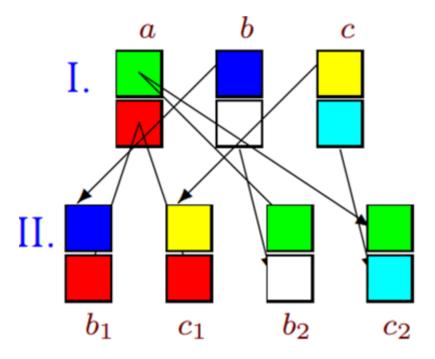
Эволюционные методы и Генетические алгоритмы

1.1.1 - Пусть дана начальная популяция из четырех хромосом с двумя генами х и у. Показатель качества хромосомы оценивается функцией Z. При равном качестве хромосом предпочтение отдается хромосоме с большим номером. На каждом этапе хромосома а с высшим качеством порождает четыре новых хромосомы b1, c1, b2, c2, обмениваясь генами с двумя хромосомами b и с более низкого качества по указанной схеме:



Последняя хромосома (с низшим качеством) выбывает из популяции. Найти максимальный показатель качества хромосомы в популяции и общее качество популяции после четырех этапов эволюции.

Потребуется несколько функций для реализации алгоритма. Напишем их.

```
In [9]: # φγκκιμα καчестβα χροмосом
def qZ(x, y):
    return (x - 3 * y + 1)/(3 * x**2 + 3 * y**2 + 1)

# Сумма качестβа хромосом
def qSumZ(Z):
    return sum(Z)

def exchangeScheme(oldX, oldY, sortedId):
    X = [0 for i in range(4)]
    Y = [0 for i in range(4)]

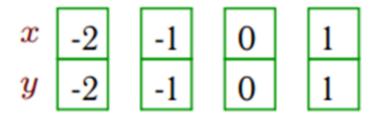
    X[2] = oldX[sortedId[2]]
    X[3] = oldX[sortedId[2]]

    X[0] = oldX[sortedId[0]]

    X[1] = oldX[sortedId[1]]
```

```
Y[0] = oldY[sortedId[2]]
    Y[1] = oldY[sortedId[2]]
   Y[2] = oldY[sortedId[0]]
   Y[3] = oldY[sortedId[1]]
    return X, Y
def sorting(Z):
    sortedId = sorted(range(len(Z)), key=lambda k: Z[k])
    return sortedId
# шаг эволюции
def evoStep(X, Y, Z):
    _, minId = min((value, id) for (id, value) in enumerate(Z))
   X = X[:]
   Y = Y[:]
    Z = Z[:]
   X.pop(minId)
   Y.pop(minId)
    Z.pop(minId)
    return X, Y, Z
def evoSteps(X, Y, stepsNum=4):
    results = []
    for i in range(4):
        arrZ = [qZ(x, Y[i]) \text{ for } i, x \text{ in } enumerate(X)]
        X, Y, Z = evoStep(X, Y, arrZ)
        X, Y = exchangeScheme(X, Y, sorting(Z))
        results.append([X, Y, qSumZ(arrZ), arrZ])
    return X, Y, results
```

Теперь, когда мы подготовились к решению задачи, написав все необходимые функции для реализации генетического алгоритма (оценки качества хромосом, сортировки потомков и эволюционных шагов), решим задачу в числах. Пусть даны следующие массивы хромосом X и Y:



Запишем их в требуемом виде и воспользуемся написанной функцией evoSteps.

```
In [10]: # объявление массивов хромосом

X = [-2, -1, 0, 1]

Y = [-2, -1, 0, 1]

# Реализация алгоритма

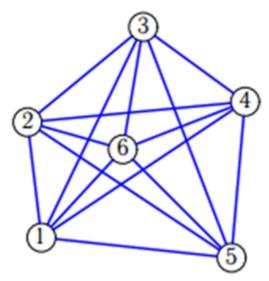
results = evoSteps(X, Y)
```

Теперь, выведем полученные значения для показателя качества хромосомы в популяции и общее качество популяции после четырех этапов эволюции. Для этого, воспользуемся циклом по значениям переменной results.

Рассмотрим решение задачи поиска оптимального маршрута на графе методом имитации отжига Для этого, представим формальную постановку задачи и рассмотрим пример, который иллюстрирует алгоритм решения.

Итак, необходимо Найти длину гамильтонова цикла S4 в полном графе K6 после четырех циклов решения задачи методом отжига. Даны расстояния Li,j между вершинами. Даны также: начальная последовательность вершин L0, последовательность замен вершин Z и выпавшие при этом вероятности перехода Pk, k=1,...,4.

1.2.1 - Итак, начальные условия задачи представляют собой следующий граф с расстояниями между ребрами:



```
\mathbf{V} = [1, 4, 5, 2, 6, 3, 1].

\mathbf{Z} = [V_3 \rightleftharpoons V_4], [V_4 \rightleftharpoons V_6],

[V_5 \rightleftharpoons V_2], [V_6 \rightleftharpoons V_2].

\mathbf{P} = 49, 54, 43, 54.
```

```
40
       42
       33
1 - 6
       21
       26
2 - 4
       38
2 - 5
       42
2 - 6
      17
      22
3 - 4
      43
       21
3 - 6
       27
       22
       26
```

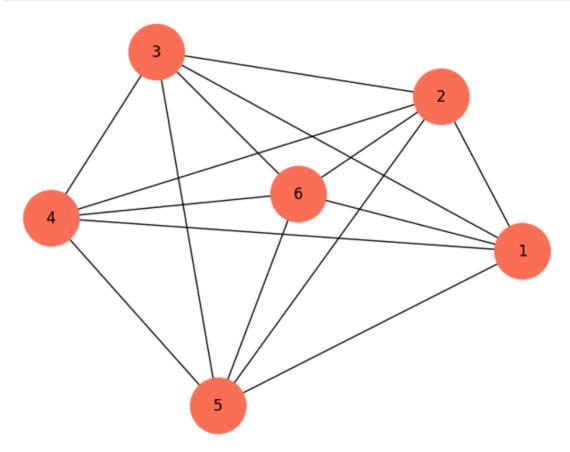
```
In [12]: import networkx as nx
         from math import e
         # Опишем массив длин ребер, последовательности прохождения
         # вершин на маршруте и их замены, значения Р, а также
         # начальную температуру
         distances = [(1, 2, 20),
                      (1, 3, 40),
                       (1, 4, 42),
                       (1, 5, 33),
                       (1, 6, 21),
                       (2, 3, 26),
                       (2, 4, 38),
                       (2, 5, 42),
                       (2, 6, 17),
                       (3, 4, 22),
                       (3, 5, 43),
                       (3, 6, 21),
                       (4, 5, 27),
                       (4, 6, 22),
                       (5, 6, 26)] # длины ребер
         V = [1, 4, 5, 2, 6, 3, 1] # последовательность прохождения маршрута
         Z = [(3, 4),
              (4, 6),
               (5, 2),
               (6, 2)] # последовательность замен вершин
         Р = [49, 54, 43, 54] # случайные числа, выпавшие в процессе счёта
         Т = 100 # начальная температура
         # функция вероятности
```

```
def probability(delta, T):
    return 100 * e ** (-delta / T)

# функция изменения температуры
def reductTemp(prevT):
    nextT = 0.5 *prevT
    return nextT

# построим граф
graph = nx.Graph() # создание пустого графа
graph.add_weighted_edges_from(distances) # добавление весов рёбер

# отрисовка графа с заданными вершинами
nx.draw_kamada_kawai(graph, node_color='#fb7258', node_size=2000, with_labels=Tr
```



Теперь, напишем необходимые, согласно алгоритму выше, функции для работы метода имитации отжига. Вычислим длину ребра:

```
return sum(edges)
# ф-ция для однократной перестановки в пути
def routeOneReplacement(arrV, Z, replacementByName=True):
    decrement = 1 if replacementByName else 0
    arrV[Z[0] - decrement], arrV[Z[1] - decrement] = arrV[Z[1] - decrement], arr
    return arrV
# перестановки в пути
def routeReplacement(V, Z):
   for z in Z:
        V = routeOneReplacement(V, z)
    return V
# Напишем алгоритм выбора подходящего пути методом отжига:
# выбор нужного пути методом отжига
def chooseRoute(distances, V, Z, T, P):
    sumLength = routeLength(V, distances)
    arrSum = [sumLength]
    # циклы методом отжига
    for i in range(len(Z)):
        newV = routeOneReplacement(V[:], Z[i]) # новый маршрут после перестановк
        newS = routeLength(newV, distances) # длина нового маршрута
        arrSum.append(newS)
        deltaS = newS - sumLength # разница между длиной нового и старого маршру
        # в случае, если разница между длинами больше 0, то вычисляется вероятно
        if deltaS > 0:
            p = probability(deltaS, T) # подсчет вероятности
            # если заданная вероятность попадает в интервал от 0 до р, то новый
            if p > P[i]:
                V = newV
                sumLength = newS
        else:
            V = newV
            sumLength = newS
        T = reductTemp(T) # вычисление температуры
    return V, arrSum
```

И нарисуем наш граф, отвечающий заданному маршруту

```
In [17]: def drawRouteGraph(distances, bestRoute):
    newDistances = []
# прохождение по бектору
for i in range(len(bestRoute) - 1):
    for distance in distances:
        if distance[0] == bestRoute[i] and distance[1] == bestRoute[i+1] or
        newDistances.append(distance)
graph = nx.Graph()
```

```
graph.add_weighted_edges_from(newDistances) # добавление весов ребер
# отрисовка графа с заданными вершинами
nx.draw_kamada_kawai(graph, node_color='#fb7258', node_size = 2000, with_lab

# Рассчитаем наилучший маршрут и его длину:

bestRoute, arrLength = chooseRoute(distances, V, Z, T, P)

print(f'Лучший выбранный маршрут: {bestRoute}')
print(f'Длина лучшего выбранного маршрута: {routeLength(bestRoute, distances)}')
print(f'Длины всех рассмотренных маршрутов {arrLength}')

drawRouteGraph(distances, bestRoute)
```

Лучший выбранный маршрут: [1, 6, 2, 3, 4, 5, 1] Длина лучшего выбранного маршрута: 146 Длины всех рассмотренных маршрутов [189, 209, 186, 146, 166]

