

Análisis Exploratorio y Estadístico

Mortalidad en Salmo salar por bloom de algas y OD

Felipe Tucca Díaz

INTESAL

2022-06-30

Estructura del trabajo exploratorio y estadístico

1) Introducción

- Descripción de la problemática.

2) Análisis exploratorio de los datos

- Histograma biomasa muerta (toneladas) por causa (Bloom algas/Oxígeno disuelto).
- Boxplot biomasa muerta por causa entre el 2011 al 2022.

3) Análisis estadístico de los datos

- Modelos lineales simples y múltiple.
- Comparación de modelos usando RSS-AIC.

4) Conclusiones del trabajo

Introducción

Descripción de la problemática

- Base de datos presenta registros de mortalidad por causa **bloom de algas y disminución de oxígeno disuelto (OD)**.
- 23 centros de cultivos reportaron la causal de mortalidad en salmones para un barrio de la Región de Los Lagos.
- El salmón del Atlántico (*Salmo salar*) es la especie más cultivada en el barrio.
- Los registros corresponden a mortalidades entre los años 2011 e inicio del 2022 (Total de registros= 1224).
- Las variables de estudio fueron causa mortalidad, peso (g) del salmón, años, mes, semana de registro y la identificación de cada centro de cultivo que operó entre el 2011 al 2022.

Objetivos del estudio

- Evaluar la causa de mortalidad por bloom de algas y OD sobre la especie *Salmo salar* para un barrio del sur de Chile entre los años 2011 a inicios del 2022.
- Generar un modelo lineal que mejor ajuste la predicción de mortalidad en la biomasa de salmones.

Análisis exploratorio de los datos

- Existen datos desbalanceados por causa de muertes en salmonidos: Causas bloom de algas ($n= 360$) y OD ($n= 864$).
- **Año 2021** presentó una mayor biomasa muerta para los últimos 10 años.
- No existe correlación significativa ($p<0.05$) entre las causas de muerte por bloom de algas y disminución de OD en el barrio.
- **Ha existido una mayor biomasa muerta (ton) en el barrio a causa del bloom de algas.**

HISTOGRAMA

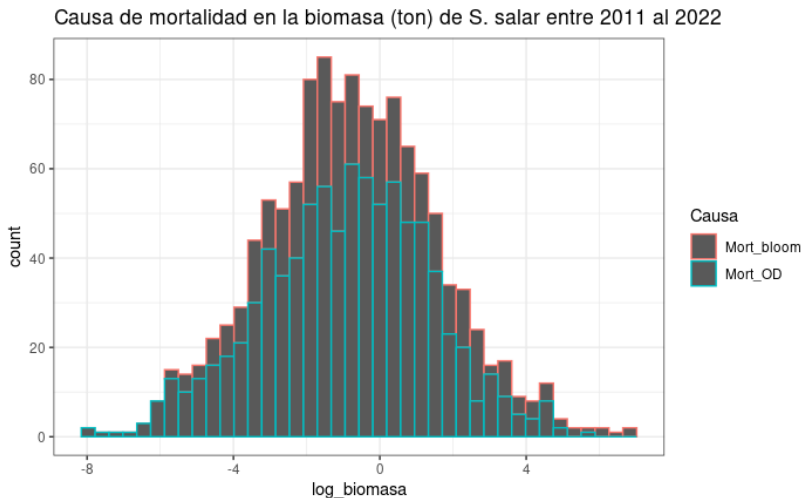


Figure 1: Histograma biomasa muerta (toneladas) por causa

Boxplot: Datos faltantes y datos atípicos

- Boxplot consideró la causa de muerte sobre la biomasa de peces entre el 2011 al 2022.
- Existen datos faltantes principalmente para la causa bloom de algas.
- Valores atípicos se presentaron para los dos casos de mortalidad en salmones.

BOXPLOT

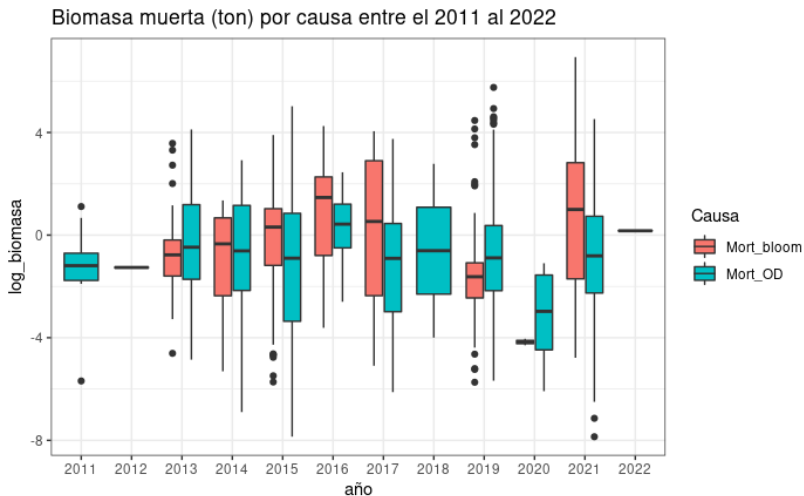


Figure 2: Boxplot biomasa muerta por año y causa

Biomasa muerta en relación a la semana de registro

- Se evidencia la ocurrencia de un evento temporal puntual que generó una alta mortalidad en la biomasa de salmones.
- Año 2021 presentó la mayor mortalidad registrada históricamente en este barrio (Log biomasa muerta > 5).
- La mortalidad por **bloom de algas** para el años 2021 generó *valores atípicos* de mortalidad en el barrio.

Relación biomasa muerta y las semanas que se reportó mortalidad

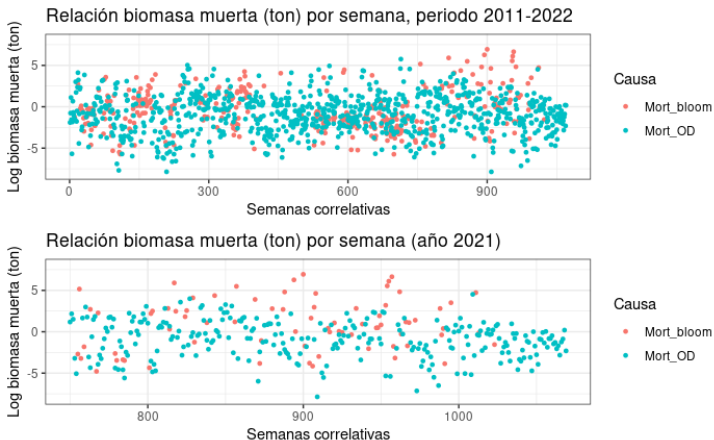


Figure 3: Biomasa muerta por semana y causa

Análisis exploratorio de los datos: Mortalidad bloom vs OD

- La mayor biomasa muerta es por causa de bloom de algas, alcanzando 16 toneledas en los ultimos 10 años.
- La mortalidad por OD alcanzó las 4.1 toneladas.
- El peso promedio de los salmones muertos fue de 3.1 kilogramos (+/- 1.5 kg.)

Tabla resumen de la biomasa muerta por causa

Table 1: Resumen de la biomasa muerta (toneladas) para la especie *S. salar* por causa entre los años 2011 al 2021

Causa	N	Promedio	DE	Mediana
Mort_bloom	360	16.184949	82.38176	0.4478442
Mort_OD	864	4.071008	16.81336	0.4349179

Análisis estadístico de los datos: Modelo lineal simple

- Se realizó un **modelo de regresión lineal simple** con los factores centro, semanas y años.
- Los modelos fueron estadísticamente significativos ($p < 0.05$), pero con un bajo ajuste o R^2 ajustado menor al 7%.

Hipótesis modelo lineal simple

- Basado en estos modelos de regresión simple se rechazó hipótesis nula que postuló:

Hipótesis nula (H0): Existe similitud en la biomasa muerta entre centros/semanas/años.

- se aceptó H1 con un $p < 0.05$:

Hipótesis alternativa (H1): No existe similitud en la biomasa muerta entre centros/semanas/años.

Hipótesis modelo lineal múltiple

- Para el **modelo de regresión múltiple** se postularon las siguientes hipótesis:

H0:

$$\beta_j = 0; j = 1, 2, \dots, k$$

H1:

$$\beta_j \neq 0; j = 1, 2, \dots, k$$

- El modelo cumplió con los tres supuestos: linealidad, homogeneidad de varianza y normalidad.

Análisis estadístico de los datos: Ajuste modelo lineal múltiple

- La modelación integró los factores causa, centro, año, mes y la interacción entre causa y año.
- El modelo nos entrega como resultado coeficientes distintos de cero, por lo tanto, se rechaza la H_0 (valores p menores al 5%).
- El valor R^2 ajustado de esta modelación múltiple correspondió a un 23%.

Análisis de varianza (ANOVA)

	Df	Sum Sq	Mean Sq	F value	Pr(>F)
Causa	1	63.15504	63.155039	14.624314	0.0001381
año	11	248.97448	22.634044	5.241187	0.0000000
centro_id	22	615.45852	27.975387	6.478040	0.0000000
mes	11	665.02969	60.457244	13.999607	0.0000000
Causa:año	7	175.41762	25.059660	5.802868	0.0000012
Residuals	1171	5056.95851	4.318496	NA	NA

Comparación de modelos por RSS y AIC

- Fueron usados criterios de residuales (RSS) y Akaike (AIC)
- Ambos criterios sugieren que el modelo lineal múltiple presenta mejor predicción y ajuste (23%).

Res.Df	RSS	Df	Sum of Sq	F	Pr(>F)
1201	6252.877	NA	NA	NA	NA
1212	6270.714	-11	-17.83663	0.3754807	0.9656779
1212	6550.265	0	-279.55122	NA	NA
1171	5056.959	41	1493.30669	8.4339818	0.0000000

	df	AIC
modelo1_anova1_centro	24	5517.805
modelo2_anova2_mes	13	5499.291
modelo3_anova3_año	13	5552.676
lm.aov_biomasa	54	5317.978

Interpretación y conclusiones del trabajo

- Análisis exploratorio muestra mayor mortalidad de la biomasa de peces en el barrio por bloom de algas.
- Mortalidades debido a bajas de OD presentaron mayor frecuencia de registro.
- Se realizó ANOVA con un vía de criterio de clasificación para los factores centro de cultivo, semanas y años con ajustes menores al 7%.
- Modelo lineal múltiple agrupó todas los factores mostrando significativamente un mejor ajuste de la predicción para la variable biomasa muerta.
- Análisis comparativo por RSS y AIC determinaron que la **regresión lineal múltiple representa una mejor predicción**