.

Etat de la fenêtre Salome à la fin :

