

PROPRIEDADES ÁCIDO-BASE DE AMINOÁCIDOS, POLIPEPTÍDEOS E PROTEÍNAS

- 1.1. Responda às seguintes questões com "verdadeiro" ou "falso".
- Só a pH muito baixo ou muito alto é que a forma não ionizada de um dado aminoácido predomina.
- b. A um valor de pH superior ao valor de pK_a de um grupo ionizável mais de 50% desses grupos estão ionizados.
- **1.2.** O grupo ε -carboxilo do ácido glutâmico tem um pK_a = 4.3.
- a. Que fracção destes grupos estão desprotonados (i.e. na forma –COO⁻) em solução diluída de ácido glutâmico a pH = 5.0?
- b. EapH = 3.6?
- Calcule as cargas formais do ácido glutâmico para os valores de pH das alíneas anteriores.
- **1.3.** O grupo γ -amino da lisina tem p $K_a = 10.5$.
- a. Que fracção deste grupo está protonada (i.e. na forma –NH₃⁺) em solução diluída de lisina a pH = 9.5?
- b. E a pH = 11.0?
- c. Calcule as cargas formais da lisina para valores os de pH das alíneas anteriores.
- **1.4 -** Cada grupo ionizável de um aminoácido tem dois estados possíveis de ionização, carregado e não carregado (*ex:* –COO⁻ e –COOH).
- a. Represente os estados possíveis de ionização do resíduo **SERINA**.
- b. Indique qual a forma predominante e a carga formal aos valores de pH iguais a 1.0; 2.2; 4.0; 7.0; 9.2 e 10.4.

$$COO^{-}$$
 $pK_{a1} = 2.2 (\alpha\text{-carboxilo})$ $H-C-CH_2-OH$ $pK_{a2} = 9.2 (\alpha\text{-amino})$ NH_3^+

2



1.5 - O aminoácido HISTIDINA apresenta três grupos ionizáveis:

$$PK_{a1} = 1.8 \ (\alpha \text{-carboxilo})$$
 $PK_{a2} = 9.2 \ (\alpha \text{-amino})$
 $PK_{a3} = 6.0 \ (\text{imidazol})$

Esquematize uma curva de titulação (pH / equiv. de base adicionada) a partir da forma totalmente protonada indicando as espécies presentes.

1.6 - A partir do colagénio isolado da cauda do canguru obteve-se uma prolina substituída (aminoprolina) ainda não caracterizada. Os valores de pK_a dos grupos ionizáveis foram obtidos a partir de curvas de titulação ácido-base.

H

H₃N-C-CH₂

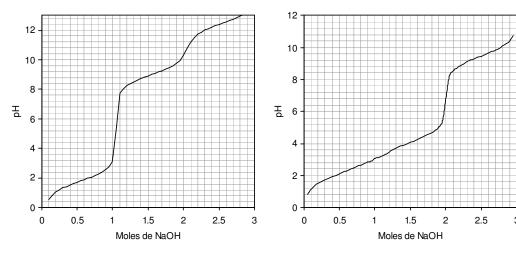
$$H_2$$
C

 H_2
 H_2 C

 H_2
 H

Indique todas as formas ionizadas deste aminoácido. Calcule o ponto isoeléctrico deste aminoácido.

1.7 - Usando os valores de pK_a indicados na tabela em anexo identificar os aminoácidos cujas curvas de titulação são mostradas nas figuras abaixo.



Bioquímic	a



- 1.8. Os aminoácidos podem ser usados como tampões. Uma solução tampão é uma solução que não varia apreciavelmente de pH quando se lhe adiciona ácido ou base. A zona na qual uma dada solução é um tampão efectivo é designada por "zona tampão" e é geralmente definida por pK_a ± 1.
- a. Indique a "zona tampão" da glicina, histidina, aspártico e lisina (sugestão: esboce as curvas de titulação e observe).
- b. Escolha um aminoácido para tamponizar a pH = 4.0, 6.0, 9.0 e 12.0.
- **1.9**. Um polipeptídeo isolado do cérebro tem a sequência:

Glu-His-Trp-Ser-Tir-Gli-Leu-Arg-Gli

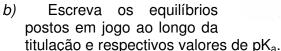
- a. Escreva a estrutura primária do polipeptídeo; represente por **R**i as cadeias laterais (ex.: RSer, RHis) indicando os grupos ionizáveis que existem.
- b. Representando por LH_n^{z+} a forma completamente protonada do peptídeo, indique o valor de 'n' e de 'z' desta forma.
- c. Indique todas as formas ionizáveis possíveis do polipeptídeo e indique os pK_a de cada equilíbrio.
- d. Calcule a carga formal do peptídeo a pH= 3, 5.5, 8 e 11.
- e. Calcule o pH correspondente ao ponto isoeléctrico deste polipeptídeo.
- **1.10 -** Considere o seguinte peptídeo:

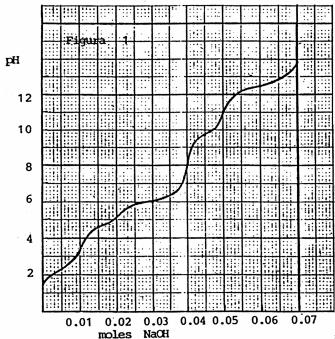
Glu-Leu-Arg-Met-Glu-Trp-Arg-Ala-Trp-Glu

- a. Suponha que vai titular na forma Lⁿ⁻ indique todos os equilíbrios desde a forma totalmente desprotonada até à forma totalmente protonada referindo quais os grupos envolvidos em cada passo e os respectivos valores de pK_a.
- b. Desenhe a curva de titulação. Justifique.
- c. Calcule o pH do ponto isoeléctrico.



- 1.11- Na titulação de 0.01 moles de um peptídeo na sua forma completamente protonada foram gastos 0.07 moles de NaOH. Na figura apresenta-se a curva de titulação realizada. composição de aminoácidos revelou somente a presença de três
 - tipos de aminoácidos (Glu, His, Arg).
 - Através da curva de a) titulação observada determine a composição de aminoácidos deste peptídeo. Justifique.





- c) Calcule a carga total do peptídeo a pH 4.0 e a pH 6.0.
- d) Determine o pH do ponto isoeléctrico deste peptídeo.
- 1.12. Duas proteínas, A e B, contêm os seguintes números de resíduos de aminoácidos ionizáveis (resíduos por mole) cujos pK_a medidos na proteína são:

	pka	Proteína A	Proteína B
Ácido aspártico ou glutâmico	4.5	16	11
Histidina	6.5	2	9
Cisteína	8.0	2	
Tirosina	9.9	4	8
Lisina	10.2	14	12
Arginina	>12	10	8
α-COOH (C-terminal)	3.8	2	1
α-NH ₂ (N-terminal)	8.0	2	1
- ' /			

Indique a carga aproximada de cada um destes resíduos a pH=5.5 e pH=8.0 (suponha que tem 100% de uma forma se pH estiver a mais que uma unidade de diferença do pk_A.). Calcule depois a carga total de cada proteína a estes dois valores de pH.



Apêndice

Os Aminoácidos Comuns: Estruturas e valores de PK_a.

Name, Three-letter Symbol, and One-letter Symbol		Residue Mass (D) ^b	Average Occurence in Proteins (%) ^c	pK_1 α -COOH d	pK_2 α -NH $_3^+$	pK _R Side chain ^a
Amino acids with nonpole Glycine COO- Gly H-C-H G NH ₃		57.0	7.2	2.35	9.78	
NH ₃ ⁺ Alanine COO- Ala H-C-CH A NH ₃ ⁺ Valine COO-	\mathfrak{l}_3	71.1	7.8	2.35	9.87	
Valine COO- Val H-C-C! V NH3+	CH ₃ H CH ₃	99.1	6.6	2.29	9.74	
Leucine COO- Leu H-C-CH L NH ₃ +	CH ₃ CH ₃	113.2	9.1	2.33	9.74	
(soleucine COO^-) (le $H-C$ NH_3^+	CH ₃ -C*—CH ₂ —CH ₃ H	113.2	5.3	2.32	9.76	
Methionine COO-	2-CH ₂ -S-CH ₃	131.2	2.2	2.13	9.28	
Proline H ₂ Pro COO-C ₃ P H N	CH ₂ CH ₂	97.1	5.2	1.95	10.64	
Phenylalanine COO- Phe H-C-CH NH ₃	I_2	147.2	3.9	2.20	9.31	
Tryptophan COO- Trp H-C-CH W NH ₃ +	$\begin{array}{c} I_2 \\ \downarrow \\ N \\ H \end{array}$	186.2	1.4	2.46	9.41	

^a The ionic forms shown are those predominating at pH 7.0 although residue mass is given for the neutral compound. The C_a atoms, as well as those atoms marked with an asterisk, are chiral centers with configurations as indicated according to Fischer projection formulas. The standard organic numbering system is provided for heterocycles.

b The residue masses are given for the neutral residues. For the molecular masses of the parent amino acids, add 18.0 D, the molecular mass of H₂O, to the

residue masses. For side chain masses, subtract 56.0 D, the formula mass of a peptide group, from the residue masses

^c Calculated from a database of nonredundant proteins containing 300,688 residues as compiled by Doolittle, R. F. in Fasman, G, D. (Ed.), Predictions of Protein Structure and the Principles of Protein Conformation, Plenum Press (1989).

d Source: Dawson, R.M.C., Elliott, D.C., Elliott, W.H. and Jones, K.M., Data for Biochemical Research (3rd ed.), pp. 1-31, Oxford Science Publications

<sup>(1986).

*</sup> The three- and one-letter symbols for asparagine or asparatic acid are Asx and B, whereas for glutamine or glutamic acid they are Glx and Z. The one-letter symbol for an undetermined or "nonstandard" amino acid is X.



Name, Three-letter Symbol, and One-letter Symbol	Structural Formula ^a	Residue Mass (D) ^b	Average Occurence in Proteins (%) ^c	p <i>K</i> ₁ α-COOH ⁴	pK ₂ α-NH ₃ 4	p <i>K</i> _R Side chain ^d
Amino acids with uncharg	ed polar side chai	ns				
Serine COO- Ser H-C-CH ₂ -(S NH ₃ +		87.1	6.8	2.19	9.21	
Threonine COO H Thr H C C* T NH ₃ OH		101.1	5.9	2.09	9.10	
Asparagine ^e COO- Asn H-C-CH ₂ - N NH ₃ +	O C NH ₂	114.1	4.3	2.14	8.72	
Glutamine COO- Gln H-C-CH ₂ -Q Q NH ₃ +	CH ₂ -C	128.1	4.3	2.17	9.13	
Tyrosine COO^- Tyr $H - C - CH_2 - CH_3$ NH_3^+	—он	163.2	3.2	2.20	9.21	10.46 (phenol)
Cysteine COO- Cys H-C-CH ₂ : C NH ₃ +	SH	103.1	1.9	1.92	10.70	8.37 (sulfhydryl)
Amino acids with charged	polar side chains					
Lysine COO- Lys H-C-CH ₂ -(K NH ₃ +	CH ₂ —CH ₂ —CH ₂ ·	128.2 —NH ₃ +	5.9	2.16	9.06	10.54 (ε-NH ₃ ⁺)
Arginine COO- Arg H-C-CH ₂ -CH ₂ - R NH ₃ +	-CH ₂ -NH-C	NH ₂ 156.2	5.1	1.82	8.99	12.48 (guanidino
Histidine COO^- His $H-C-CH_2-$ H NH_3^+	3 1 N H	137.1	2.3	1.80	9.33	6.04 (imidazole)
Aspartic acide COO- Asp H-C-CH ₂ - D NH ₃ +	0	115.1	5.3	1.99	9.90	3.90 (β-COOH)
Glutamic acide COO- Glu H-C-CH E NH ₃ ⁺		129.1	6.3	2.10	9.47	4.07 (γ-COOH)