Proyecto Final

Leilani Reséndiz Álvarez

Ejercicio 1

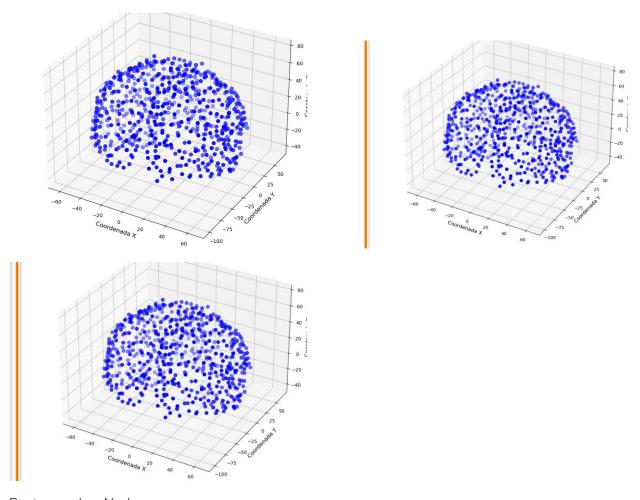
Definir grafos con la matriz estableciendo umbrales de coactivación de 0.8, 0.9 y 1 y graficar cada grafo. Añadir las coordenadas tridimensionales (incluidas en el archivo.mat).

```
import scipy.io as sp
import numpy as np
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt
\label{eq:data} data = sp.loadmat (r"C:\Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre~5\Modelos~computacionales\Coactivation\_matrix.mat")
coactivation_matrix = data['Coactivation_matrix']
coordinates = data['Coord']
x_coords, y_coords, z_coords = coordinates[:, 0], coordinates[:, 1], coordinates[:, 2]
thresholds = [0.8, 0.9, 1]
for threshold in thresholds:
   filtered_matrix = (coactivation_matrix >= threshold).astype(int)
  graph = nx.from\_numpy\_array(filtered\_matrix)
  fig = plt.figure(figsize=(10, 10))
   ax = fig.add_subplot(projection='3d')
   ax.scatter(x_coords, y_coords, z_coords, c='blue', s=50, label='Nodos')
   print(f'\nConexiones\ para\ el\ grafo\ con\ umbral\ \{threshold\}:')
   for edge in graph.edges():
      node_a, node_b = edge
      x_pair = [x_coords[node_a], x_coords[node_b]]
      y_pair = [y_coords[node_a], y_coords[node_b]]
      z_pair = [z_coords[node_a], z_coords[node_b]]
      ax.plot(x_pair, y_pair, z_pair, c='green', alpha=0.7, linewidth=1)
      print (f'Conexión\ entre\ nodos\ \{node\_a\}-\{node\_b\}:\ x=\{x\_pair\},\ y=\{y\_pair\},\ z=\{z\_pair\}')
```

```
ax.set_title(f'Grafo con Umbral {threshold}', fontsize=16)
ax.set_xlabel('Coordenada X', fontsize=12)
ax.set_ylabel('Coordenada Y', fontsize=12)
ax.set_zlabel('Coordenada Z', fontsize=12)
ax.legend()
```

plt.show()

GRAFOS:



Puntos azules: Nodos

Grafo 1: umbral 0.8 / Grafo 2: umbral 0.9 / grafo 3: Umbral 1

Ejercicio 2

Con uno de los grafos en el punto uno con umbral 0.9, generar una animación donde se haga girar 360° el grafo del cerebro para visualizar las conexiones establecidas

```
import scipy.io as sp
import numpy as np
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt
from matplotlib.animation import FuncAnimation, PillowWriter
from IPython.display import Image
\label{eq:data} data = sp.loadmat (r"C:\Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre~5\Modelos~computacionales\Coactivation\_matrix.mat")
coactivation\_matrix = data['Coactivation\_matrix']
coordinates = data['Coord']
x_points, y_points, z_points = coordinates[:, 0], coordinates[:, 1], coordinates[:, 2]
threshold = 0.9
filtered_matrix = (coactivation_matrix >= threshold).astype(int)
graph = nx.from_numpy_array(filtered_matrix)
fig = plt.figure(figsize=(10, 10))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
ax.scatter(x_points, y_points, z_points, c='red', s=50, label='Nodos')
for edge in graph.edges():
  start, end = edge
  x_{ine} = [x_{points}[start], x_{points}[end]]
  y_line = [y_points[start], y_points[end]]
  z_line = [z_points[start], z_points[end]]
   ax.plot(x_line, y_line, z_line, c='blue', alpha=0.6)
ax.set_title(f'Conexiones para umbral {threshold}', fontsize=20)
ax.set_xlabel('Eje X', fontsize=14)
ax.set_ylabel('Eje Y', fontsize=14)
ax.set_zlabel('Eje Z', fontsize=14)
ax.legend()
def iniciar_animacion():
   ax.view_init(elev=30, azim=0)
```

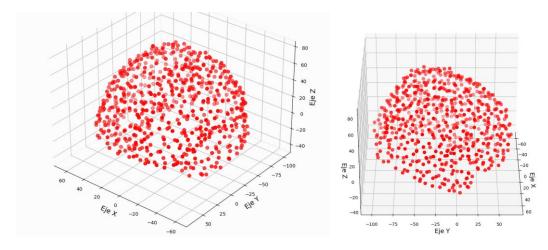
```
def actualizar(frame):
    ax.view_init(elev=30, azim=frame)
    return fig,

rotacion = FuncAnimation(fig, actualizar, init_func=iniciar_animacion, frames=360, interval=40, blit=False)
archivo_gif = "rotacion_grafo.gif"
```

rotacion.save(archivo_gif, writer=PillowWriter(fps=15))
Image(archivo_gif)

Grafo:

return fig,



(En el archivo si gira)

Nodos: puntos rojos, umbral: 0.9

Ejercicio 3

Encontrar los hubs del grafo, y establecer el tamaño del nodo proporcional al valor del grado.

```
node_degrees = dict(graph.degree())

percentile_threshold = np.percentile(list(node_degrees.values()), 99)

hub_nodes = [node for node, degree in node_degrees.items() if degree >= percentile_threshold]

print(f"Se encontraron {len(hub_nodes)} hubs:")

print("Lista de hubs:", hub_nodes)

print(f"El umbral usado para definir un hub es: {percentile_threshold:.2f}")
```

```
fig = plt.figure(figsize=(12, 12))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
node_sizes = [degree * 10 for degree in node_degrees.values()]
ax.scatter(x_points, y_points, z_points, c='cyan', s=node_sizes, label='Nodos')
for edge in graph.edges():
  start, end = edge
  x_pair = [x_points[start], x_points[end]]
  y_pair = [y_points[start], y_points[end]]
  z_pair = [z_points[start], z_points[end]]
  ax.plot(x_pair, y_pair, z_pair, c='gray', alpha=0.5)
hub_sizes = [node_degrees[hub] * 20 for hub in hub_nodes]
ax.scatter(
   x_points[hub_nodes],
  y_points[hub_nodes],
  z_points[hub_nodes],
   c='red',
   s=hub_sizes,
   label='Hubs'.
ax.set_title("Visualización de Hubs en el Grafo", fontsize=18)
ax.set_xlabel("Eje X", fontsize=12)
ax.set_ylabel("Eje Y", fontsize=12)
ax.set_zlabel("Eje Z", fontsize=12)
ax.legend()
plt.show()
```

Grafo

En función de la matriz de emparejamiento (correlación de la matriz de adyacencia), establecer una partición de los nodos en módulos. Escoger el número de módulos que creas conveniente y justificar por qué escogiste ese número.

Código:

import scipy.io as sp

```
import numpy as np
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
from sklearn.cluster import KMeans
arch = sp.loadmat (r"C:\Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre 5\Modelos computacionales\Coactivation\_matrix.mat")
CM = arch['Coactivation_matrix']
coord = arch['Coord']
x, y, z = coord[:, 0], coord[:, 1], coord[:, 2]
threshold = 0.2
matriz_filtrada = np.where(CM >= threshold, CM, O)
G = nx.from_numpy_array(matriz_filtrada)
matriz_de_correlacion = np.corrcoef(matriz_filtrada)
plt.figure(figsize=(10, 8))
sns.heatmap (matriz_de_correlacion, cmap='coolwarm', cbar=True)
plt.title ("Matriz de Correlación de la Matriz de Adyacencia")
plt.show()
num_clusters = 4
kmeans = KMeans(n_clusters=num_clusters, random_state=42)
clusters = kmeans.fit_predict(coord)
node_colors = clusters
fig = plt.figure(figsize=(12, 12))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
for node in G.nodes():
```

```
for edge in G.edges():

node1, node2 = edge

x_coords = [x[node1], x[node2]]

y_coords = [y[node1], y[node2]]

z_coords = [z[node1], z[node2]]

ax.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c='gray', alpha=0.3)

ax.set_title(f"Partición en {num_clusters} Módulos (K-means)", fontsize=20)

ax.set_xlabel("X", fontsize=14)

ax.set_ylabel("Y", fontsize=14)

plt.show()

# Mi justificación

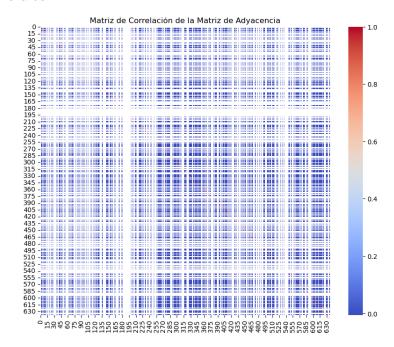
print(f"Se seleccionaron {num_clusters} módulos utilizando el algoritmo K-means."

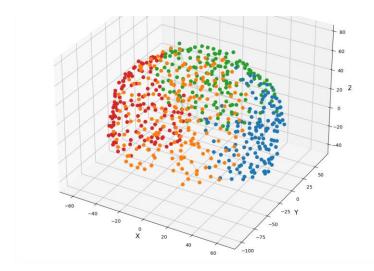
f"Este número fue elegido para capturar diferentes regiones del grafo."

f"Los módulos agrupan nodos cercanos en el espacio tridimensional,"
```

f"lo cual puede reflejar regiones funcionales o anatómicas del cerebro.")

Grafos:





Partición en 4 módulos.

Ejercicio 5

Determinar el conjunto del Rich Club y discutir las implicaciones anatómicas y funcionales de este grupo de nodos (mínimo 100 palabras).

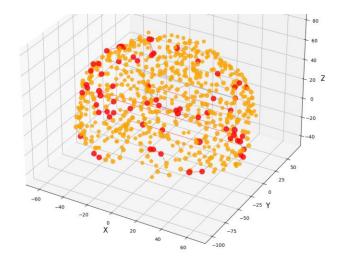
```
grados = dict(G.degree())
grado_umbral = np.percentile(list(grados.values()), 90) # Umbral del percentil 90
rich\_club = [nodo for nodo, grado in grados.items() if grado >= grado\_umbral]
print(f"Rich Club (grado ≥ {grado_umbral}): {rich_club}")
tama\~nos\_nodos = [50 + (grados[nodo] * 30) for nodo in G.nodes()]
colores_nodos = ['red' if nodo in rich_club else 'orange' for nodo in G.nodes()]
figura = plt.figure(figsize=(12, 12))
ax = figura.add_subplot(projection='3d')
for idx, nodo in enumerate(G.nodes()):
   ax.scatter(
     x[nodo], y[nodo], z[nodo],
     color=colores_nodos[idx],
     s=tamaños_nodos[idx],
     alpha=0.8
for edge in G.edges():
  node1, node2 = edge
```

```
x_coords = [x[node1], x[node2]]
y_coords = [y[node1], y[node2]]
z_coords = [z[node1], z[node2]]
color = 'red' if node1 in rich_club and node2 in rich_club else 'dimgray'
ax.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c=color, alpha=0.6, linewidth=1)

ax.set_title('Rich Club (ROJO)', fontsize=25)
ax.set_xlabel('X', fontsize=15)
ax.set_ylabel('Y', fontsize=15)
ax.set_zlabel('Z', fontsize=15)
```

plt.show()

Grafos:



Rich Club (grado \geq 2.0): [38, 42, 62, 69, 92, 124, 150, 217, 221, 223, 226, 230, 235, 245, 259, 260, 263, 275, 281, 290, 292, 296, 304, 309, 319, 320, 321, 327, 330, 331, 344, 352, 356, 358, 369, 393, 404, 407, 408, 416, 419, 428, 456, 460, 465, 482, 532, 547, 561, 565, 574, 579, 599, 603, 604, 605, 611, 613, 614, 615, 616, 617, 618, 622, 623, 628, 629]

Rich club (rojo)

Explicación:

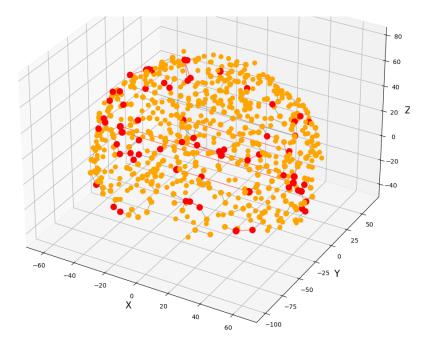
El Rich Club representa un grupo de nodos en una red que tienen grados altos y están densamente interconectados. Anatómicamente, estos nodos suelen corresponder a regiones cerebrales asociadas con procesamiento crítico, integración de información y control, como la corteza prefrontal o el cíngulo. Funcionalmente, son esenciales para mantener la eficiencia global de la red cerebral, actuando como hubs que conectan diferentes módulos o regiones. En este análisis, los nodos del Rich Club están destacados en crimson, mostrando su alta interconexión. Sus conexiones reforzadas indican su papel crucial en la comunicación global y en mantener la robustez frente a daños o fallos.

Ejercicio 6

No hay

Supongamos que eliminamos los nodos del RichClub, describir cómo cambian las propiedades topológicas del grafo, hacer comparativas del grado, coeficiente de cluster, coeficiente de mundo pequeño y las medidas de centralidad (cercanía, intermediación)

```
#Ejercicio 7 Se necesita hacer en 2 partes:
# Identificar los nodos del Rich Club
grados = dict(G.degree())
grado_umbral = np.percentile(list(grados.values()), 90)
rich_club = [nodo for nodo, grado in grados.items() if grado >= grado_umbral]
G_sin_rich_club = G.copy()
G_sin_rich_club.remove_nodes_from(rich_club)
def graficar_grafo(G, rich_club_nodes=None, titulo="Grafo"):
   figura = plt.figure(figsize=(12, 12))
   ax = figura.add_subplot(projection='3d')
   for nodo in G.nodes():
       tamaño = 50 + grados.get(nodo, 0) * 20
       color = 'red' if rich_club_nodes and nodo in rich_club_nodes else 'orange'
       ax.scatter(x[nodo], y[nodo], z[nodo], color=color, s=tamaño)
   for edge in G.edges():
       node1, node2 = edge
       x_{coords} = [x[node1], x[node2]]
       y_coords = [y[node1], y[node2]]
       z_coords = [z[node1], z[node2]]
       color = 'red' if rich club nodes and node1 in rich club nodes and node2 in rich club nodes else 'dimgray'
       ax.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c=color, alpha=0.6, linewidth=1)
   ax.set_title(titulo, fontsize=20)
   ax.set_xlabel('X', fontsize=15)
   ax.set_ylabel('Y', fontsize=15)
   ax.set_zlabel('Z', fontsize=15)
   plt.show()
graficar_grafo(G, rich_club, titulo="Grafo con Rich Club (ROJO)")
graficar_grafo(G_sin_rich_club, titulo="Grafo sin Rich Club")
```



Parte 2:

```
# Segunda parte
def calcular_propiedades_topologicas(G, nombre):
    propiedades = {
        "Número de nodos": G.number_of_nodes(),
        "Número de aristas": G.number_of_edges(),
        "Grado promedio": sum(dict(G.degree()).values()) / G.number_of_nodes(),
        "Coeficiente de clustering promedio": nx.average_clustering(G),
        "Centralidad de cercanía (promedio)": np.mean(list(nx.closeness_centrality(G).values())),
        "Centralidad de intermediación (promedio)": np.mean(list(nx.betweenness_centrality(G).values())),
   print(f"\nPropiedades del grafo '{nombre}':")
   for clave, valor in propiedades.items():
       print(f" {clave}: {valor:.4f}")
   return propiedades
propiedades_original = calcular_propiedades_topologicas(G, "Original (Con Rich Club)")
propiedades_modificado = calcular_propiedades_topologicas(G_sin_rich_club, "Sin Rich Club")
Propiedades del grafo 'Original (Con Rich Club)':
 Número de nodos: 638.0000
 Número de aristas: 188.0000
 Grado promedio: 0.5893
 Coeficiente de clustering promedio: 0.0047
 Centralidad de cercanía (promedio): 0.0011
 Centralidad de intermediación (promedio): 0.0000
Propiedades del grafo 'Sin Rich Club':
 Número de nodos: 571.0000
 Número de aristas: 73.0000
 Grado promedio: 0.2557
 Coeficiente de clustering promedio: 0.0000
 Centralidad de cercanía (promedio): 0.0004
 Centralidad de intermediación (promedio): 0.0000
```

Quitar 10%-50% de los nodos con mayor medida de intermediación y describir cómo cambian las propiedades topológicas del grafo, hacer comparativas del grado, coeficiente de cluster, coeficiente de mundo pequeño y las medidas de centralidad (cercanía, intermediación)

```
def calcular_propiedades (G, descripcion):
   propiedades = {
     "Grado medio": sum(dict(G.degree()).values()) / G.number_of_nodes(),
     "Coeficiente de clustering promedio": nx.average_clustering(G),
     "Centralidad de cercanía promedio": np.mean(list(nx.closeness\_centrality(G).values())),
     "Centralidad de intermediación promedio": np.mean(list(nx.betweenness_centrality(G).values())),
  }
   print(f"\nPropiedades del grafo: {descripcion}")
   for clave, valor in propiedades.items():
     print(f" {clave}: {valor:.4f}")
   return propiedades
def eliminar_nodos_intermediacion(G, porcentaje):
   intermediacion = nx.betweenness_centrality(G)
  nodos_ordenados = sorted(intermediacion, key=intermediacion.get, reverse=True)
  num_nodos_eliminar = int(len(nodos_ordenados) * porcentaje / 100)
   nodos_a_eliminar = nodos_ordenados[:num_nodos_eliminar]
   G_{modificado} = G.copy()
   G_modificado.remove_nodes_from(nodos_a_eliminar)
   return G_modificado
def\ graficar\_grafo(G,\ titulo,\ x,\ y,\ z,\ ax):
   for nodo in G.nodes():
     ax.scatter(x[nodo], y[nodo], z[nodo], color='orange', s=10)
   for edge in G.edges():
     node1, node2 = edge
     x\_coords = [x[node1], x[node2]]
     y_{coords} = [y[node1], y[node2]]
     z_{coords} = [z[node1], z[node2]]
     ax.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c='dimgray', alpha=0.5)
```

```
ax.set_title(titulo, fontsize=12)
   ax.set\_xlabel('X', fontsize=10)
   ax.set_ylabel('Y', fontsize=10)
   ax.set_zlabel('Z', fontsize=10)
print ("Propiedades del grafo original:")
propiedades_originales = calcular_propiedades(G, "Original")
porcentajes = [10, 20, 30, 40, 50]
fig, axs = plt.subplots(1, len(porcentajes), figsize=(20, 6), subplot\_kw=\{'projection': '3d'\})
x,\,y,\,z=coord[:,\,0],\,coord[:,\,1],\,coord[:,\,2]
for i, porcentaje in enumerate (porcentajes):
   G_modificado = eliminar_nodos_intermediacion(G, porcentaje)
   \label{eq:descripcion} \mbox{descripcion} = \mbox{f"Sin \{porcentaje\}\% de nodos (mayor intermediación)"}
   propiedades_modificadas = calcular_propiedades(G_modificado, descripcion)
   graficar_grafo(G_modificado, descripcion, x, y, z, axs[i])
plt.tight_layout()
plt.show()
```

```
Propiedades del grafo original:
Propiedades del grafo: Original
  Grado medio: 0.5893
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0047
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0011
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
Propiedades del grafo: Sin 10% de nodos (mayor intermediación)
  Grado medio: 0.2713
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0052
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0005
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
Propiedades del grafo: Sin 20% de nodos (mayor intermediación)
  Grado medio: 0.2622
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0059
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0005
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
Propiedades del grafo: Sin 30% de nodos (mayor intermediación)
  Grado medio: 0.2550
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0067
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0006
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
Propiedades del grafo: Sin 40% de nodos (mayor intermediación)
  Grado medio: 0.2663
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0078
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0007
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
Propiedades del grafo: Sin 50% de nodos (mayor intermediación)
  Grado medio: 0.2696
  Coeficiente de clustering promedio: 0.0094
  Centralidad de cercanía promedio: 0.0008
  Centralidad de intermediación promedio: 0.0000
                                                                                                                                Sin 50% de nodos (mayor intermediación)
 Sin 10% de nodos (mayor intermediación)
                               Sin 20% de nodos (mayor intermediación)
                                                                Sin 30% de nodos (mayor intermediación)
                                                                                                Sin 40% de nodos (mayor intermediación)
         0 20 40 60
```

Generar un modelo nulo aleatorio donde se tenga el mismo número de nodos y el mismo número total de conexiones, y comparar sus propiedades con el grafo original del cerebro.

```
import scipy.io as sp
import numpy as np
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt

archivo = sp.loadmat(r"C:\Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre 5\Modelos computacionales\Coactivation_matrix.mat")
CM = archivo['Coactivation_matrix']
coord = archivo['Coord']
x, y, z = coord[:, 0], coord[:, 1], coord[:, 2]
```

```
umbral = 0.1
```

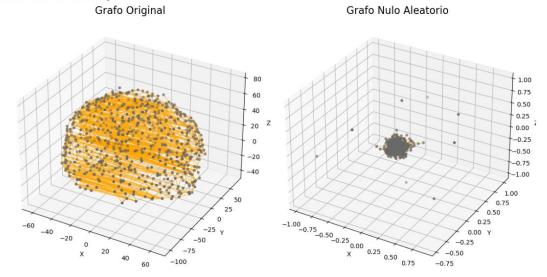
```
def propiedades_grafo(G):
   propiedades = {}
  avg_grad = sum(dict(G.degree()).values()) / G.number_of_nodes()
   propiedades['grado\_medio'] = avg\_grad
   coef\_cluster = nx.average\_clustering(G)
   propiedades \hbox{\tt ['coeficiente\_de\_agrupamiento']} = coef\_cluster
   cercania = np.mean(list(nx.closeness\_centrality(G).values()))
   propiedades['centralidad_cercania'] = cercania
   betweenness = nx.betweenness\_centrality(G)
   intermediacion = np.mean(list(betweenness.values()))
   propiedades \hbox{\tt ['centralidad\_intermediacion'] = intermediacion}
   return propiedades
def grafo_nulo_aleatorio(num_nodos, num_aristas):
   \label{eq:G_random} G\_random\_graph(num\_nodos, num\_aristas)
  return G_random
matriz_filtrada = np.where(CM >= umbral, CM, 0)
G = nx.from_numpy_array(matriz_filtrada)
num_nodos = G.number_of_nodes()
num_aristas = G.number_of_edges()
G_random = grafo_nulo_aleatorio (num_nodos, num_aristas)
print (f"\nPropiedades del grafo original para el umbral {umbral}:")
propiedades_original = propiedades_grafo(G)
print(propiedades_original)
print (f"\nPropiedades del grafo nulo aleatorio para el umbral {umbral}:")
propiedades_random = propiedades_grafo(G_random)
print(propiedades_random)
```

```
fig = plt.figure(figsize=(12, 6))
ax1 = fig.add_subplot(121, projection='3d')
ax1.scatter(x, y, z, c='dimgray', s=50, marker='.')
for edge in G.edges():
  node1, node2 = edge
  x_{coords} = [x[node1], x[node2]]
  y_{coords} = [y[node1], y[node2]]
  z_{coords} = [z[node1], z[node2]]
  ax1.plot(x\_coords,\,y\_coords,\,z\_coords,\,c='orange',\,alpha=0.5)
ax1.set_title('Grafo Original', fontsize=16)
ax1.set_xlabel('X')
ax1.set\_ylabel('Y')
ax1.set_zlabel('Z')
ax2 = fig.add\_subplot(122, projection='3d')
pos_random = nx.spring_layout(G_random, dim=3)
x_r, y_r, z_r = np.array(list(pos_random.values())).T
ax2.scatter(x\_r, y\_r, z\_r, c='dimgray', s=50, marker='.')\\
for edge in G_random.edges():
  node1, node2 = edge
  x\_coords = [x\_r[node1], x\_r[node2]]
  y_{coords} = [y_{r[node1]}, y_{r[node2]}]
  z\_coords = [z\_r[node1], z\_r[node2]]
  ax2.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c='orange', alpha=0.5)
ax2.set_title('Grafo Nulo Aleatorio', fontsize=16)
ax2.set_xlabel('X')
ax2.set_ylabel('Y')
ax2.set_zlabel('Z')
plt.tight_layout()
plt.show()
```

Grafo:

Propiedades del grafo original para el umbral 0.1: {'grado_medio': 4.529780564263323, 'coeficiente_de_agrupamiento': 0.24364464673564803, 'centralidad_cercania': 0.1194031264903796, 'centralidad_intermed iacion': 0.01147712930871217}

Propiedades del grafo nulo aleatorio para el umbral 0.1: {'grado_medio': 4.529780564263323, 'coeficiente_de_agrupamiento': 0.008552349774920307, 'centralidad_cercania': 0.221916307549579, 'centralidad_intermed iacion': 0.0052550696197875306}



Ejercicio 10

Código:

Generar un modelo nulo aleatorio donde se conserve la distribución de grado y comparar sus propiedades con el grafo original del cerebro.

import scipy.io as sp import numpy as np import networkx as nx import matplotlib.pyplot as plt

```
archivo = sp.loadmat (\textit{r"C:} Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre 5\Modelos computacionales\Coactivation\_matrix.mat")) \\
CM = archivo['Coactivation_matrix']
coord = archivo['Coord']
x, y, z = coord[:, 0], coord[:, 1], coord[:, 2]
umbral = 0.1
def propiedades_grafo(G):
  propiedades = {}
  avg_grad = sum(dict(G.degree()).values()) / G.number_of_nodes()
   propiedades['grado_medio'] = avg_grad
   coef_cluster = nx.average_clustering(G)
```

```
propiedades['coeficiente_de_agrupamiento'] = coef_cluster
```

```
cercania = np.mean(list(nx.closeness_centrality(G).values()))
   propiedades['centralidad_cercania'] = cercania
   betweenness = nx.betweenness_centrality(G)
   intermediacion = np.mean(list(betweenness.values()))
   propiedades['centralidad_intermediacion'] = intermediacion
   return propiedades
def grafo_nulo_con_grados(G):
   G_random = nx.configuration_model([d for _, d in G.degree()])
  G_{random} = nx.Graph(G_{random}) # Convertir a grafo simple
   G_random.remove_edges_from(nx.selfloop_edges(G_random)) # Eliminar bucles
   return G_random
matriz_filtrada = np.where(CM >= umbral, CM, 0)
G = nx.from_numpy_array(matriz_filtrada)
G_{random} = grafo_{nulo}_{con}grados(G)
print(f"\nPropiedades del grafo original para el umbral {umbral}:")
propiedades_original = propiedades_grafo(G)
print (propiedades_original)
print (f"\nPropiedades del grafo nulo aleatorio para el umbral {umbral}:")
propiedades_random = propiedades_grafo(G_random)
print (propiedades_random)
fig = plt.figure(figsize=(12, 6))
ax1 = fig.add_subplot(121, projection='3d')
ax1.scatter(x, y, z, c='dimgray', s=50, marker='.')
for edge in G.edges():
  node1, node2 = edge
  x\_coords = [x[node1], x[node2]]
  y_{coords} = [y[node1], y[node2]]
  z\_coords = [z[node1], z[node2]]
  ax1.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c='orange', alpha=0.5)
ax1.set_title('Grafo Original', fontsize=16)
```

```
ax1.set_xlabel('X')
ax1.set\_ylabel('Y')
ax1.set_zlabel('Z')
ax2 = fig.add_subplot(122, projection='3d')
pos_random = nx.spring_layout(G_random, dim=3)
x_r, y_r, z_r = np.array(list(pos_random.values())).T
ax2.scatter(x_r, y_r, z_r, c='dimgray', s=50, marker='.')
for edge in G_random.edges():
  node1, node2 = edge
  x_{coords} = [x_r[node1], x_r[node2]]
  y_{coords} = [y_{r[node1]}, y_{r[node2]}]
  z\_coords = [z\_r[node1], z\_r[node2]]
  ax2.plot(x_coords, y_coords, z_coords, c='orange', alpha=0.5)
ax2.set_title('Grafo Nulo Aleatorio', fontsize=16)
ax2.set_xlabel('X')
ax2.set_ylabel('Y')
ax2.set_zlabel('Z')
plt.tight_layout()
plt.show()
```

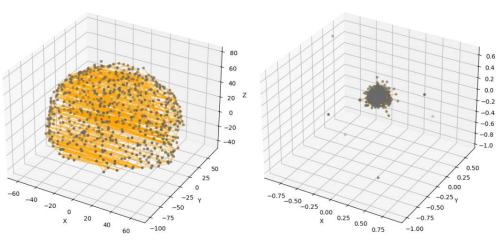
Grafo:

Propiedades del grafo original para el umbral 0.1: {'grado_medio': 0.24364464673564803, 'centralidad_cercania': 0.1194031264903796, 'centralidad_intermed iacion': 0.01147712930871217}

Propiedades del grafo nulo aleatorio para el umbral 0.1: {'grado_medio': 4.492163009404389, 'coeficiente_de_agrupamiento': 0.009623370360047475, 'centralidad_cercania': 0.2292685672619379, 'centralidad_interme diacion': 0.005127861573627909}



Grafo Nulo Aleatorio



Generar un modelo nulo utilizando una probabilidad de conexión en función de la distancia geométrica, con el mismo número de nodos y conexiones y compara sus propiedades y discutir la importancia de las conexiones a larga distancia en el cerebro.

```
import scipy.io as sp
import numpy as np
import networkx as nx
import matplotlib.pyplot as plt
archivo = sp.loadmat (r"C:\Users\alvar\OneDrive\Documentos\Semestre 5\Modelos computacionales\Coactivation\_matrix.mat")
CM = archivo['Coactivation_matrix']
coord = archivo['Coord']
x, y, z = coord[:, 0], coord[:, 1], coord[:, 2]
umbral = 0.1
def propiedades_grafo(G):
  propiedades = {}
   avg_grad = sum(dict(G.degree()).values()) / G.number_of_nodes()
   propiedades['grado_medio'] = avg_grad
   coef_cluster = nx.average_clustering(G)
   propiedades['coeficiente_de_agrupamiento'] = coef_cluster
   cercania = np.mean(list(nx.closeness_centrality(G).values()))
   propiedades['centralidad_cercania'] = cercania
  betweenness = nx.betweenness_centrality(G)
   intermediacion = np.mean(list(betweenness.values()))
   propiedades['centralidad_intermediacion'] = intermediacion
   return propiedades
def distancia_euclidiana(i, j, coord):
  return np.sqrt((coord[i, 0] - coord[j, 0]) ** 2 + (coord[i, 1] - coord[j, 1]) ** 2 + (coord[i, 2] - coord[j, 2]) ** 2)
def\ grafo\_nulo\_distancia(coord,\ num\_nodos,\ num\_aristas,\ alpha=0.1):
```

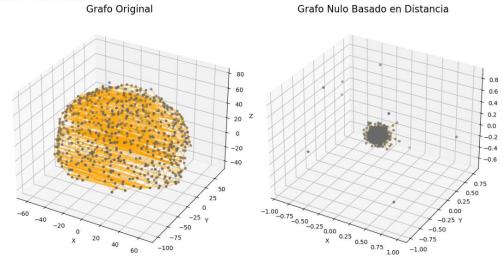
```
G_{random} = nx.Graph()
   G_random.add_nodes_from(range(num_nodos))
   edges = []
   for i in range(num_nodos):
     for j in range(i + 1, num_nodos):
        dist = distancia_euclidiana(i, j, coord)
        p = 1 / (1 + alpha * dist) # Probabilidad inversamente proporcional a la distancia
        if np.random.rand() < p:
           edges.append((i, j))
  while len(edges) > num_aristas:
     index = np.random.randint(0, len(edges))
     edges.pop(index)
   G_random.add_edges_from(edges)
   return G_random
matriz_filtrada = np.where(CM >= umbral, CM, 0)
G = nx.from_numpy_array(matriz_filtrada)
num_nodos = G.number_of_nodes()
num_aristas = G.number_of_edges()
 G\_random\_dist = grafo\_nulo\_distancia(coord, num\_nodos, num\_aristas) 
print (f"\nPropiedades del grafo original:")
propiedades_original = propiedades_grafo(G)
print (propiedades_original)
print (f"\nPropiedades del grafo nulo aleatorio basado en distancia:")
propiedades_random_dist = propiedades_grafo(G_random_dist)
print (propiedades_random_dist)
fig = plt.figure(figsize=(12, 6))
ax1 = fig.add_subplot(121, projection='3d')
ax1.scatter(x, y, z, c='dimgray', s=50, marker='.')
for edge in G.edges():
```

```
node1, node2 = edge
  x\_coords = [x[node1], x[node2]]
  y_{coords} = [y[node1], y[node2]]
  z_{coords} = [z[node1], z[node2]]
  ax1.plot(x\_coords,\,y\_coords,\,z\_coords,\,c='orange',\,alpha=0.5)
ax1.set_title('Grafo Original', fontsize=16)
ax1.set_xlabel('X')
ax1.set_ylabel('Y')
ax1.set_zlabel('Z')
ax2 = fig.add_subplot(122, projection='3d')
pos\_random = nx.spring\_layout(G\_random\_dist, dim=3)
x\_r,\,y\_r,\,z\_r = np.array(list(pos\_random.values())).T
ax2.scatter(x_r, y_r, z_r, c='dimgray', s=50, marker='.')
for edge in G_random_dist.edges():
  node1, node2 = edge
  x\_coords = [x\_r[node1], x\_r[node2]]
  y_{coords} = [y_{r[node1]}, y_{r[node2]}]
  z_{coords} = [z_{r[node1]}, z_{r[node2]}]
  ax2.plot(x\_coords,\,y\_coords,\,z\_coords,\,c='orange',\,alpha=0.5)
ax2.set_title('Grafo Nulo Basado en Distancia', fontsize=16)
ax2.set_xlabel('X')
ax2.set_ylabel('Y')
ax2.set_zlabel('Z')
plt.tight_layout()
plt.show()
```

Grafo:

Propiedades del grafo original: {'grado_medio': 4.529780564263323, 'coeficiente_de_agrupamiento': 0.24364464673564803, 'centralidad_cercania': 0.1194031264903796, 'centralidad_intermec iacion': 0.01147712930871217}

Propiedades del grafo nulo aleatorio basado en distancia:
{'grado_medio': 4.529780564263323, 'coeficiente_de_agrupamiento': 0.007093098472408817, 'centralidad_cercania': 0.22138255487706582, 'centralidad_intermediacion': 0.0051953654054221025}



Ejercicio 12

Escribir una reseña de lo aprendido en el curso, incluyendo la importancia de conocer herramientas de teoría de grafos para comprender la conectividad del cerebro (mínimo 200 palabras).

En lo persona considero que ha sido de las materias más pesada y menos deseadas para mí, no soy buena con la tecnología y el uso de estas herramientas y el curso no me llamo tanto la atención. Sin embargo, aprecio mucho el apoyo de ambos docentes Fernando y Oswaldo porque me ayudaron a sobrellevar y poder aprender lo necesario para mi formación.

Considero que los aspectos más relevantes y que puedo unir con neurociencias son la representación de redes cerebrales como grafos, donde representamos la conexiones sinápticas o funcionales como nodos y aristas, también aplicamos métricas que son cruciales para identificar regiones cerebrales altamente conectadas, estudiamos cómo las conexiones a larga distancia influyen en la integración de información entre diferentes áreas del cerebro, aprendimos a filtrar datos para obtener redes funcionales o estructurales relevantes, una habilidad importante para analizar datos de resonancia magnética funcional o tractografía y muchas otras herramientas.

Me interesa es aspecto de conducta y cuestiones como la neurodivergencia o enfermedades psiquiátricas y aunque al principio pensé que no tenia nada que ver ahora me doy cuenta de que esta más relacionado de lo que pensé. Modelos computacionales me puede ayudar a explorar cómo los patrones de conectividad cerebral y la dinámica neuronal están relacionados con diversos aspectos, también en modelos de redes funcionales, simulación de trastornos, predicción y diagnóstico.