# Algoritmos y Complejidad Programación Dinámica

Pablo R. Fillottrani

Depto. Ciencias e Ingeniería de la Computación Universidad Nacional del Sur

Primer Cuatrimestre 2014



## Programación Dinámica

Introducción

Problema de la mochila

Caminos más Cortos

Multiplicación de matrices en cadena

Triangulación optimal de polígonos

Subsecuencia común más larga



#### Introducción

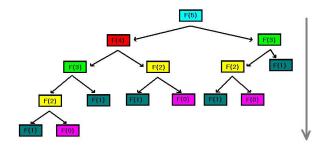
- Programación Dinámica (PD) resuelve problemas a través de combinar soluciones a subproblemas
- PD comienza resolviendo las instancias más simples de los problemas, y guardando sus resultados en alguna estructura de datos especial
- para construir soluciones de instancias más complejas, se divide la instancia en subproblemas más simples y se recuperan los resultados ya calculados de la estructura de datos
- PD se aplica cuando los subproblemas no son indenpendientes entre sí, es decir los subproblemas tienen subsubproblemas en común. Esto se denomina superposición de subproblemas

## Comparación

- veremos más adelante otra estragia, "dividir y conquistar" (DYC), que resolvería las instancias siempre dividiendo, sin importar cálculos previos. En este contexto, resolvería varias veces el mismo subproblema. El algoritmo recursivo para calcular el número de Fibonacci tiene este inconveniente
- DYC se usa cuando no hay superposición de subproblemas, o es casi nula
- un algoritmo de PD resuelve cada subproblema una vez y guarda su resultado en una tabla, evitando el trabajo de calcularlo otra vez
- entonces para que se aplique PD tiene que ser eficiente (en tiempo y espacio) almacenar resultados de subproblemas previamente resueltos
- DYC es una técnica top-down; PD por el contrario es bottom

Generalidades

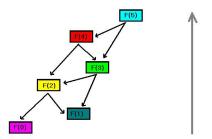
Arbol de subproblemas del algoritmo DYC de Fibonacci para n = 5





- Generalidades

▶ Árbol de subproblemas del algoritmo PD de Fibonacci para n = 5





- ▶ PD se aplica generalmente a problemas de optimización, al igual que los algoritmos *greedy*.
- pasos en el desarrollo de un algoritmo PD:
  - 1. caracterizar la estructura de una solución optimal
  - 2. definir recursivamente el valor de la solución optimal
  - 3. computar el valor de las soluciones a los casos básicos
  - construir las soluciones optimales para instancias grandes a partir de la soluciones ya computadas para instancias más pequeñas



## Elementos necesarios para aplicar PD

- principio de optimalidad la estructura de una solución optimal a un problema debe contener soluciones optimales a los subproblemas
- aunque parezca obvio, no todos los problemas satisfacen este principio (por ejemplo, el camino simple más largo entre dos nodos de un grafo)
- superposición de subproblemas el "espacio" de subproblemas debe ser pequeño en el sentido de que los subproblemas se repiten una y otra vez, en vez de generar nuevos subproblemas
- PD generalmente toma ventaja de esta repetición solucionando una única vez cada subproblema

#### Coeficientes Binomiales

$$\begin{pmatrix} n \\ k \end{pmatrix} = \begin{cases} 1 & \text{si } k = 0 \text{ o } k = n \\ \binom{n-1}{k-1} + \binom{n-1}{k} & \text{si } 0 < k < n \\ 0 & \text{sino} \end{cases}$$

como el caso base suma de a 1, el algoritmo recursivo directo tiene  $\Omega(\binom{n}{k})$ 



- no se trata de un problema de optimización, pero la solución está formada por combinación de soluciones de subproblemas
- además, claramente se ve superposición de subinstancias:

$$C(5,3) = C(4,3) + C(4,2) =$$
  
=  $(C(3,3) + C(3,2)) + (C(3,2) + C(3,1)) = ...$ 

- se puede suponer que es posible aplicar PD al problema.
- ▶ se puede usar una tabla para guardar resultados intermedios, donde la entrada (i,j) guarda el número C(i,j)



#### se tiene

esta tabla se llama triángulo de Pascal, o triángulo de Tartaglia

#### el algoritmo para calcularla por filas es:

```
function CoeficientesBinomiales(n,k)
array C[1..n,1..n]
para todo k C[k,0] ::= 1; C[k,k] ::= 1;
FOR i ::= 0 TO TO n
   FOR j ::= 0 TO min(i,k)
        C[i,j] ::= C[i-1,j-1]+C[i-1,j]
   ENDFOR
ENDFOR
RETURN C[n,k]
```



## Análisis del tiempo de ejecución

- ▶ su tiempo y espacio es claramente de  $\Theta(nk)$ .
- ▶ se puede modificar el algoritmo para que sólo use espacio  $\Theta(k)$  (ejercicio)



#### Probabilidad de ganar una serie

- Problema: dos equipos A y B deben jugar hasta 2n − 1 juegos, siendo el ganador el primer equipo que llega a n victorias. Para cada juego existe una probabilidad p de que gane el equipo A, y una probabilidad q = 1 − p de que gane el equipo B. Esta probabilidad es fija para todos los juegos, e independiente de los resultados anteriores. Se quiere encontrar la probabilidad de que el equipo A gane la serie
- ▶ se define P(i,j) como la probabilidad de que A gane la serie dado que le faltan i victorias, mientras que a B le faltan j victorias
- entonces el valor buscado es P(n, n)



la formulación de esta propiedad genera la recurrencia:

$$P(i,j) = \begin{cases} 1 & \text{si } i = 0 \text{ y } j > 0 \\ 0 & \text{si } j = 0 \text{ y } i > 0 \\ pP(i-1,j) + qP(i,j-1) & \text{si } i > 0 \text{ y } j > 0 \end{cases}$$



sea k = j + i. El algoritmo de cálculo recursivo de P tomaría tiempo:

$$T(1) = c$$

$$T(k) \leq 2T(k-1) + d$$

- ▶ la solución (usando la ecuación característica) es de  $O(2^k)$ , lo que equivale a  $O(4^n)$  si i = j = n
- ▶ esta estructura del problema es similar a la de los coeficientes binomiles tomando P(i,j) como C(i+j,j)



- es posible mejorar este tiempo en forma similar al triángulo de Pascal, calculando P por filas, columnas o diagonales
- ▶ para la cota inferior, da un tiempo de  $\Omega(\binom{2n}{n}) \ge \frac{4^n}{n}$



▶ la matriz *P* resultaría:

- esto demuestra la aplicación del principio de optimalidad en el problema
- se pueden calcular los elementos de la matriz por diagona

```
function Serie(n,p)
 array P[0..n,0..n]
FOR s ::= 1 TO n
 P[0,s] ::= 1; P[s,0] ::= 0
  FOR k ::= 1 TO s-1
   P[k, s-k] ::= p*P[k-1, s-k] + (1-p)*P[k, s-k-1]
  ENDFOR
 ENDFOR
 FOR s ::= 1 TO n
  FOR k ::= 0 TO n-s
   P[s+k, n-k] ::= p*P[s+k-1, n-k]+
                   (1-p) *P[s+k, n-k-1]
  ENDFOR
 ENDFOR; RETURN P[n,n]
```

## Análisis del tiempo de ejecución

- ▶ su tiempo y espacio es de  $\Theta(n^2)$
- ▶ se puede hacer la misma modificación que en el caso anterior para que use espacio en ⊖(n)



#### Problema del Cambio

- Problema: se tiene que dar N centavos de cambio, usando la menor cantidad entre monedas de denominaciones d<sub>1</sub>, d<sub>2</sub>, d<sub>3</sub>,..., d<sub>n</sub>. Se supone cantidad ilimitada de monedas de cada denominación
- el algoritmo greedy visto sólo es correcto para ciertas denominaciones; en otras puede que ni siquiera encuentre una solución a pesar de que ésta exista
- ▶ para definir un algoritmo de PD para este problema, se define C[i,j] la menor cantidad de monedas entre  $d_1, d_2, \ldots, d_i$  para pagar j centavos



- ▶ la solución está entonces C[n, N]
- una de las dimensiones de la matriz es el conjunto de denominaciones usadas; esto es usual en problemas de PD donde existe una secuencia de objetos a considerar
- se satisface el principio de optimalidad Si la solución optimal C[n, N] incluye una moneda de  $d_n$  entonces deberá estar formada por la solución optimal  $C[n, N d_n]$ . En cambio si no incluye ninguna moneda de  $d_n$ , su valor será la solución optimal a C[n-1, N]



#### la recurrencia quedaría:

$$C[i,j] = \begin{cases} 0 & \text{si } j = 0 \\ +\infty & \text{si } i = 1 \text{ y } 0 < j < d_i \\ 1 + C[i,j-d_i] & \text{si } i = 1 \text{ y } j \ge d_i \\ C[i-1,j] & \text{si } i > 1 \text{ y } j < d_i \\ \min(C[i-1,j], 1 + C[i,j-d_i]) & \text{si } i > 1 \text{ y } j \ge d_i \end{cases}$$



▶ por ejemplo para N = 8 con  $d_1 = 1$ ,  $d_2 = 4$  y  $d_2 = 6$  se tiene:

Centavos	0	1	2	3	4	5	6	7	8
$d_1 = 1$ $d_2 = 4$ $d_3 = 6$	0	1	2	3	4	5	6	7	8
$d_2 = 4$	0	1	2	3	1	2	3	4	2
$d_3 = 6$	0	1	2	3	1	2	1	2	2



## Algoritmo

```
function Cambio (D[1..n], N)
 array C[1..n, 0..N]
 FOR i:=1 TO n; C[i,0]::=0;
  FOR j::=1 TO N
   CASE
    i=1 \ y \ j < d[i] : C[i,j] ::=+maxint
    i=1 \ y \ j>=d[i] : C[i,j]::=1+C[i,j-d[i]]
    i>1 y j<d[i] : C[i,j] ::=C[i-1,j]
    i>1 \ v \ j>=d[i] : C[i,j]::=min(C[i-1,j],
                                 1+C[i, j-d[i]])
   ENDCASE
  ENDFOR
 ENDFOR; RETURN C[n,N]
```

- ▶ el tiempo y el espacio es de  $\Theta(nN)$
- este algoritmo sólo encuentra el mínimo número de monedas necesarios, pero no dice cuáles son
- ▶ para encontrar las monedas que forman el cambio, se analiza cada la entrada C[i,j]: si es igual a C[i-1,j] entonces no se usan monedas  $d_i$ ; en caso contrario se usa una moneda  $d_i$  más las monedas de  $C[i,j-d_i]$
- ▶ partiendo de C[n.N] y retrocediendo por fila, o por columna, de acuerdo a su valor, hasta llegar a C[0,0], se obtienen las C[n,N] monedas que forman el cambio
- ▶ este recorrido agrega tareas por tiempo  $\Theta(n + C[n, N])$  al algoritmo original

- Observación: la dependencia del tiempo y el espacio de ejecución en un dato de entrada N no es buena porque puede ser arbitrariamente grande
- ¿cómo se modificaría el programa si se dispone de una cantidad limitada de monedas de cada denominación? (ejercicio)



#### Definición del problema

- ▶ Problema: se tienen n objetos indivisibles y una mochila. Cada objeto i tiene un peso w<sub>i</sub> y un valor v<sub>i</sub>; la mochila tiene una capacidad máxima de W. El objetivo es encontrar la carga de la mochila que maximice el valor de lo transportado y se respete su capacidad máxima
- es decir, encontrar valores  $x_i = 0, 1$ , de forma que

maximice 
$$\sum_{i=1}^{n} x_i v_i$$
 siempre que  $\sum_{i=1}^{n} x_i w_i \le W$ 

 en esta variante no se permite fraccionar los objetos (ejercicio: mostrar que el algoritmo greedy visto anteriormente no es correcto en este caso)

- para aplicar PD a este problema basta con mostrar que cumple con el principio de optimalidad y que tiene superposición de subinstanticas
- ▶ la función a optimizar es el valor de la carga de la mochila. Este valor depende de *W* y de la cantidad de objetos considerados
- sea entonces V[i,j] el máximo valor de una carga de peso a lo sumo j con lo objetos 1,2,...,i
- al igual que en el caso del problema del cambio, una de las dimensiones es el conjunto de objetos



- el valor de V[i,j] depende de si se incluye o no el objeto i.
- la recurrencia es

$$V[i,j] = \begin{cases} 0 & \text{si } i = 0 \\ -\infty & \text{si } i > 0 \text{ y } j < 0 \\ \max(V[i-1,j], & \\ v_i + V[i-1,j-w_i]) & \text{si } i > 0 \text{ y } j > 0 \end{cases}$$

 la dependencia es con elementos de filas anteriores, a lo sumo en la misma columna



# Ejemplo

▶ por ejemplo, si W = 11

Peso, Valor	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
$w_1 = 1, v_1 = 1$	0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
$w_2 = 2, v_2 = 6$	0	1	6	7	7	7	7	7	7	7	7	7
$w_2 = 2, v_2 = 6$ $w_3 = 5, v_3 = 18$	0	1	6	7	7	18	19	24	25	25	25	25
$w_4 = 6, v_4 = 22$	0	1	6	7	7	18	22	24	28	29	29	40
$w_5 = 7, v_5 = 28$	0	1	6	7	7	18	22	28	29	34	35	40



## Algoritmo

- el algoritmo para implementar este algoritmo es muy similar al algoritmo para el problema del cambio
- el tiempo y el espacio es de  $\Theta(nW)$
- ▶ para calcular cuáles objetos componen la carga optimal se puede hacer un recorrido adicional desde C[n, W] hasta C[0, 0] de  $\Theta(n+W)$



## Definición del problema

- ▶ <u>Problema:</u> Sea  $G = \langle N, A \rangle$  un grafo dirigido, con pesos no negativos. El objetivo es hallar el camino con la mínima distancia entre cada par de nodos. Supondremos el grafo representado por una matriz de adyacencia
- una solución a este problema consiste en ejecutar n veces el algoritmo de Dijkstra cambiando en cada iteración el nodo origen
- vale el principio de optimalidad en este caso: si k es un nodo en el menor caminio entre i y j, entonces ese camino está formado por el menor camino de i a k y el menor camino de k a j
- también hay superposición de instancias



- para aplicar PD a este problema se debe ir construyendo la menor distancia a partir de ir agregando nodos a los caminos posibles
- ▶ sea entonces D[i,j,k] la menor distancia entre i y j que tiene como nodos intermedios a  $1,2,\ldots,k$ . Los valores buscados serán entonces D[i,j,n]
- en cada iteración, para cada par (i, j) se debe comparar el camino más corto obtenido hasta entonces con el camino que va desde i hasta k, y luego de k a j, pasando sólo por los nodos 1,...,k-1
- se tiene en cuenta implícitamente el hecho de que un camino optimal no puede pasar dos veces por un nodo

- los valores iniciales, cuando k = 0, corresponde a los pesos de los arcos (i, j)
- la recurrencia es

$$D[i,j,k] = \begin{cases} G[i,j] & \text{si } k = 0\\ \min(D[i,j,k-1], \\ D[i,k,k-1] + D[k,j,k-1]) & \text{sino} \end{cases}$$

resultando en un algoritmo en  $\Theta(n^3)$ 



- ▶ el espacio del algoritmo anterior también es de  $\Theta(n^3)$
- se puede mejorar el espacio para este cálculo tienendo en cuenta:
  - ► cada D[i,j,k] sólo necesita conocer los valores en D[\*,\*,k-1]. Esto reduce el espacio a  $\Theta(n^2)$
  - ▶ para todo k, D[k,j,k] = D[k,j,k-1] y D[i,k,k] = D[i,k,k-1]. Esto reduce el espacio a  $\Theta(1)$  (sin contar el necesario para almacenar el resultado)
- ▶ el resultado es de O(n²)



 el algoritmo resultante se llama algoritmo de Floyd, muy simple y conocido

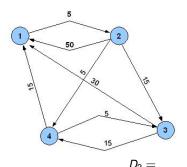
```
function Floyd(G[1..n,1..n])
 array D[1..n,1..n]
 D::=G
 FOR k:=1 TO n
   FOR i : = 1 TO n
     FOR j::=1 TO n
       D[i, j] ::= min(D[i, j], D[i, k] + D[k, j])
     ENDFOR
   ENDFOR
 ENDFOR
 RETURN D
```



- ▶ su tiempo es de  $\Theta(n^3)$  y el espacio es de  $\Theta(1)$
- el tiempo es comparable con n veces Dijsktra, pero su simplicidad hace que se prefiera implementar Floyd



# Ejemplo



$$D_0 = \left(\begin{array}{cccc} 0 & 5 & \infty & \infty \\ 50 & 0 & 15 & 5 \\ 30 & \infty & 0 & 15 \\ 15 & \infty & 5 & 0 \end{array}\right)$$

$$D_1 = \left(\begin{array}{cccc} 0 & 5 & \infty & \infty \\ 50 & 0 & 15 & 5 \\ 30 & 35 & 0 & 15 \\ 15 & 20 & 5 & 0 \end{array}\right)$$

$$\begin{array}{c} D_2 = \\ \begin{pmatrix} 0 & 5 & 20 & 10 \\ 50 & 0 & 15 & 5 \\ 30 & 35 & 0 & 15 \\ 15 & 20 & 5 & 0 \end{pmatrix} \end{array}$$

- este algoritmo sólo encuentra las distancias mínimas entre cada par de nodos. Para obtener los nodos que implementan esa distancia es necesario recordar para cada (i,j) cuál es el k que proveyó la mínima distancia entre ellos
- es suficiente con actualizar una matriz adicional P cada vez que se modifica D[i,j], reemplazando la línea interna de los FOR por

```
IF D[i,j]>D[i,k]+D[k,j]
  D[i,j]::=D[i,k]+D[k,j]
  P[i,j]::=k
ENDIF
```



en el ejemplo visto se obtendría al finalizar

$$P = \left(\begin{array}{cccc} 0 & 0 & 4 & 2 \\ 4 & 0 & 4 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \end{array}\right)$$



# Definición del problema

- ▶ <u>Problema:</u> se tienen n matrices  $M_1, M_2, \ldots, M_n$ , no necesariamente cuadradas, y se quiere encontrar la mejor manera de hallar su producto  $M_1 M_2 \ldots M_n$ . Cada matriz  $M_i$  es de tamaño  $d_{i-1} d_i$
- teniendo en cuenta que:
  - cada producto M<sub>i</sub>M<sub>i+1</sub> se calcula con d<sub>i-1</sub>d<sub>i</sub>d<sub>i+1</sub> productos escalares
  - el producto entre matrices es asociativo, luego  $(M_iM_{i+1})M_{i+2} = M_i(M_{i+1}M_{i+2})$
- entonces es relevante el orden en que se realiza el producto  $M_1, M_2, ..., M_n$ .
- ejemplo:  $M_1$  de  $5 \times 10$ ,  $M_2$  de  $10 \times 20$ ,  $M_3$  de  $20 \times 2$ , entonces  $M_1(M_2M_3)$  lleva 400 + 100 = 500 productos, y  $(M_1M_2)M_3$  1000 + 200 = 1200 productos

- ▶ el problema entonces consiste en encontrar todas las parentizaciones posibles para  $M_1, M_2, ..., M_n$ , evaluar la cantidad de productos necesarios, y obtener el menor entre todos ellos
- la cantidad de parentizaciones posibles está definida por la recurrencia

$$T(n) = \sum_{i=1}^{n-1} T(i)T(n-i)$$

con T(1) = 1

- ▶ los T(n) forman los llamados números de Catalan y se puede probar que  $T(n) \in \Omega(4^n/n^2)$  por inducción
- luego el algoritmo directo toma tiempo de  $\Omega(4^n/n)$  por lo que es inviable en la práctica para n medianos

Multiplicación de matrices en cadena

- este problema satisface el principio de optimalidad
- y tiene también superposición de instancias
- es posible entonces aplicar PD



- la función a optimizar es la cantidad de productos de reales necesarios para multiplicar una secuencia de matrices. este valor depende de la cantidad de productos necesarios para multiplicar subsecuencias de matrices
- ▶ se define  $m_{ij}$ ,  $i \le j$  como la mínima cantidad de productos necesarios para calcular  $M_i \dots M_j$ . Claramente, sii = j entonces  $m_{ii} = 0$  y si j = i + 1 entonces  $m_{ii+1} = d_{i-1}d_id_{i+1}$
- en general, si i < j

$$m_{ij} = \min_{\substack{i \leq k < j \\ i \leq k}} (m_{ik} + m_{(k+1)j} + d_{i-1} d_k d_j)$$



• por ejemplo, si d = (10, 5, 20, 30, 2):

$$m_{13} = \min(m_{12} + m_{33} + d_0d_2d_3, m_{11} + m_{23} + d_0d_1d_3) =$$

$$= \min(1000 + 6000, 3000 + 1500) = 4500$$

$$m_{24} = \min(m_{23} + m_{44} + d_1d_3d_4, m_{22} + m_{34} + d_1d_2d_4) =$$

$$= \min(3000 + 300, 1200 + 200) = 1400$$

$$m_{14} = \min(m_{11} + m_{24} + d_0d_1d_4, m_{12} + m_{34} + d_0d_2d_4,$$

$$m_{13} + m_{44} + d_0d_3d_4) =$$

$$= \min(1400 + 100, 1200 + 1000 + 400, 4500 + 600) = 1500$$

# Algoritmo

```
function MultMatrices(d[0..n])
array m[1..n, 1..n] ::=0;
FOR s::=1 TO n-1
 FOR i::=1 TO n-s; menor::= +maxint
   FOR k::=i TO i+s-1
    tmp::=m[i,k]+m[k+1,i+s]+d[i-1]*d[k]*d[i+s]
    IF tmp<menor THEN menor::=tmp
   ENDFOR
   m[i,i+s]::=menor
  ENDFOR
ENDFOR
RETURN m[1,n]
```

el tiempo ejecución, tomando como barómetro cualquiera de la sentencias del ciclo interno, es:

$$T(n) = \sum_{s=1}^{n-1} \sum_{i=1}^{n-s} \sum_{k=i}^{i+s-1} c = \sum_{s=1}^{n-1} \sum_{i=1}^{n-s} sc =$$

$$= c \sum_{s=1}^{n-1} \sum_{i=1}^{n-s} s = c \sum_{s=1}^{n-1} (n-s)s = nc \sum_{s=1}^{n-1} s - c \sum_{s=1}^{n-1} s^2 =$$

$$= n \frac{c}{2} (n-1)n - (n-1)n(2n-1) \frac{c}{6} = \frac{c}{6} n^3 - \frac{c}{6} n$$

$$\in \Theta(n^3)$$

- para obtener cuál es la mejor forma de multiplicar la matrices, es suficiente con recordar para cada (i,j) cuál es el k que determinó su menor valor (ejercicio).
- existen algoritmos más eficientes para este problema

# Definición del problema

- el algoritmo anterior tiene muchas aplicaciones, no directamente relacionadas con la multiplicación de matrices. Por ejemplo, para la triangularización de polígonos
- ▶ Problema: se tiene un polígono convexo  $\langle v_0, v_1, \ldots, v_{n-1} \rangle$  de n lados, siendo  $v_i$  los vértices y  $\overline{v_{i-1}v_i}$  el lado i. Se quiere encontran una triangularización optimal, de acuerdo a algún criterio dado

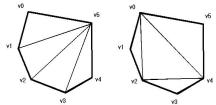




- una cuerda vivi es el segmento formado por un par de vértice no adyacentes
- toda cuerda divide al polígono en dos subpolígonos
- una triangularización es un conjunto de cuerdas que dividen al polígono en triángulos disjuntos
- ▶ si se tiene un peso  $w(\triangle v_i v_j v_k)$  para cada triángulo  $\triangle v_i v_j v_k$ , entonces una triangularización optimal de un polígono es una triangularización que minimiza la sumatoria de los pesos de los triángulos resultantes



- ▶ una función común para pesar los triángulos es su perímetro:  $w(\triangle v_i v_j v_k) = |v_i v_j| + |v_j v_k| + |v_k v_i|$ . Otras pueden usarse
- ▶ cada triangularización de un polígono de n lados consta de n-3 cuerdas y n-2 triángulos (ejercicio)



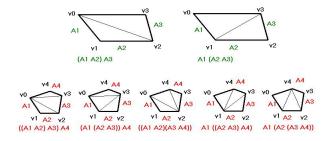


### Reducción

- la estructura de este problema es similar a la de la multiplicación cadena de matrices
- ▶ se define una reducción TRIANGULARIZACIÓN → CADENAMATRICES
- ▶ dado un polígono  $\langle v_0, v_1, \dots, v_{n-1} \rangle$ , se establece una correspondencia entre los lados (excepto  $\overline{v_{n-1}v_0}$ ) y "matrices"  $A_i$ , cuyo "tamaño" es  $v_{i-1}v_i$  y con "tiempo de multiplicación"  $w(\triangle v_i v_i v_k)$



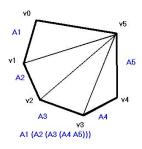
luego cada forma de multiplicar las matrices A<sub>1</sub>A<sub>2</sub>...A<sub>n-1</sub> corresponde a una triangularización del polígono

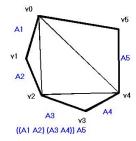




• en el algoritmo, simplemente se reemplaza el costo de cada producto individual. Para las matrices era  $d_i * d_j * d_k$ , mientras que para la triangularización es  $w(\triangle v_i v_j v_k)$ 

temp::=
$$m[i,k]+m[k+1,i+s]+w(v[i],v[j],v[k])$$







- en bioinformática, es frecuente la necesidad de comparar el ADN de dos o más organismos
- una secuencia de ADN se representa como una cadena en la letras que representan cada una de las bases posible: A (adenina), G (guanina), C (citosina) y T (tiamina). Ejemplo: ACCGGTCGGGATGCACCTGAGAAAGCGG
- un posible criterio de "similitud" entre secuencias de DNA es encontrar la subsecuencia común más larga de bases que aparezca en las secuencias aún en forma no consecutiva
- por ejemplo, para AGCGTAG y GTCAGA la subsecuencia común más larga es GCGA
- no es lo mismo que la subcadena más larga, ya que se permiten otros caracteres en el medio

## Formalización del problema

- ▶ formalmente, dadas una secuencia  $X = \langle x_1, x_2, \dots, x_m \rangle$ , otra secuencia  $Z = \langle z_1, z_2, \dots, z_k \rangle$  es una subsecuencia si existe una secuencia creciente de índices  $i_1, i_2, \dots, i_k$  tal que  $x_{i_j} = z_j$  para todo  $j, 1 \le j \le k$
- ▶ ejemplo, para  $X = \langle A, G, C, G, T, A, G \rangle$ ,  $Z = \langle G, C, T, G \rangle$  es una subsecuencia con índices 2,3,5,7
- dadas dos secuencias X, Y se dice que Z es una subsecuencia común de X, Y si Z es subsecuencia de X y Z es subsecuencia de Y
- dadas dos secuencias X, Y el problema de la subsecuencia común más larga (LCS) es el problema de encontrar una subsecuencia común de longitud máxima para X, Y

## Estructura optimal

- un algoritmo de fuerza bruta para resolver LCS es enumerar todas las posibles subsecuencias de X, controlar si también es subsecuencia de Y, y recordar la más larga de ellas
- ▶ este algoritmo es de  $O(2^m)$ , y por lo tanto inviable para m grandes
- sin embargo, es posible comprobar que LCS tiene una subestructura optimal



## Subestructura optimal de LCS

#### **Teorema**

Sean 
$$X = \langle x_1, x_2, \dots, x_m \rangle$$
 e  $Y = \langle y_1, y_2, \dots, y_n \rangle$ . Luego si  $Z = \langle z_1, z_2, \dots, z_k \rangle$  es LCS de  $X, Y$  y

- $\triangleright$   $x_m = y_n$ , entonces  $Z_{k-1}$  es LCS de  $X_{m-1}, Y_{n-1}$
- $\triangleright$   $x_m \neq y_m$  y  $z_k \neq x_m$ , entonces Z es LCS de  $X_{m-1}$ , Y
- $ightharpoonup x_m 
  eq y_m \ y \ z_k 
  eq y_n$ , entonces Z es LCS de  $X, Y_{n-1}$

#### Demostración.

Se prueban los tres punto por contradicción, llegando en todos los casos a mostrar que Z no es LCS de X, Y.

### Solución recursiva

▶ el teorema anterior sugiere la siguiente recurrencia para resolver LCS, siendo C[i,j] el LCS de X<sub>i</sub>, Y<sub>j</sub>

$$C[i,j] = \left\{ \begin{array}{ll} 0 & \text{si } i = 0 \text{ o } j = 0 \\ C[i-1,j-1] + 1 & \text{si } i > 0, j > 0 \text{ y } x_i = y_j \\ m\acute{a}x \big( C[i-1,j], C[i,j-1] \big) & \text{si } i > 0, j > 0 \text{ y } x_i \neq y_j \end{array} \right.$$

se puede ver fácilmente que existe superposición de problemas



# Algoritmo PD

```
function LCS(X[1..m], Y[1..n])
array C[1..m, 1..n] ::= 0
FOR i := 1 TO m
   FOR j::=1 TO n
     IF X[i] == Y[i]
       C[i,j] ::= C[i-1,j-1] + 1
     ELSIF C[i-1,j] >= C[i,j-1]
       C[i,j]::=C[i-1,j]
     ELSE
       C[i,j]::=C[i,j-1]
     ENDIF
   ENDFOR
 ENDFOR ; RETURN C[m,n]
```



# Análisis del algoritmo

- el algoritmo anterior es de tiempo y espacio en O(mn)
- Ejercicio: retornar no sólo la longitud de la LCS entre dos cadenas, sino también una cadena que sea la LCS
- Ejercicio: ¿cómo modificaría el algoritmo para que compute todas las LCS entre dos cadenas, sin aumentar el orden del tiempo ni espacio?

