ÁRBOLES DE DECISIÓN

Dado el siguiente conjunto de datos:

Edad	Antecedentes	Volumen	Valor	Cáncer de
	Familiares	Próstata (mm ³)	PSA	Próstata
<45	N	< 60	< 4	N
<45	N	< 60	< 4	N
[45,70]	N	> 60	[4,10]	P
>70	N	> 60	> 10	P
>70	S	< 60	[4,10]	N
>70	S	< 60	>10	P
[45,70]	S	> 60	< 4	N
<45	N	< 60	[4,10]	N
<45	S	< 60	< 4	N
>70	S	< 60	< 4	N
<45	S	> 60	[4,10]	P
[45,70]	N	> 60	>10	P
[45,70]	S	< 60	[4,10]	P
>70	N	> 60	> 10	P

Tabla 1

Considerando los datos de la *tabla 1*, se pretende construir un clasificador basado en árboles de decisión.

Se definen las siguientes medidas:

Entropía o Cantidad de Información:

Si un experimento puede tener m resultados distintos: v_1, v_2, \dots, v_m que se pueden producir con probabilidades $P(v_1), P(v_2), \dots, P(v_m)$, la cantidad de información I que se obtiene al conocer el resultado real del experimento es:

$$I[P(v_1), P(v_2), \dots, P(v_m)] = \sum_{i=1}^{m} -P(v_i) \log_2 P(v_i)$$

Entropía Residual:

La información residual respecto a un atributo A es la cantidad de entropía que se debe reducir para clasificar una instancia después de emplear el atributo A.

$$I_{RES}(A) = \sum_{v \in V(A)} P(v) \times I(E_v)$$

Ganancia de Información:

La ganancia de información es la reducción esperada en la entropía tras la partición de los ejemplos de acuerdo a un atributo A.

$$G(A) = I - I_{RES}(A)$$

Se deben calcular los siguientes elementos:

• Entropía inicial del problema considerando las clases de salida:

I = -P(C'ancer de Pr'ostata=P) log2(P(C'ancer de Pr'ostata=P)) - P(C'ancer de Pr'ostata=N) log2(P(C'ancer de Pr'ostata=N)) = -(7/14) log2(7/14) - (7/14) log2(7/14) = 1

• Información residual y ganancia para cada atributo

Para el atributo Edad

Se determina en primer lugar las siguientes cantidades que se utilizarán para realizar los cálculos de entropías.

Valores del atributo: $V(Edad) = \{ < 45, [45,70], > 70 \}$

Distribución de los ejemplos por clase: $E_{TOT} = \begin{bmatrix} 7N & 7P \end{bmatrix}$

Distribución de los ejemplos para cada rango del atributo:

$$E_{<45} = \begin{bmatrix} 4N & 1P \end{bmatrix}$$

 $E_{[45,70]} = \begin{bmatrix} 1N & 3P \end{bmatrix}$
 $E_{>70} = \begin{bmatrix} 2N & 3P \end{bmatrix}$

$$\begin{split} I(E_{<\!45}) &= -P(C\'{a}ncer~de~Pr\'{o}stata=N~|~Edad<\!45)~log2(P(C\'{a}ncer~de~Pr\'{o}stata=N|Edad<\!45))-~P(C\'{a}ncer~de~Pr\'{o}stata=P~|~Edad<\!45))-~P(C\'{a}ncer~de~Pr\'{o}stata=P|Edad<\!45))= -(4/5)~log2(4/5)- (1/5)~log2(1/5)=0.72 \end{split}$$

$$\begin{split} I(E_{[45,70]}) &= -P(\text{Cáncer de Próstata=N} \mid \text{Edad=[45,70]}) \ \log 2(P(\text{Cáncer de Próstata=N} \mid \text{Edad=[45,70]})) - P(\text{Cáncer de Próstata=P} \mid \text{Edad=[45,70]}) \ \log 2(P(\text{Cáncer de Próstata=P} \mid \text{Edad=[45,70]})) = -(1/4) \ \log 2(1/4) - (3/4) \ \log 2(3/4) = 0.811 \end{split}$$

 $I(E_{>70}) = -P(C$ áncer de Próstata=N | Edad>70) log2(P(Cáncer de Próstata=N|Edad>70))- -P(Cáncer de Próstata=P | Edad>70) log2(P(Cáncer de Próstata=P|Edad>70))= -(2/5) log2(2/5)- (3/5) log2(3/5) = 0.97

$$G(Edad) = I - I_{RES}(Edad) = \sum_{v \in V(Edad)} P(v) \times I(E_v) = 1 - (5/14) \text{ I}(E_{<45}) - (4/14) \text{ I}(E_{[45,70]})$$
$$- (5/14) \text{ I}(E_{>70}) = 1 - (5/14) \cdot 0.72 - (4/14) \cdot 0.811 - (5/14) \cdot 0.97 = 0.165$$

Para el atributo Antecedentes Familiares

$$V(AF) = \{N, S\}$$

$$E_{TOT} = \begin{bmatrix} 7N & 7P \end{bmatrix}$$

$$E_{N} = \begin{bmatrix} 3N & 4P \end{bmatrix}$$

$$E_{P} = \begin{bmatrix} 4N & 3P \end{bmatrix}$$

 $I(E_N) = -P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid AF=N) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid AF=N)) - P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid AF=N) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid AF=N)) = -(3/7) log2(3/7) - (4/7) log2(4/7) = 0.985$

 $I(E_P) = -P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid AF=P) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid AF=P)) - P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid AF=P) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid AF=P)) = -(4/7) log2(4/7) - (3/7) log2(3/7) = 0.985$

G(Antecedent esFamiliar es) =
$$I - I_{RES}$$
(Antecedent esFamiliar es) = $\sum_{v \in V(AF)} P(v) \times I(E_v)$
= 1 - (7/14) I(E_N) - (7/14) I(E_P) = 1-(7/14).0.985 -(7/14).0.985 = 0.0147

Para el atributo Volumen Próstata

$$V(VP) = \{<60, >60\}$$

$$E_{TOT} = \begin{bmatrix} 7N & 7P \end{bmatrix}$$

$$E_{<60} = \begin{bmatrix} 6N & 2P \end{bmatrix}$$

$$E_{>60} = \begin{bmatrix} 1N & 5P \end{bmatrix}$$

$$\begin{split} I(E_{<60}) &= \text{-P(C\'ancer de Pr\'ostata=N } \mid VP<60) \; log2(P(C\'ancer de Pr\'ostata=N \mid VP<60)) - P(C\'ancer de Pr\'ostata=P \mid VP<60) \; log2(P(C\'ancer de Pr\'ostata=P \mid VP<60)) = -(6/8) \; log2(6/8) - (2/8) \; log2(2/8) = 0.811 \end{split}$$

 $I(E_{>60})$ = -P(Cáncer de Próstata=N | VP>60) log2(P(Cáncer de Próstata=N | VP>60))--P(Cáncer de Próstata=P | VP>60) log2(P(Cáncer de Próstata=P | VP>60))= -(1/6) log2(1/6)- (5/6) log2(5/6) = 0.650

$$G(VP) = I - I_{RES}(VP) = \sum_{v \in V(VP)} P(v) \times I(E_v) = 1 - (8/14) \text{ I}(E_{<60}) - (6/14) \text{ I}(E_{>60}) = 1 - (8/14) \cdot 0.811 - (6/14) \cdot 0.650 = 0.258$$

Para el atributo PSA

$$V(PSA) = \{<4, [4,10], >10\}$$

$$E_{TOT} = [7N 7P]$$

$$E_{<4} = [5N 0P]$$

$$E_{[4,10]} = [2N 3P]$$

$$E_{>10} = [0N 4P]$$

 $I(E_{<4}) = -P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid PSA<4) \ log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid PSA<4)) - P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid PSA<4) \ log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid PSA<4)) = -(5/5) \ log2(5/5) - (0/5) \ log2(0/5) = 0$

$$\begin{split} I(E_{[4,10]}) &= -P(\text{Cáncer de Próstata=N} \mid PSA = [4,10]) \ log2(P(\text{Cáncer de Próstata=N} \mid PSA = [4,10])) - P(\text{Cáncer de Próstata=P} \mid PSA = [4,10]) \ log2(P(\text{Cáncer de Próstata=P} \mid PSA = [4,10])) = -(2/5) \ log2(2/5) - (3/5) \ log2(3/5) = 0.97 \end{split}$$

 $I(E_{>10}) = -P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid PSA > 70) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=N \mid PSA > 10)) - -P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid PSA > 10) log2(P(C\'{a}ncer de Pr\'{o}stata=P \mid PSA > 10)) = -(0/4) log2(0/4) - (4/4) log2(4/4) = 0$

$$G(PSA) = I - I_{RES}(PSA) = \sum_{v \in V(PSA)} P(v) \times I(E_v) = 1 - (5/14) I(E_{<4}) - (5/14) I(E_{[4,10]}) - (4/14) I(E_{>10}) = 1 - (5/14) .0 - (5/14) .0.97 - (4/14) .0 = 0.346$$

Considerando los valores de ganancia de información para cada atributo el algoritmo ID3 elegirá PSA como primera variable de separación.

El proceso de seleccionar un nuevo atributo y particionar los ejemplos de entrenamiento es repetido ahora para cada nodo descendiente no-terminal, usando esta vez sólo los ejemplos de entrenamiento asociados con este nodo. Los atributos que han sido incorporados más alto en el árbol son excluidos y por consiguiente, cualquier atributo puede aparecer a lo sumo una vez en cualquier paso del árbol.

El proceso continúa para cada nuevo nodo hoja, hasta que alguna de las siguientes 2 condiciones es alcanzada:

- 1. Todo atributo ya ha sido incluido en este paso a través del árbol.
- 2. Todos los ejemplos de entrenamiento asociados con este nodo hoja tienen el mismo valor de atributo objetivo (entropía = 0).

El árbol resultante es el siguiente:

